

PÁLYÁZAT

**A PÉCSI TUDOMÁNYEGYETEM,
ÁLTALÁNOS ORVOSTUDOMÁNYI KAR,
ORVOSI MIKROBIOLÓGIAI ÉS IMMUNITÁSTANI INTÉZET
INTÉZETVEZETŐI/INTÉZETIGAZGATÓI ÁLLÁSÁRA**

REUTER GÁBOR

2015. december 9.

Prof. Dr. Bódis József
Egyetemi tanár
Rektor
Pécsi Tudományegyetem
Pécs, Vasvári Pál u. 4.
7624

Tisztelt Rektor Úr!

Alulírott, Dr. Reuter Gábor megpályázom a Pécsi Tudományegyetem, Általános Orvostudományi Kar, Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet intézetvezetői (intézetigazgatói) állását, mely a Pécsi Tudományegyetem honlapján 2015. november 25-én került közzétételre (pályázati adatbázis azonosító: 6607). A pályázatot a pályázati kiírás megadott feltételei, az Egyetem előírásai (SZMSZ, 5/2014. rektori utasítás) és a Magyar Felsőoktatási Akkreditációs Bizottság (MAB, 2015) ajánlásainak figyelembe vételével állítottam össze, magyar nyelven. A 3 oldalas rövid szakmai önéletrajz és a 3 hónapnál nem régebbi erkölcsi bizonyítványom mellett összekapcsolva mellékeltem az előírt teljes és kibontott személyi részeket, a beadáskor lezárt MTMT táblázatot, a vezetői elképzeléseket (szakmai koncepció, tervek és elképzelések), a nyilatkozatokat és a mellékletben a végzettséget-szakképzettséget igazoló okiratok közjegyző által hitelesített másolatait, 173 számozott oldalon.

A nyomtatott és az elektronikusan (fuchs.eva@pte.hu) benyújtott pályázati anyag formailag és tartalmilag megegyezik. A végzettséget-szakképzettséget igazoló okiratok közjegyző által hitelesített másolatait a nyomtatott példány tartalmazza. Az MTMT táblázatot Farkas Andrea könyvtáros (MTMT Adatbázis-karbantartó csoport, Tel.: 06-1-411-6330) ellenőrizte.

Kérem a Rektor Urat és a Bíráló Bizottságok tagjait, hogy pályázati anyagom megismerését követően azt támogatni szíveskedjenek.

Pécs, 2015. december 9.

Tisztelettel,



Dr. Reuter Gábor

TARTALOMJEGYZÉK

SZEMÉLYI RÉSZ	5
SZEMÉLYES ADATOK.....	5
SZAKMAI ÖNÉLETRAJZ	5
TANULMÁNYOK.....	5
KÖZIGAZGATÁSI ISMERETEK	6
NYELVTUDÁS	6
MUNKAHELY	6
KÜLFÖLDI TANULMÁNYUTAK	7
RENDSZERES OKTATÁSI TEVÉKENYSÉG	8
DIPLOMAMUNKA TÉMAVEZETŐI TEVÉKENYSÉG.....	11
Ph.D. TÉMAVEZETŐI TEVÉKENYSÉG	12
IRÁNYÍTOTT SZEMÉLYEK FELSOROLÁSA, A KUTATÓCSOPORT	
PUBLIKÁCIÓS EREDMÉNYEI AZ ELMÚLT 5 ÉVBEN	12
ELNYERT HAZAI/NEMZETKÖZI TUDOMÁNYOS KUTATÓI PÁLYÁZATOK.....	14
SZAKMAI TÁRSASÁGI ÉS KÖZÉLETI TESTÜLETI TAGSÁG/VEZETŐI	
TISZTSÉGVISELÉS	15
DÍJAK/ELISMERÉSEK	16
KONFERENCIA SZERVEZÉS	17
NEMZETKÖZI KAPCSOLATOK	17
LEKTORI/BÍRÁLÓI TEVÉKENYSÉGI FELKÉRÉS	18
SZAKMAI PUBLIKÁCIÓS JEGYZÉK.....	20
ÖSSZESÍTETT SCIENTOMETRIA.....	20
AZONOSÍTÓK SZAKMAI ADATBÁZISOKBAN.....	20
MTMT ÖSSZEFOGLALÓ TÁBLÁZAT.....	21
KÖNYVFEJEZET, TANKÖNYVFEJEZET, KÖNYVSZERKESZTÉS, E- JEGYZET	22
KÖZLEMÉNYEK, IDÉZETEK JEGYZÉKE	24
TÍZ LEGFONTOSABB PUBLIKÁCIÓ.....	136
IDÉZHETŐ ELŐADÁSKIVONATOK	137
POSZTEREK KONFERENCIÁKON	139
ELŐADÁSOK KONFERENCIÁKON, PLENÁRIS ÉS FELKÉRT ELŐADÁSOK, SEKCIÓELNÖKSÉGEK.....	141
A SZAKMAI TEVÉKENYSÉG TUDOMÁNYÁGA	148
VEZETŐI ELKÉPZELÉSEK (KONCEPCIÓ, TERVEK)	149
MOTIVÁCIÓ.....	149
HELYZETÉRTÉKELÉS	150
VEZETŐI PROGRAM.....	151
NYILATKOZATOK.....	163
ÖSSZEFÉRHETETLENSÉGI ÉS VAGYONNYILATKOZAT	163
MEGISMERHETŐSÉGI NYILATKOZAT, FELHATALMAZÁS.....	164
ERKÖLCSI BIZONYÍTVÁNY	165

MELLÉKLETEK.....	166
-------------------------	------------

VÉGZETTSÉGET, SZAKKÉPZETTSÉGET, NYELVTUDÁST ÉS TUDOMÁNYOS FOKOZATOT (Ph.D., D.Sc.) IGAZOLÓ OKLEVELEK MÁSOLATAI	166
---	-----

SZEMÉLYI RÉSZ

SZEMÉLYES ADATOK

NÉV: **Dr. REUTER GÁBOR KAMILLÓ**
VÉGZETTSÉG: **általános orvos, az orvosi mikrobiológia szakorvosa**
TUDOMÁNYOS FOKOZAT: **Ph.D., Med. Habil., D.Sc.**
ÁLLAMPOLGÁRSÁG: **magyar**
SZÜLETÉSI IDŐ, HELY: **1973. október 9., Pécs**
LAKCÍM: **7632, Pécs, Enyezd utca 19.**
E-MAIL CÍM: reuter.gabor@gmail.com; reuter.gabor@ddr.antsz.hu
CSALÁDI ÁLLAPOT: **nős, feleség: Dr. Reuterné Török Tímea**
gyermek: Reuter Réka (2002);
Reuter Ákos Kamilló (2005)

SZAKMAI ÖNÉLETRAJZ

TANULMÁNYOK:

1988 - 1992	KÖZÉPISKOLA Nagy Lajos Gimnázium, Pécs Speciális kémia tagozat érettségi eredmény: "kitűnő" (C-16./1992)
1993 - 1999	EGYETEM Pécsi Orvostudományi Egyetem, Pécs Általános Orvostudományi Kar diploma: "summa cum laude" (69-124/1999.)
1999 - 2002	DOKTORI (Ph.D.) KÉPZÉS és FOKOZAT Állami ösztöndíjas Ph.D. hallgató Pécsi Tudományegyetem, Pécs Általános Orvostudományi Kar Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet diploma: "summa cum laude" (12/2003.) (virológia)
2010	HABILITÁCIÓ Pécsi Tudományegyetem, Pécs (elméleti orvostudományok, virológia) (24/2010/habil)
2012	ORVOSI MIKROBIOLÓGIA SZAKVIZSGA az orvosi mikrobiológia szakorvosa Nemzeti Vizsgabizottság, Budapest szakvizsga eredmény: "kiválóan megfelelt" (621/2012)
2015	MTA DOKTORA (D.Sc.) Orvostudományok Magyar Tudományos Akadémia, Orvosi Tudományok Osztálya (5296/2015) http://mta.hu/koztestuleti_tagok?PersonId=23391

KÖZIGAZGATÁSI ISMERETEK: Közigazgatási alapvizsga (9/2003.)
Országos Közigazgatási Vizsgabizottság
Közigazgatási szakvizsga (90/2005.)
Országos Közigazgatási Vizsgabizottság

NYELVTUDÁS: ANGOL (középfok "C", A045640/2002)
NÉMET (alapfok "A", RN099/2000)
OROSZ

MUNKAHELY:

2002. júl. – 2004. febr. laboratóriumi orvos, csoportvezető (köztisztviselő)
Állami Népegészségügyi és Tisztiorvosi Szolgálat
Baranya Megyei Intézete, Pécs
Regionális Virologiai Laboratórium
("Gastroenterális Vírusok Nemzeti Referencia
Laboratóriuma")

2004. febr. – 2006. dec. megbízott laboratórium-vezető (köztisztviselő)
Állami Népegészségügyi és Tisztiorvosi Szolgálat
Baranya Megyei Intézete, Pécs
Regionális Virologiai Laboratórium
("Gastroenterális Vírusok Nemzeti Referencia
Laboratóriuma")

2007. jan. – jelenleg laboratórium-vezető (köztisztviselő)
Állami Népegészségügyi és Tisztiorvosi Szolgálat
Dél-Dunántúli Regionális Intézete, Pécs
Regionális Virologiai Laboratórium
("Gastroenterális Vírusok Nemzeti Referencia
Laboratóriuma")

2008. febr. – jelenleg osztályvezető-helyettes (vezető-tanácsos)
Állami Népegészségügyi és Tisztiorvosi Szolgálat
Dél-Dunántúli Regionális Intézete, Pécs
Mikrobiológiai Laboratóriumi Osztály

melynek neve 2011. január 1-től:

Baranya Megyei Kormányhivatal
Népegészségügyi Szakigazgatási Szerve, Pécs
Mikrobiológiai Laboratóriumi Osztály

melynek neve 2015. április 1-től:

Baranya Megyei Kormányhivatal
Népegészségügyi Főosztály, Pécs
Laboratóriumi Osztály

KÜLFÖLDI TANULMÁNYUTAK:

2001. jan. 15. - ápr. 15.

Center for Pediatric Research (CPR),
Children's Hospital of The King's Daughters and Eastern
Virginia Medical School (EVMS), Norfolk, Virginia,
Amerikai Egyesült Államok
(társkutatók: David O. Matson M.D., Ph.D., Xi Jiang
Ph.D.)
Calicivírusok molekuláris epidemiológiai vizsgálata (RT-
PCR, szekvenálás, phylogenetikai elemzés, cikkírás)

2003. jún. 11. - aug. 18.

Research Laboratory for Infectious Diseases and
Perinatal Screening
National Institute of Public Health and The Environment
(RIVM), Bilthoven, Hollandia
(társkutató: Marion Koopmans D.V.M., Ph.D.)
Calicivírusok molekuláris epidemiológiai vizsgálata (RT-
PCR, szekvenálás, phylogenetikai elemzés, cikkírás)

2004. márc. 16. - ápr. 3.

Communicable Disease Surveillance Centre (CDSC) és
Respiratory, Enteric and Neurological Virus Laboratory,
Health Protection Agency (PHLS/HPA)
Colindale, London, Egyesült Királyság
(társkutató: Jim Gray Ph.D., David Brown Ph.D.)
elektronmikroszkópos technikák tanulmányozása és
gyakorlása a virális partikulák kimutatására

2005. aug. 21. - aug. 27.

Research Laboratory for Infectious Diseases and
Perinatal Screening
National Institute of Public Health and The Environment
(RIVM), Bilthoven, Hollandia
(társkutató: Marion Koopmans D.V.M., Ph.D.)
Enterális vírusok (hepatitis A vírus, hepatitis E vírus,
calicivírusok) molekuláris epidemiológiai vizsgálata
(RT-PCR, szekvenálás, phylogenetikai elemzés, cikkírás)

2006. júl. 10. - aug. 18.

Research Laboratory for Infectious Diseases and
Perinatal Screening
National Institute of Public Health and The Environment
(RIVM), Bilthoven, Hollandia
(társkutató: Marion Koopmans D.V.M., Ph.D.)
Calicivírusok molekuláris biológiai vizsgálata (RT-PCR,
szekvenálás, phylogenetikai elemzés, cikkírás)

2011. máj. 20 – jún. 8. Blood Systems Research Institute (BSRI)
University of California San Francisco (UCSF)
San Francisco, California
Amerikai Egyesült Államok
(társkutató: Eric Delwart Ph.D.)
virális metagenomikai vizsgálatok, pyroszekvenálás
(„next generation sequencing” NGS módszerek)
alkalmazása, bioinformatikai elemzések, új vírusok
felfedezése, cikkírás
2015. ápr. 21 – máj. 11. Blood Systems Research Institute (BSRI)
University of California San Francisco (UCSF)
San Francisco, California
Amerikai Egyesült Államok
(társkutató: Eric Delwart Ph.D.)
virális metagenomikai vizsgálatok, „next generation
sequencing” NGS módszerek alkalmazása,
bioinformatikai elemzések, új vírusok felfedezése,
cikkírás

RENDSZERES OKTATÁSI TEVÉKENYSÉG:

- A;** Intézmény: Pécsi Tudományegyetem,
Általános Orvostudományi Kar
Tananyag: Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet
Orvosi Virologia (graduális) *gyakorlatok*
III. éves általános orvostanhallgatók
Kezdet: 1999. szeptembertől 2011. májusig
Óraszám: 4 óra gyakorlat/csoport/I. félév, magyar nyelven
4 óra gyakorlat/csoport/I félév, angol nyelven
(1999-2001 között Dr. Szűcs György helyettesítőjeként, 2002-től
egyszemélyű gyakorlatvezető)
- B;** Intézmény: Pécsi Tudományegyetem,
Általános Orvostudományi Kar
Tananyag: Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet
Orvosi Virologia (graduális) órarend szerinti *előadás*
III. éves általános orvostanhallgatók
Kezdet: 2002. márciustól 2011. májusig
Óraszám: 14 óra előadás/I. félév, magyar nyelven
14 óra előadás/I. félév, angol nyelven
- C;** Intézmény: Pécsi Tudományegyetem,
Általános Orvostudományi Kar
Fogorvostudományi Szak/Kar
Tananyag: Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet
Orvosi Virologia (graduális) órarend szerinti *előadás*
III. éves fogorvostan hallgatók
Kezdet: 2002. márciustól 2011. májusig
Óraszám: 6 óra előadás/II. félév, magyar nyelven
6 óra előadás/II. félév, angol nyelven
- D;** Intézmény: Pécsi Tudományegyetem,
Általános Orvostudományi Kar

		Fogorvostudományi Szak/Kar Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet Orvosi Virologia (graduális) <i>gyakorlatok</i> III. éves fogorvostan hallgatók
	Tananyag:	
	Kezdet:	2002. márciustól 2011. májusig
	Óraszám:	2 óra gyakorlat/II. félév, magyar nyelven 2 óra gyakorlat/II. félév, angol nyelven
E;	Intézmény:	Pécsi Tudományegyetem Általános Orvostudományi Kar Orvosi Népegészségtani Intézet
	Tananyag:	Közegészségtani (graduális) <i>gyakorlatok</i> IV. éves általános orvostanhallgatók
	Kezdet:	2002. márciustól 2013. májusig
	Óraszám:	2 óra gyakorlat/csoport/II. félév, magyar nyelven 2 óra gyakorlat/csoport/II. félév, angol nyelven
F;	Intézmény:	Országos Vérellátó Szolgálat Pécsi Regionális Vérellátó Központ
	Tananyag:	Vértranszfúziós tanfolyam „Vérrel átvihető fertőző betegségek I. -HIV/AIDS” <i>előadás</i> rezidens orvosok részére
	Kezdet:	2003. szeptembertől jelenleg
	Óraszám:	3 előadás/év, magyar nyelven
G;	Intézmény:	Pécsi Tudományegyetem Egészségtudományi Kar Kaposvári Képzési Központ
	Tananyag:	Orvosi Virologiai <i>gyakorlatok</i> Orvosdiagnosztikai Laboratóriumi Analitikus Szak hallgatói
	Kezdet:	2005. szeptembertől jelenleg
	Óraszám:	1 hét laboratóriumi gyakorlat
H;	Intézmény:	Pécsi Tudományegyetem Gyógyszerésztudományi Szak
	Tananyag:	Orvosi Virologia (graduális) órarend szerinti <i>előadás</i> III. éves gyógyszerész hallgatók
	Kezdet:	2006. szeptembertől 2011. májusig
	Óraszám:	10 óra előadás/II. félév, magyar nyelven
I;	Intézmény:	Pécsi Tudományegyetem Gyógyszerésztudományi Szak
	Tananyag:	Orvosi Virologia <i>gyakorlatok</i> III. éves gyógyszerész hallgatók
	Kezdet:	2006. szeptembertől 2011. májusig
	Óraszám:	2 óra gyakorlat/II félév, magyar nyelven
J;	Intézmény:	Országos Epidemiológiai Központ (OEK), Budapest Virologiai Főosztály
	Tananyag:	Virális gastroenteritisek Virologiai Hét – akkreditált továbbképzés (nyilvános)
	Kezdet:	2008. szeptembertől – 2012. szeptemberig
	Óraszám:	2 előadás/év, magyar nyelven
K;	Intézmény:	Országos Epidemiológiai Központ (OEK), Budapest Bakteriológia II. Osztály
	Tananyag:	Virális gastroenteritisek diagnosztikája akkreditált továbbképzés (nyilvános)
	Kezdet:	2008. novembertől – 2012. szeptemberig
	Óraszám:	1 előadás/év, magyar nyelven

L;	Intézmény:	Pécsi Tudományegyetem, Általános Orvostudományi Kar
	Tananyag:	„Általános, klinikai és járványügyi virológia” című fakultatív tárgy (előadó és tantárgyfelelős) III.-VI. éves általános orvostanhallgatók
	Kezdet:	2013. szeptembertől - jelenleg
	Óraszám:	12 óra előadás/II. félév, magyar nyelven 1 óra gyakorlat/II félév, magyar nyelven
2004. dec. – 2011. május		Pécsi Tudományegyetem Általános Orvostudományi Kar *Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet Vizsgakérdések összeállítása Orvosi Virologiából általános orvos, fogorvos, gyógyszerész-hallgatók
2009. dec. – jelenleg		Pécsi Tudományegyetem Általános Orvostudományi Kar Elméleti Orvostudományok Doktori Iskola „Bakteriális fertőzések molekuláris pathogenezeise” Prof. Dr. Emőd Levente vezette Doktori Programjának témakiírója, témavezetője, kurzusok felkért előadója (http://www.doktori.hu) http://www.doktori.hu/index.php?menuid=192&sz_ID=8582
2015. ápr. – jelenleg		Emberi Erőforrások Minisztériuma, államtitkár Orvosi mikrobiológia területén szakvizsgáztatói feladatok ellátása

Az orvosi mikrobiológia, a laboratóriumi medicina és az infektológia szakvizsgára készülő orvosok, valamint klinikai mikrobiológiai szakképesítés készülő egyéb diplomások felkészüléséhez szükséges elméleti és gyakorlati virológiai ismeretek személyes átadása. Hasonlóan, részvétel a „népegészségügyi ellenőr” (Pécsi Tudományegyetem, EFK) képzésben. Évente 10-15 fő szakorvos és szakasszisztens személyes képzése 2002 óta. A Baranya Megyei Kormányhivatal, Népegészségügyi Főosztály a Pécsi Tudományegyetem akkreditált külső szakképző helye; R.G., a szakképzés vezetője.

Rendszeresen felkért előadó posztgraduális képzéseken, akkreditált szak- és továbbképzéseken virológiai, közegészségtani-járványtani kérdésekben. Évente átlagosan 4-8 felkért előadás tartása az orvosi és járványügyi virológia legkülönbözőbb területéről, aktuális kérdésekről egyetemeken, kórházak és egészségügyi intézmények részére 2002 óta. (Lásd Önéletrajz adatait: előadások-felkért előadások)

Az OFTEX rendszerben is elérhető továbbképzések előadója (a teljesség igénye nélkül):
Influenza/madárinfluenza aktuális kérdései; 20 előadás sorozata a megyeszékhelyeken (2005-2006)

Aktualitások a mikrobiológiai diagnosztikában. PTE ÁOK/2010.I./00191

Gyermekgyógyászati Továbbképzési Program. 2010. II. PTE ÁOK/2010.II/00032

A klinikai mikrobiológia molekuláris és hagyományos vizsgáló módszerei. DEOEC/2011.II/00274

Hazai Nemzeti Referencia Laboratóriumok Találkozója. DEOEC/2013.I./00279

Újdonságok a klinikai mikrobiológiában.SZTE-ÁOK/2014.I./00100

Infekció, infekciókontroll. Trópusi betegségek. Migráció. PTE ÁOK/2014.II/00107

A klinikai mikrobiológia aktuális problémái PTE ÁOK/2015.I./00207

Infekció, infekciókontroll. Trópusi betegségek. Migráció. PTE ÁOK/2015.II/00127

Rendszeresen felkért szakértő virológiai, közegészségtani-járványtani kérdésekkel kapcsolatban. Részvétel a lakossági tájékoztatás és felvilágosítás szolgálatában a mértékadó írott és az elektronikus médiában virológiai, közegészségtani-járványtani kérdésekben.

(Pl: Új Dunántúli Napló 2004. június 6; Új Dunántúli napló 2008. április 26; Új Dunántúli Napló 2008. június 13; Új Dunántúli Napló 2008. november 13; Új Dunántúli Napló, 2009. június 19; Szekszárdi Vasárnap 2009. szeptember 13.; Új Dunántúli Napló, 2009. október 7. stb.)

A pályázó jelenlegi munkahelye a Baranya Megyei Kormányhivatal, Népegészségügyi Főosztály, Mikrobiológiai Laboratóriumi Osztályon belül a Regionális Virologiai Laboratórium, melynek fő tevékenységi köre a klinikai (betegellátás) és járványügyi virológiai diagnosztikai tevékenység napi ellátása, a laboratórium vezetése. A laboratórium ellátási területe a Dél-Dunántúl (Baranya, Somogy és Tolna megye), a gastroenteritist okozó vírusok esetében országos feladatokat ellátó Nemzeti Referencia Laboratórium. A laboratórium évente 22.000-24.000 mintából 45.000-55.000 különböző típusú virológiai diagnosztikai és szűrővizsgálatot végez (a közvetlen víruskimutatás különböző módszerei – HA, LA, immunokromatográfia, ELISA, PCR, RT-PCR, real-time PCR, szekvenálás stb. - és szerológia), melynek szervezésének, szakmai felügyeletének és klinikai-járványügyi konzultációjának ellátása a pályázó feladata. Ezen kívül rendelés és tanácsadás biztosítása az anonim és nevesített HIV szűrővizsgálatokon megjelentek részére (~300-400 fő/év).

DIPLOMAMUNKA TÉMAVEZETŐI TEVÉKENYSÉG

Összesen 9 TDK hallgató (PTE ÁOK, PTE TTK, PTE EFK) irányítása a Pécsi Tudományegyetemen (PTE), melyek mindegyike diplomadolgozattal (N=7) vagy dékáni pályaművel (N=2) zárultak 2002-től:

Belák Gergely (PTE, ÁOK, 2003)	TDK előadás, 2003
Németh Andrea (PTE, TTK, 2003)	
Bognár Eszter (PTE, TTK, 2005)	
Balla Krisztina (PTE, TTK, 2005)	
Márcz Laura (PTE, EFK, 2005)	
Pankovics Péter (PTE, TTK, 2007)	TDK előadás, 2006
	OTDK előadás, Debrecen, 2007 (jelenleg munkatárs)
Burián Zsófia (PTE, ÁOK, 2009)	TDK előadás, 2008
	PTE Dékáni pályamunka, 2009
	TDK előadás, 2010
Sharon Muraleedharan (PTE, ÁOK, 2013)	angol nyelvű, 2013
Horváth Katalin Barbara (PTE, ÁOK, 2013)	TDK előadás, 2013
	OTDK előadás, Szeged 2013
	Grastyán Konferencia, Pécs 2013
	Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság (MIFKMT) pályázat, Budapest 2013
	Amerikai Magyar Orvosszövetség (HMAA) Konferenciája, Balatonfüred, 2013
	PTE Dékáni pályamunka, 2013

A 9 TDK hallgatóból 4 hallgató tartott TDK előadást összesen 7-szer:

1 TDK előadás a PTE TDK-n II. helyezést ért el: Pankovics Péter PTE, TTK, 2006

1 TDK előadás az OTDK-n III. helyezést ért el: Pankovics Péter PTE, TTK, 2007

1 TDK előadás a PTE TDK-n I. helyezést ért el: Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

1 TDK előadás az OTDK-n I. helyezést ért el: Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

PTE Dékáni pályamunka II. helyezés: Burián Zsófia PTE, ÁOK, 2009

PTE Dékáni pályamunka I. helyezés: Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

A TDK hallgatók által tartott egyéb előadások és eredményei:

Grastyán Endre Szakkollégium, Pécs: V. Nemzetközi XI. Országos Interdiszciplináris

Grastyán Konferencia: I. helyezést ért el: Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság (MIFKMT), Fiatal Infektológusok Fóruma pályázat: I. helyezést ért el: Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

Amerikai Magyar Orvosszövetség (HMAA) Konferenciája, Balatonfüred

Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

Magyar Onkológusok Társasága XXX. Kongresszus, Pécs, 2013

Horváth Katalin Barbara PTE, ÁOK, 2013

A 9 diplomadolgozat közül 8 jeles, 1 - külön kérésemre - jó minősítést kapott.

Jelenleg 3 TDK hallgató irányítása:

Bolba Nóra (PTE, ÁOK, IV. évfolyam)

Hargitai Renáta (PTE, ÁOK, IV. évfolyam)

Hamarics Zsófia (PTE, ÁOK, IV. évfolyam)

Ph.D. TÉMAVEZETŐI TEVÉKENYSÉG

Forgách Petra (Szent István Egyetem, Állatorv.-tud. Kar) fokozatszerzés éve: 2010
(nem regisztrált társ-témavezető)

Pankovics Péter (PTE, ÁOK, 2012-2014) fokozatszerzés éve: 2014
(egyszemélyű regisztrált témavezető)

Horváth Katalin Barbara (PTE, ÁOK, 2015. szeptembertől)
(egyszemélyű regisztrált témavezető)

IRÁNYÍTOTT SZEMÉLYEK FELSOROLÁSA, A KUTATÓCSOPORT PUBLIKÁCIÓS EREDMÉNYEI AZ ELMÚLT 5 ÉVBEN

Név	jelenlegi munkahely	együttműködés ideje	közös munka
Dr. Belák Gergely	traumatológus szakorvos Zala Megyei Kórház	2001-2003	Diplomamunka

Zalaegerszeg

Németh Andrea	biológus, laboratórium-vezető Veszprém Megyei Kormányhivatal Veszprém	2001-2003	Diplomamunka
Bognár Eszter Ph.D.	biológus, PTE ÁOK, Biokémiai és Orvosi Kémiai Intézet, Pécs	2003-2005	Diplomamunka
Balla Krisztina Ph.D.	biológus, MTA ATK, Mezőgazdasági Intézet Kalászos Gabona Rezisztencia Nemesítési Osztály	2003-2005	Diplomamunka
Boldizsár Ákos	biológus, MTA ATK, Mezőgazdasági Intézet Növényi Molekuláris Biológia Osztály	2007-2009	4db közös angol nyelvű közlemény
Dr. Burián Zsófia	rezidens orvos, PTE ÁOK, Sürgősségi Orvostani Tanszék	2008-2010	Diplomamunka, 1db közös elsőszerezős angol nyelvű közlemény
Boros Ákos PhD	biológus, Baranya Megyei Kormányhivatal, Regionális Virologiai Laboratórium	2009-jelenleg	39db angol és magyar nyelvű közös közlemény (tanulmányút biztosítása (2012) a The Pirbright Institute-ba, Pirbright, UK) TÁMOP-4.2.4.A/2-11/1- 2012-0001 Nemzeti Kiváló- sági Program elnyerése; Bolyai János Kutatási Ösztöndíj elnyerése (2015- 2018)
Pankovics Péter Ph.D.	biológus, Baranya Megyei Kormányhivatal, Regionális Virologiai Laboratórium	2006-jelenleg	55db angol és magyar nyelvű közös közlemény, lezárult Ph.D. témavezetés
Horváth Katalin Barbara	TDK, majd Ph.D. hallgató	2012-jelenleg	Diplomamunka, Dékáni pályamunka, 3db közös (2db elsőszerezős) közlemény, OTDK Mikrobiológia I. helyezés (Szeged, 2013)
Adonyi Ádám	jelenleg 3. éves biológus hallgató	2013-jelenleg	Diplomamunka, 2db angol nyelvű közös közlemény, XXXII OTDK Mikrobiológia I. helyezés (Pécs, 2015), az American Society for Microbiology (ASM) különdíja (2015)
Hargitai Renáta	jelenleg 4. éves medika,	2014-jelenleg	1db közös (elsőszerezős) angol nyelvű közlemény

A közös közlemények és cikkek felsorolása, továbbá a teljes publikációs lista a SZAKMAI PUBLIKÁCIÓS JEGYZÉKBEN található.

ELNYERT HAZAI ÉS NEMZETKÖZI TUDOMÁNYOS KUTATÓI PÁLYÁZATOK

1. Pályázat kiírója: Egészségügyi Tudományos Tanács (ETT 118/2000)

Címe: Humán calicivírusok okozta gastroenteritis járványok diagnosztikájának és a vírusok azonosításának megteremtése.

Típusa: ETT 118/2000 (társrésztvevő)

Éve: 2000-2003

Elnyert összeg: 2.400.000 Ft

2. Pályázat kiírója: European Union Framework 5 (QLRT-1999-00594), társult tag

Címe: Food-borne Viruses in Europe (FBVE)

Típusa: QLRT-1999-00594 (társrésztvevő)

Éve: 1999-2003

Elnyert összeg: társult tag, költségvetés nélkül

3. Pályázat kiírója: European Union Framework 6 (SP22-CT-2004-502571)

Címe: Enteric Virus Emergence – New Tools (EVENT)

Típusa: SP22-CT-2004-502571 (társrésztvevő, 2006-tól témavezető és hazai koordinátor)

Éve: 2004-2009

Elnyert összeg: 292.708 EUR

4. Pályázat kiírója: European Union DG-Sanco (2003213)

Címe: Prevention of emerging (food-borne) enteric viral infections: diagnosis, viability testing, networking and epidemiology (DIVINE-NET)

Típusa: 2003213 (társrésztvevő, 2006-tól témavezető, hazai koordinátor)

Éve: 2004-2008

Elnyert összeg: 43.429 EUR

5. Pályázat kiírója: Országos Tudományos és Kutatási Alapprogramok (OTKA, F048433)

Címe: Magyarországi gastroenteritis járványokból kimutatott calicivírusok molekuláris epidemiológiai vizsgálata

Típusa: OTKA, F048433 (témavezető)

Éve: 2005-2008

Elnyert összeg: 5.100.000 Ft

6. Pályázat kiírója: PHARE külföldi tanulmányút támogatás (HU0011-HU2002/000-180-02-03)

Címe: „Az ÁNTSZ járványügyi felügyelet és a támogató informatikai rendszer fejlesztése”

Típusa: HU0011-HU2002/000-180-02-03 (témavezető)

Éve: 2003

Elnyert összeg: 1.100.000 Ft

7. Pályázat kiírója: PHARE külföldi tanulmányút támogatás (HU0011-HU2002/000-180-02-03)

Címe: „Az ÁNTSZ járványügyi felügyelet és a támogató informatikai rendszer fejlesztése”

Típusa: HU0011-HU2002/000-180-02-03 (témavezető)

Éve: 2004

Elnyert összeg: 730.000 Ft

8. Pályázat kiírója: PHARE külföldi tanulmányút támogatás (HUN0011-HU2002/000-180-02-03)

Címe: „Az ÁNTSZ járványügyi felügyelet és a támogató informatikai rendszer fejlesztése”

Típusa: HUN0011-HU2002/000-180-02-03 (témavezető)

Éve: 2005

Elnyert összeg: 320.000 Ft

9. Pályázat kiírója: Magyar Tudományos Akadémia (MTA), „Bolyai János” Kutatási Ösztöndíj Kuratóriuma

Címe: Új, burok nélküli, pozitív, egyszálú RNS (+ssRNS) genomú vírusok és gazdafajaik

Típusa: BO/00120/11/5 (témavezető)

Éve: 2011-2013

Elnyert összeg: 124.500 Ft/hó

10. Pályázat kiírója: Országos Tudományos és Kutatási Alapprogramok (OTKA, K83013)

Címe: Új, burok nélküli, pozitív, egyszálú RNS (+ssRNS) genomú vírusok és gazdafajaik

Típusa: OTKA, K83013 (témavezető)

Éve: 2011-2014

Elnyert összeg: 13.900.000 Ft

11. Pályázat kiírója: Országos Tudományos és Kutatási Alapprogramok (OTKA, K111615)

Címe: Discovery of novel viruses and virus-like agents in animals and humans by molecular methods and viral metagenomics

Típusa: OTKA, K111615 (témavezető)

Éve: 2015-2018

Elnyert összeg: 25.782.000 Ft

SZAKMAI TÁRSASÁGI ÉS KÖZÉLETI TESTÜLETI TAGSÁG/VEZETŐI TISZTSÉGVISELÉS

PÉCSI TUDOMÁNYEGYETEM ÁOK, Tudományos Diákkör (1996-1999)

MAGYAR ORVOSI KAMARA (MOK), tag (1999 - jelenleg)

MAGYAR INFEKTOLÓGIAI és KLINIKAI MIKROBIOLÓGIAI TÁRSASÁG (MIFKMT) tag (2000 - jelenleg); választott vezetőségi tag (2009 – 2012; újraválasztott 2012 – 2015; újraválasztott 2015 - jelenleg)

MAGYAR MIKROBIOLÓGIAI TÁRSASÁG (MMT), tag (2000 - jelenleg)

GASTRENTÉRÁLIS VÍRUSOK NEMZETI REFERENCIA LABORATÓRIUMA vezető (2006 – jelenleg)

PÉCSI TUDOMÁNYEGYETEM ÁOK Közegészségügyi és Járványügyi Bizottság tag (2005 – jelenleg)

EUROPEAN SOCIETY FOR CLINICAL VIROLOGY (ESCV), tag (2009 - jelenleg)

EUROPEAN SOCIETY FOR CLINICAL MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES (ESCMID), tag (2009 - jelenleg)

Mikrobiológiai Szakmai Kollégiumi választás jelöltje 2 szakmai társaság (MMT és MIFKMT) által (2009)

KLINIKAI ÉS JÁRVÁNYÜGYI MIKROBIOLÓGIAI SZAKMAI KOLLÉGIUM, Tanácsadó Testületének tagja (2011 - jelenleg)

MAGYAR TUDOMÁNYOS AKADÉMIA (MTA) Köztestületi tag, Elméleti Orvostudományi Bizottság (2011 – jelenleg)

INTERNATIONAL COMMITTEE ON TAXONOMY OF VIRUSES (ICTV),
PICORNAVIRIDAE STUDY GROUP, tag (2011- jelenleg)
 MAGYAR TUDOMÁNYOS AKADÉMIA (MTA), Orvosi Tudományok Osztálya, Klinikai
 Tudományos Bizottság, Infektológiai Munkabizottság tag (2012-jelenleg)
 AMERICAN SOCIETY FOR MICROBIOLOGY (ASM), tag (2014 – jelenleg)
 MAGYAR TUDOMÁNYOS AKADÉMIA (MTA), Orvosi Tudományok Osztálya, Bolyai
 János Kutatási Ösztöndíj szakértői testülete, tag (2014 – jelenleg)
 [OTKA INFRA zsűritag felkérés (2015. nov.); egyelőre az elfoglaltságok miatt nem vállaltam]

DÍJAK, ELISMERÉSEK

- 3 díj, Tudományos Diákköri Konferencia (Pécs, 1999)
- Rektori dicséret, Rektori pályázat, Pécsi Tudományegyetem (1999)
- Megyei Tisztiorvosi Dicséret, ÁNTSZ Baranya Megyei Intézete (2002)
- 3 díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata (2003)
- utazási grant, 14th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases, Prága, Csehország, (2004)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2004)
- utazási grant, 2nd International Calicivirus Conference, Dijon, Franciaország (2004)
- 1. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata (2005)
- utazási grant, 16th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases, Nice, Franciaország, (2006)
- “Orvosi Hetilap Markuszovszky Lajos Díj - 2005” (2006)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2006)
- 2. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata (2007)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2007)
- **Elismerő Oklevél OTDK (XXVIII) témavezetői tevékenységért, OTDT (2007)**
- utazási grant, 18th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases, Barcelona, Spanyolország, (2008)
- 1. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata (2008)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2008)
- 1. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Nagygyűlésének (2008) legjobb fiatal előadója a Virologia Szekcióban (2009)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2009)
- utazási grant, 12th ESCV Meeting, European Society for Clinical Virology, Isztambul, Törökország (2009)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata (2010)
- Magyar Tudományos Akadémia, Bolyai János Kutatási Ösztöndíja (2011)
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata, Klinikai Mikrobiológia Szekció, témavezető (2012)
- 1. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata, témavezető (2012)
- 2. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata, témavezető (2013) B.Á.
- 2. díj, Magyar Mikrobiológiai Társaság Közlemény-pályázata, témavezető (2013) P.P.
- **Elismerő Oklevél OTDK (XXXI) témavezetői tevékenységért, OTDT (2013)**
- **Elismerő Oklevél elkötelezett és eredményes tehetséggondozó tevékenységért, Pécsi Tudományegyetem, Rektori Hivatal (2013)**
- 1. díj, Magyar Infektológiai Társaság Fiatal Infektológusok Pályázata, Klinikai Mikrobiológia Szekció, témavezető (2013)
- **Bolyai-plakett, Magyar Tudományos Akadémia (MTA), Bolyai János Kutatási Ösztöndíj Kuratóriuma (2014)**

KONFERENCIA SZERVEZÉS

Főszervező: „Foodborne Viruses in Europe” Konzorcium (DIVINE-NET/EVENT, EU6) 3. éves konferenciája, Pécs, 2007. szeptember 27-28.

Főszervező: A Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság Mikrobiológiai Szekciójának Tudományos Ülése, Budapest, 2012. március 8. (+szekció elnökség)

Főszervező: A Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság Mikrobiológiai Szekciójának Tudományos Ülése, Budapest, 2013. március 7. (+szekció elnökség)

NEMZETKÖZI KAPCSOLATOK

(a teljesség igénye nélkül)

Az alábbi külföldi Intézetek kutatóival ápolunk szoros, napi munka-kapcsolatot 1999 óta, melyek közös tanulmányutakban (lsd. tanulmányutakat) kutatói összefüggésekben, megbeszélésekben (lsd. tanulmányutak és konferenciák), elnyert közös kutatási pályázatokban (lsd. elnyert pályázatok), közös kéziratokban, cikkekben (lsd. publikációs lista), diagnosztikumok előállításában és a munka-kapcsolaton túli személyes kapcsolattartásban is részt vett:

Európa (FBVE, EVENT, DIVINE-NET networks részeként – 1999-től):

National Institute for Public Health and the Environment (RIVM)	Bilthoven, Hollandia
Erasmus Medical Center (EMC)	Rotterdam, Hollandia
Health Protection Agency (HPA)	London, Egyesült Királyság
Swedish Institute for Infectious Disease Control (SIIDC)	Stockholm, Svédország
University of Helsinki (UH)	Helsinki, Finnország
Statens Serum Institute (SSI)	Koppenhága, Dánia
CHU de Dijon	Dijon, Franciaország
IFREMER	Nantes, Franciaország
Universitat de Barcelona (UB)	Barcelona, Spanyolország
Universitat de València (UEV)	Valencia, Spanyolország
Instituto de Salud Carlos III (ISCIII)	Madrid, Spanyolország
University of Ljubljana (UL)	Ljubljana, Szlovénia
Instituto Superiore di Sanita (ISS)	Róma, Olaszország
Robert Koch Institute (RKI)	Berlin, Németország

Európa egyéb:

University of Istanbul	Isztambul, Törökország
The Pirbright Institute	Pirbright, Egyesült Királyság
University of Vienna	Bécs, Ausztria
CerTest Biotec	Zaragoza, Spanyolország
Twincore	Hannover, Németország

Észak-Amerika (2001-től)

Cincinnati Children's Hospital Medical Center (CCHMC)	Cincinnati, Ohio, USA
Center for Pediatric Research (CPR)	Norfolk, Virginia, USA
Eastern Virginia Medical School (EVMS)	Norfolk, Virginia, USA
Center for Disease Control and Prevention (CDC)	Atlanta, Georgia, USA

University of California SF
Blood Systems Research Institute (BSRI)

San Francisco, USA
San Francisco, USA

Noronet – „Global Norovirus Network” részeként 2007-től

National Institute for Public Health and the Environment (RIVM)	Bilthoven, Hollandia
Center for Disease Control and Prevention (CDC)	Atlanta, USA
University of Alberta	Alberta, Kanada
University of New South Wales	Sydney, Ausztrália
Osaka City Institute of Public Health and Environmental Sciences	Osaka, Japan
Centre for Health Protection	Hong Kong, Kína
Kenepuru Science Centre	Wellington, Új-Zealand
University of Pretoria	Pretoria, Dél-Afrikai Közt.
All India Institute of Medical Science	Új-Delhi, India
Universidad de Chile	Santiago, Chile
Health Protection Agency (HPA)	London, Egyesült Királyság
Robert Koch Institute (RKI)	Berlin, Németország

Távol-Kelet (2001-től)

Aichi Prefectural Institute of Public Health	Nagoya, Japán
Inje University Collage of Medicine	Szöul, Dél-Korea

LEKTORI/BÍRÁLÓI TEVÉKENYSÉGI FELKÉRÉS

Folyóiratok:

Acta Veterinaria Hungarica
AMB Express
Archives of Virology
BioMed Research International
BioResearch Open Access
BMC Public Health
BMC Veterinary Research
British Journal of Medicine and Medical Research (BJMMR)
Diagnostic Pathology
Emerging Infectious Diseases (EID)
Eurosurveillance
Infection, Genetics and Evolution
International Journal of Food Microbiology
International Journal of Molecular Sciences
Journal of Basic Microbiology
Journal of Clinical Pathology
Journal of Clinical Virology (JCV)
Journal of General Virology (JGV)
Journal of Global Infectious Diseases (JGID)
Journal of Infection
Journal of Medical Microbiology (JMM)
Journal of Medical Virology (JMV)
Journal of Virological Methods
PLoS One

Research in Veterinary Science
Vector-Borne and Zoonotic Diseases
Veterinary Microbiology
Virology
Virology Journal
Virus Genes
Viruses
World Journal of Virology

(Eddig hat folyóirat kért fel szerkesztőbizottsági tagnak, de elfoglaltságaim miatt a felkéréseket egyelőre nem vállaltam el.)

Hazai pályázatok:

- 3 OTKA pályázati felkérés (2011, 2012, 2013), de összeférhetetlenség (2011), kompetencia hiánya (2012), illetve a felkérésről való késedelmes értesülés (2013) miatt tényleges bíráló nem történt
- MTA Bolyai János Kutatási Ösztöndíj pályázatok bírálata, kutatói jelentések értékelése, 2014. április – 2016. december

Nemzetközi pályázatok:

- Vidi grant 016.126.350; 2012. február
The Netherlands Organisation for Scientific Research, NWO
- VEGA grant 1/0342/14; 2013. augusztus
Ministry of Education of the Slovak Republic/Slovak Academy of Science
- General Research Fund No. 17110914; 2014. március
Research Grants Council (RGC) of Hong Kong, China
- Innovative Medicines Initiative, 11th Call for Proposals, 2013. december; 2014. március-május; Brüsszel: 2014. május 12-15.
„Zoonoses Anticipation and Preparedness Initiative (ZAPI)”
Innovative Medicines Initiative (IMI) Joint Undertaking, Brussels, Belgium
experts in evaluation of Expression of Interests proposals (1st stage)
- Innovative Medicines Initiative, 11th Call for Proposals, 2013. december; 2014. szeptember-október; Brüsszel: 2014. október 7-9.
„Zoonoses Anticipation and Preparedness Initiative (ZAPI)”
Innovative Medicines Initiative (IMI) Joint Undertaking, Brussels, Belgium
experts in evaluation of Full Project proposals (2nd stage)
- General Research Fund No. 17107415; 2015. március
Research Grants Council (RGC) of Hong Kong, China

Felkért tag az orvosi mikrobiológia szak rezidensjelöltjeinek rendszerbevételei eljárásán (Pécsi Tudományegyetem, ÁOK, Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet: 2007, 2008, 2009).

Felkért tag a Ph.D. hallgatók Ph.D. szigorlatain (PTE):

Kovács Krisztina (PTE, ÁOK, 2004)

Benedek Orsolya (PTE, ÁOK, 2004)

Kilár Anikó (PTE, ÁOK, 2008)

Havasi Viktória (PTE, ÁOK, 2009)

Szanyi István (PTE, ÁOK, 2011)

Kovács Judit Klára (PTE, ÁOK, 2014)

Felkért külső bizottsági tag Ph.D. hallgatók védésein:

Pálvölgyi Adrienn (PTE, TTK, 2009)

Deák Veronika (PTE, TTK, 2010)

Kapusinszky Beatrix (ELTE, TTK, Biológia, 2010)

Ghazawi Akela (PTE, TTK, 2013)

Felkért opponens Ph.D. dolgozat bírálatára:

Kern Anita (ELTE, TTK, 2014)

Felkért bíráló Habilitációs eljárásban:

Dr. Péterfi Zoltán (PTE, ÁOK, 2012)

Diplomamunka bírálata (MSc):

Szabó Attila (ELTE, TTK, Biológia, 2012)

SAKMAI PUBLIKÁCIÓS JEGYZÉK

(lezárva: 2015. december 9.)

ÖSSZESÍTETT SCIENTOMETRIA

Közlemények száma: 118

Angol nyelvű (peer-reviewed) közlemények száma: 78

Első szerzős közlemények száma: 57

Utolsó szerzős közlemények száma: 32

Könyvfejezetek száma: 12

Könyv (társ-)szerkesztés: 1 (virologiai részek szerkesztése, benne 9 esettanulmány)

Egyetemi e-jegyzet fejezet: 1 (magyar/angol/német nyelveken)

Kumulatív impakt faktor (absztraktok nélkül): 266,879

Független idézetek száma: 2191 (Összes idézettség: 2742)

H-index: 27

AZONOSÍTÓK SAKMAI ADATBÁZISOKBAN

MTMT: 10014621 (link: <https://vm.mtmt.hu/www/index.php?AuthorID=10014621>)

Scopus: 7103259194

Researcher ID: I-7412-2013

ORCID: 0000-0002-5857-4934

MTMT ÖSSZEFOGLALÓ TÁBLÁZAT (lezárva: 2015. december 9.)

MTMT közlemény és idéző összefoglaló táblázat
Reuter Gábor adatai (2015.12.09.)

Közlemény típusok	Szám		Hivatkozások ¹	
	Összesen	Részletezve	Független	Összes
Teljes tudományos közlemények ²				
I. Tudományos folyóiratcikk	109	---	---	---
Nemzetközi szakfolyóiratban	---	74	1966	2499
Hazai kiadású szakfolyóiratban idegen nyelven	---	3	19	20
Hazai kiadású szakfolyóiratban magyar nyelven	---	32	41	54
II. Könyvek	0	---	---	---
a) Könyv, szerzőként	0	---	---	---
Idegen nyelvű	---	0	0	0
Magyar nyelvű	---	0	0	0
b) Könyv, szerkesztőként	0	---	---	---
Idegen nyelvű	---	0	3	---
Magyar nyelvű	---	0	---	---
III. Könyvrészlet	7	---	---	---
Idegen nyelvű	---	2	0	0
Magyar nyelvű	---	5	2	3
IV. Konferenciaközlemény folyóiratban vagy konferenciakötetben	0	---	0	0
Idegen nyelvű	---	0	0	0
Magyar nyelvű	---	0	0	0
Tudományos közlemények összesen (I-IV.)	116	---	2028	2576
További tudományos művek⁴	---	8	2	2

Idézetek száma⁵	---	---	2032	2581
Hirsch index⁵	27	---	---	---

Oktatási művek				
Felsőoktatási tankönyv	5	---	---	---
Idegen nyelvű	---	0	0	0
Magyar nyelvű	---	0	0	0
Felsőoktatási tankönyv része idegen nyelven	---	0	0	0
Felsőoktatási tankönyv része magyar nyelven	---	5	0	0
További oktatási művek	7	---	0	0

Olthalmi formák	0	---	0	0
------------------------	---	-----	---	---

Alkotás	0	---	0	0
----------------	---	-----	---	---

Ismeretterjesztő művek				
Könyvek	0	---	0	0
További művek	0	---	0	0

Közérdekű és nem besorolt művek	0	---	0	0
--	---	-----	---	---

Absztrakt	29	---	2	3
------------------	----	-----	---	---

Egyéb szerzőség	0	---	0	0
Idézők szerkesztett művekben	---	---	0	0
Idézők disszertációban, egyéb típusban	---	---	159	161
Idézők összesen, minden típus, minden jelleg	---	---	2191	2742

Megjegyzések:

A táblázat számai hivatkozások is. A számra kattintva a program listázza azokat a műveket, amelyeket a cellában összeszámolt.

--- : Nem kitölthető mező

¹ A hivatkozások a disszertáció és egyéb típusú idézők nélkül számolva. A disszertáció és egyéb típusú idézők összesítése a táblázat végén található.

² Teljes tudományos közlemény ebben az adatbázisban:

Folyóiratcikk: szakcikk/tanulmány, összefoglaló cikk, rövid közlemény, sokszerzős vagy csoportos szerzőségű közlemény, forráskiadás, recenzió/kritika, műkritika, esszé

Könyv: szakkönyv, monográfia, kézikönyv, forráskiadás, kritikai kiadás, műhelytanulmány, atlasz

Könyvrészlet: szaktanulmány, esszé, forráskiadás, recenzió/kritika, műkritika, műtárgyleírás, térkép, műhelytanulmány része

Konferenciaközlemény: folyóiratban, könyvben, egyéb konferenciakötetben megjelent legalább 3 oldal terjedelemben

Olthalmi formák: szabadalmak, mintaoltalmak

³ Szerkesztőként nem részesedik a könyv idézéséből.

⁴ Ide értve a teljes közlemények listájában nem szereplő publikációkat, a nem ismert lektoráltságú folyóiratokban

megjelent műveket és minden olyan tudományos művet, ami a I.-IV. sorokban nem került összeszámlálásra.

⁵ A disszertáció és egyéb típusú idézők nélkül számolva (*részletek*).

A sor értéke a "Tudományos közlemények összesen (I.-IV.)", a "További tudományos művek" és az "Absztrakt" sorok idézettség értékeit összegzi.

Az adatokat ellenőrizte: Farkas Andrea könyvtáros, MTMT Adatbázis-karbantartó csoport; Tel.: 06-1-411-6330

KÖNYVFEJEZET, TANKÖNYVFEJEZET, KÖNYVSZERKESZTÉS, E-JEGYZET

- 1. Reuter G, Jakab F, Bányai K, Szűcs Gy:** Gastroenteritist okozó vírusok (fejezet). Humán astrovírusok (alfejezet). Humán enterális adenovírusok (alfejezet). Humán calicivírusok (norovírusok, sapovírusok) (alfejezet). Rotavírusok (alfejezet). Feltételezeten gastroenteritist okozó egyéb vírusok (alfejezet). Orvosi Molekuláris Virologia. Szerkesztő: Berencsi György, Convention Budapest, 2005. 22.-39. oldal

Független idéző: 2 Független idéző: 1 Összesen: 3

1. Major M, Major T. Hippocrates 2008;10:79-81.

2. Nemes C, Ivanics E, Szalay D, Ursu K, Simonyai E, Glavits R. MÁL, 2008;130:464-474.

- 2. Reuter G:** *Caliciviridae* - Humán calicivírusok: norovírusok, sapovírusok. Klinikai és Járványügyi Virologia. Főszerkesztő: Takács Mária, Vox Medica Kiadó Kft., Budapest, 2011. p. 233-238. ISBN: 9789639740204

Független idéző: 1 Független idéző: 0 Összesen: 1

1. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK

- 3. Reuter G:** *Picobirnaviridae*. Klinikai és Járványügyi Virologia. Főszerkesztő: Takács Mária, Vox Medica Kiadó Kft., Budapest, 2011. p. 423-424. ISBN: 9789639740204

- 4. Reuter G:** *Picornaviridae*. Kobuvírusok. Klinikai és Járványügyi Virologia. Főszerkesztő: Takács Mária, Vox Medica Kiadó Kft., Budapest, 2011. p. 443-444. ISBN: 9789639740204

- 5. Reuter G:** *Picornaviridae*. Parechovírusok. Klinikai és Járványügyi Virologia. Főszerkesztő: Takács Mária, Vox Medica Kiadó Kft., Budapest, 2011. p. 445-446. ISBN: 9789639740204

- 6. Reuter G:** Orthomyxovírusok. Az Orvosi Mikrobiológia Tankönyve. Szerkesztő: Pál Tibor, Medicina Könyvkiadó Zrt., Budapest, 2012. 223-228. ISBN: 9789632263533

- 7. Reuter G:** Calicivírusok és egyéb gastrointestinális vírusok. Humán calicivírusok (norovírus és sapovírus); Astrovírus, Enterális adenovírusok, Feltételezeten gastroenteritist okozó egyéb vírusok. Az Orvosi Mikrobiológia Tankönyve. Szerkesztő: Pál Tibor, Medicina Könyvkiadó Zrt., Budapest, 2012. 253-255. ISBN: 9789632263533

- 8. Reuter G:** Hepatitis E vírus. Az Orvosi Mikrobiológia Tankönyve. Szerkesztő: Pál Tibor, Medicina Könyvkiadó Zrt., Budapest, 2012. 255-256. ISBN: 9789632263533

- 9. Reuter G, Knowles N.** Chapter 32, Porcine astroviruses. Diseases of Swine, 10th edition, Editors: Zimmerman J, Karriker L, Ramirez A, Schwartz K, Stevenson G. John Wiley & Sons, Inc., Hoboken, USA 2012. pp 487-489 (*English*) ISBN: 9780813822679

- 10. Knowles N., Reuter G.** Chapter 34, Porcine caliciviruses. Diseases of Swine, 10th edition, Editors: Zimmerman J, Karriker L, Ramirez A, Schwartz K, Stevenson G. John Wiley & Sons, Inc., Hoboken, USA 2012. pp 493-500 (*English*) ISBN: 9780813822679

11. **Reuter G**, Németh K, Tompity T, Ember I. A fertőző betegségek részletes epidemiológiája. Népegészségügyi Orvostan, Szerkesztők: Ember István, Kiss István, Cseh Károly, Dialóg Campus Kiadó, Budapest 2013. 227. XII. 2.1. ISBN: 9789636425111
12. **Reuter G**. 2. Mikrobiológiai diagnosztika./2.4 Nukleinsav alapú, molekuláris biológiai vizsgáló módszerek. Fertőző betegségek. Szerkesztő: Maródi László, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, 2016. pp. 71-79, ISBN: 9789632265230
13. Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G** (szerkesztők): Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. **Reuter G**: a virológiai témájú esetismertetések szerkesztése, + 9 esetismertetés szerzője; Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
14. **Reuter G**. Légúti fertőzések – metapneumovírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
15. **Reuter G**. Emésztőszervi fertőzések – hepatitis A vírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
16. **Reuter G**. Emésztőszervi fertőzések – hepatitis C vírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
17. **Reuter G**. Emésztőszervi fertőzések – hepatitis E vírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
18. **Reuter G**. Központi idegrendszer és a szem fertőzései – adenovírus keratokonjunktivitis. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
19. **Reuter G**. Szisztémás fertőzések – parvovírus B19. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
20. **Reuter G**, Schneider F. Szisztémás fertőzések – enterovírus okozta kéz-láb-száj betegség. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
21. **Reuter G**. Immunkompromittált beteg fertőzései – BK vírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490

- 22. Reuter G, Pál E.** Immunkompromittált beteg fertőzései – JC vírus. Klinikai mikrobiológiai esetismertetések. Szerkesztők: Nagy E, Sonnevend Á, **Reuter G**, Medicina Könyvkiadó ZRt., Budapest, Várható megjelenés: 2016. eleje, ISBN: 9789632265490
- 23. Reuter G.** Virologiai diagnosztikai módszerek/Tenyésztési módszerek - társszerző. Elektronikus tananyagfejlesztés „Az élettudományi-klinikai felsőoktatás gyakorlatorientált és hallgatóbarát korszerűsítése a vidéki képzőhelyek nemzetközi versenyképességének erősítésére, TÁMOP-4.1.1.C-13/1/KONV-2014-0001” pályázat résztvevőjeként. 2015. (magyar/angol/német nyelveken)

KÖZLEMÉNYEK, IDÉZETEK JEGYZÉKE

(a független idézetek adatainak teljes megadásával)

- 1. Reuter G, Kátai A, Kálmán M, Szűcs Gy:** Humán calicivírus fertőzés első magyarországi igazolása

Orvosi Hetilap. 2000. 38, 2071-2074.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 4 Független idéző: 0 Összesen: 4

1. Kele B, Somogyvári F, Deák J. Sporadikusan előforduló humán calicivírusok kimutatása molekuláris genetikai módszerekkel. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (4) 118-123 (2005)
2. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)
3. Tassi D, Antmann K. Calicivírus-járvány gazdasági hatásai egy fekvőbeteg intézményben. *IME VI:* (4) 28-31 (2007)
4. Molnár K, Melles M, Rodler I, Stefler D, Ember I. Calicivirus outbreaks in Hungary. *Acta Alimentaria* 40:(4) 417-425 (2011)

- 2. Reuter G, Szűcs Gy:** Humán calicivírusok - az akut virális gastroenteritis megbetegedések és járványok gyakori kórokozói

Infektológia és Klinikai Mikrobiológia. 2000. 3-4, 93-99.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Független idéző: 0 Összesen: 2

1. Szalka A, Kovács G.: Az emésztő rendszer infekciói. Calicivírusok. *Infektológia, Medicina Könyvkiadó, Budapest, 2005; pp. 405-451.*
2. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)

- 3. Reuter G, Kucsera S, Somogyi Gy, Lencsés Gy, Szűcs Gy:** Humán calicivírus-járvány kórházi osztályon

Orvosi Hetilap. 2001. 9, 459-463.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Független idéző: 0 Összesen: 2

1. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)
2. Tassi D, Antmann K. Calicivírus-járvány gazdasági hatásai egy fekvőbeteg intézményben. *IME VI:* (4) 28-31 (2007)

4. **Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Sapporo-szerű vírusok ismeretlen kóreredetű szórványos gastroenteritisekben/Molecular detection of Sapporo-like viruses in Hungary
Orvosi Hetilap. 2002. 7, 351-354.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 3 Független idéző: 2 Összesen: 5

1. Vasickova P, Dvorska L, Lorencova A, Pavlik I.: Viruses as a cause of foodborne diseases: a review of the literature. *Vet. Med – Czech*, 2005;50(3):89-104.

2. Logan C, O'Sullivan N. Detection of viral agents of gastroenteritis: norovirus, sapovirus and astrovirus. *Future Virology*, 2008;3(1):61-70.

3. Sousos N, Gioula G. Viral gastroenteritis: Past, present, future. *Acta Microbiologica Hellenica* 56(2): 89-103 (2011)

5. Szűcs Gy, **Reuter G**: Mit kell tudni a humán calicivírusokról?

Magyar Orvos 2002. 2. 49-50.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

6. Farkas T, Berke T, **Reuter G**, Szűcs Gy, Matson DO, Jiang X: Molecular detection and sequence analysis of human caliciviruses from acute gastroenteritis outbreaks in Hungary

Journal of Medical Virology 2002. 67, 567-573.

Impakt faktor: 2,629

Független idéző: 6 Független idéző: 9 Összesen: 15

1. Jean J, D'Souza D, Jaykus LA.: Transcriptional enhancement of RT-PCR for rapid and sensitive detection of Noroviruses. *FEMS Microbiol Letters*, 2003;226(2):339-345.

2. Hansman GS, Katayama K, Maneekarn N, Peerakome S, Khamrin P, Tonusin S, Okitsu S, Nishio O, Takeda N, Ushijima H.: Genetic diversity of norovirus and sapovirus in hospitalized infants with sporadic cases of acute gastroenteritis in Chiang Mai, Thailand. *J Clin Microbiol*, 2004;42(3):1305-1307.

3. Kuusi M. Investigating outbreaks of waterborne gastroenteritis: Application of modern epidemiological and microbiological methods. *PhD p.* 2004. Medical Faculty, University of Helsinki

4. Hamano M, Kuzuya M, Fujii R, Ogura H, Yamada M.: Epidemiology of acute gastroenteritis outbreaks caused by Noroviruses in Okayama, Japan. *J Med Virol*, 2005;77(2):282-289.

5. Duizer E, Koopmans M. Tracking emerging pathogens: the case of noroviruses. *Emerg Foodborne Pathogens. Woodhead Food Series*, 2006;123:77-110.

6. Duizer E, Koopmans M. Gastroenteritis viruses. *Foodborne Pathogens: hazards, risk analysis and control*. 2nd ed. Woodhead Food Series. 2009;176:1161-1192.

7. **Reuter G**, Szűcs Gy: Humán calicivírusok ("Norwalk-szerű vírusok") okozta gastroenteritis járványok gyermekközösségekben Magyarországon, 1998-2001
Gyermekgyógyászat 2002. 53, 427-435.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Független idéző: 0 Összesen: 1

1. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)

8. **Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Molecular epidemiology of human calicivirus acute gastroenteritis outbreaks in Hungary, 1998 to 2000
Journal of Medical Virology 2002. 68, 390-398.

Impakt faktor: 2,629

Független idéző: 22 Független idéző: 21 Összesen: 43

1. Jean J, Souza D, Jaykus LA. Transcriptional enhancement of RT-PCR for rapid and sensitive detection of noroviruses. *FEMS Microbiol Lett*, 2003;226(2):339-345.
2. Oliver SL, Brown DWG, Green J, Bridger JC.: A chimeric bovine enteric calicivirus: evidence for genomic recombination in genogroup III of the Norovirus genus of the *Caliciviridae*. *Virology*, 2004;326(2):231-239.
3. Veeravigrom M, Theamboonlers A, Poovorawan Y. Epidemiology and clinical manifestation of rotavirus and Norwalk-like viruses in Thai children. *Journal of the Medical Association of Thailand* 87: (SUPPL. 2) S50-S54 (2004).
4. Hansman GS, Katayama K, Maneekam N, Peerakome S, Khamrin P, Tonusin S, Okitsu S, Nishio O, Takeda N, Ushijima H. Genetic diversity of norovirus and sapovirus in hospitalized infants with sporadic cases of acute gastroenteritis in Chang Mai, Thailand. *J Clin Microbiol*, 2004;42(3):1305-1307.
5. Lindell At, Grillner L, Svensson L, Wirgart BZ.: Molecular epidemiology of norovirus infections in Stockholm, Sweden, during the years 2000 to 2003: association of the GGIIb genetic cluster with infection in children. *J Clin Microbiol*, 2005;43(3):1086-1092.
6. Medici MC, Martinelli M, Ruggeri FM, Abelli LA, Bosco S, Arcangeletti MC, Pinardi F, De Conto F, Calderaro A, Chezzi C, Dettori G.: Broadly reactive nested reverse transcription-PCR using an internal RNA standard control for detection of noroviruses in stool samples. *J Clin Microbiol*, 2005;43(8):3772-3778.
7. Okada M, Ogawa T, Kaiho I, Shinozaki K. Genetic analysis of noroviruses in Chiba Prefecture, Japan, between 1999 and 2004. *J Clin Microbiol*, 2005;43(9):4391-4401.
8. Hamano M, Kuzuya M, Fujii R, Ogura H, Yamada M. Epidemiology of acute gastroenteritis outbreaks caused by noroviruses in Okiyama, Japan. *J Med Virol*, 2005;77(2):282-289.
9. Blanton LH, Adams SM, Beard RS, Wei G, Bulens SN, Widdowson MA, Glass RI, Monroe SS. Molecular and epidemiologic trends of caliciviruses associated with outbreaks of acute gastroenteritis in the United States, 2000-2004. *J Infect Dis*, 2006;193(3):413-421.
10. LoBue AD, Lindesmith L, Yount B, Harrington PR, Thompson JM, Johnston RE, Moe CL, Baric RS.: Multivalent norovirus vaccines induce strong mucosal and systemic blocking antibodies against multiple strains. *Vaccine*, 2006;24(24):5220-5234.
11. Myrmel M, Rimstad E, Berg EMM, Grinde B. Enteric viruses in inlet and outlet samples from sewage treatment plants. *Journal of Water and Health* 4: (2) 197-209 (2006)
12. Vainio K, Myrmel M. Molecular epidemiology of norovirus outbreaks in Norway during 2000 to 2005 and comparison of four norovirus real-time reverse transcriptase PCR assays. *Journal of Clinical Microbiology* 44: (10) 3695-3702 (2006)
13. Thackay LB, Wobus CE, Chachu KA, Liu B, Alegre ER, Henderson KS, Kelley ST, Virgin HW.: Murine norovirus comprising a single genogroup exhibit biological diversity despite limited sequence divergence. *J Virol*, 2007;81(19):10460-10473.
14. Ljubin-Sternak S, Lukic-Grlic A, Fiore L, Di Bartolo I, Ruggeri FM, Bukovski-Simfonoski S, Mlinaric-Galinovic G.: norovirus genotypes involved in the outbreaks of gastroenteritis in Croatia during the winter season 2004-2005. *Acta Virologica*, 2007;51(3):189-194.
15. Li H, Fang L, Zou L-R, Ke C-W, Huang P, Huang J-C. Molecular epidemiological characteristic of Norovirus gastroenteritis outbreaks in Guangdong. *Chinese Journal of Microbiology and Immunology* 27: (1) 5-8 (2007)
16. Bank-Wolf BR. Noroviren und Sapoviren bei landwirtschaftlichen Nutztieren. PhD-Dissertation, Fachbereich Veterinarmedizin der Justus-Liebig-Universität Giessen, Germany, 2007.
17. Mladenova Z, Korsun N, Geonova T, Di Bartolo I, Fiore L, Ruggeri FM.: Prevalence and molecular epidemiology of noroviruses detected in outbreaks and sporadic cases of acute gastroenteritis in Bulgaria. *J Med Virol*, 2008;80(12):2161-2168.
18. Kele B, Abrok MP, Deák J.: Sporadic norovirus infections among hospitalized and non-hospitalized 0-3-year-old infants. *Scand J Infect Dis*, 2009;41(1):67-69.
19. Gutierrez-Escolano AL, Velazquez FR, Escobar-Herrera J, Saucedo CL, Torres J, Estrada-Garcia T. Human caliciviruses detected in Mexican children admitted to hospital during 1998-2000, with severe acute gastroenteritis not due to other enteropathogens. *J Med Virol*, 2010;82(4):632-637.
20. Rohayem J, Bergmann M, Gebhardt J, Gould E, Tucker P, Mattevi A, Unger T, Hilgenfeld R, Neyts J. Antiviral strategies to control calicivirus infections. *Antiviral Res*, 2010;87(2):162-178.
21. Vantarakis A, Mellou K, Spala G, Kokkinos P, Alamanos Y. A gastroenteritis outbreak caused by noroviruses in Greece. *Int J Environ Res Pub Health*, 2011;8(8):3468-2478.
22. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK

9. Reuter G, Szűcs Gy: Új eredmények a hazai és nemzetközi humán calicivírus kutatásban
Therapia Antimicrobialis 2002. 10, 11-15.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

10. Palya V, Glávits R, Dobos-Kovács M, Ivanics É, Nagy E-né, Bányai K, Reuter G, Szűcs Gy, Dán Á, Benkő M: Reovirus identified as cause of disease in young geese
Avian Pathology 2003. 32, 129-138.

Impakt faktor: 1,271

Független idéző: 36 Független idéző: 5 Összesen: 41

1. Hess JC, Pare JA.: Viruses of waterfowl. Seminars in avian and exotic pet medicine, 2004;13(4):176-183.
2. Cavanagh D.: Coronaviruses in poultry and other birds. Avian pathology, 2005;34(6):439-448.
3. Lu et al. Progr Vet Med, 2005;26:445-449.
4. Zhang Y, Liu M, Hu QL, Ouyang S, Tong GZ.: Characterization of the sigma C-encoding gene from Muscovy duck reovirus. Virus Genes, 2006;32(2):165-170.
5. Zhang Y, Liu M, Shuidong O, Hu QL, Guo DC, Chen HY, Han Z.: Detection and identification of avian, duck, and goose reoviruses by RT-PCR: goose and duck reoviruses are part of the same genogroup into the genus Orthoreovirus. Arch Virol, 2006;151(8):1525-1538.
6. Supartika IKE, Toussaint MJM, Gruys E.: Avian hepatic granuloma. A review. Veterinary Quarterly, 2006;28(3):82-89.
7. Sabocanec R, Konjevic D, Curic S, Cvetnic Z, Spicic S. Spontaneous mycobacterium avium serovar 2 infection in a Muscovy duck (Cairina moschata) – a case report. Veterinarski Arhiv, 2006;76(2):185-192.
8. Burgos S, Edens F, read-Snyder J, Cantor A, Burgos SA. Int J Poult Sci, 2006;5:822-829.
9. Geng HW, Guo DC, Liu M, Hu QL, Zhang Y. Vet Sci China, 2007;37(4):305-311.
10. Zhang Y, Liu M, Qu L, Xiang W, Guo D, Yuan X, Ge M, Zhang C. Sequence and phylogenetic analysis of the S-class genome segments of a duck orthoreovirus. Acta Virol, 2007;51(4):239-247.
11. Pantin-Jackwood MJ, Spackman E, Day JM.: Pathology and virus tissue distribution of turkey origin Reoviruses in experimentally infected turkey poults. Veterinary Pathology, 2007;44(2):185-195.
12. Xu X, Su J, Huang Y, Fu G, Cheng L, Zhao J. Chinese J Prev Vet Med, 2008;44:12-14.
13. Degernes L, Lynch S, Shivaprasad HL.: Degenerative joint disease in captive waterfowl. Proceedings of the association of avian veterinarians 28th annual conference and expo. 2007:99-100.
14. Day JM.: The diversity of the orthoreoviruses: Molecular taxonomy and phylogenetic divides. Infect Genetics Evolution, 2009;9(4):390-400.
15. Zhang Y, Gou D, Geng H, Wang Y, Wei P. Chinese J Prev Vet Med, 2009;10:766-769.
16. Wang Set al. Chinese J Prev Vet Med, ;27:105-111.
17. Wang Set al. Chinese J Prev Vet Med, ;27:445-449.
18. Bensink et al. ACIAR Proceedings, 2004, pp.81-83.
19. Liu Q, Zhang G, Huang Y, Ren G, Chen L Gao J, Zhang D, Han B, Su W, Zhao J, Hu X, Su J. Isolation and characterization of a reovirus causing spleen necrosis in Pekin ducklings. Vet Microbiol, 2011;148(2-4):200-206.
20. Degernes LA, Lynch PS, Shivaprasad HL. Degenerative joint disease in captive waterfowl. Avian Path, 2011;40(1):103-110.
21. Wang S, Chen S, Cheng S, Cheng X, Lin F, Zhu XL, Jiang B, Li Z. Establishment and its application of RT-PCR for detection of novel duck reovirus. J Agricult Biotechnol, 2011;19:388-392.
22. Gao W, Zhang JJ, Zhuang XJ, Wu XC, Zhu J, Gao L, Wang YK. China poultry, 2012;6:62-64.
23. Li ZL, Chen SL, Chen SY, Lin FQ, Cheng XX, Wang S, Zhu XL, Jiang B. Development and evaluation of a reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification method for rapid detection of novel duck reovirus. J An Vet Adv, 2012;11(15):2756-2761.
24. Mor SK, Sharafeldin TA, Porter RE, Ziegler A, Patnayak DP, Goyal SM. Isolation and characterization of a Turkey arthritis reovirus. Avian Diseases 57:(1) 97-103 (2013)
25. Wang D, Shi J, Yuan Y, Zheng L, Zhang D. Complete sequence of a reovirus associated with necrotic focus formation in the liver and spleen of Muscovy ducklings. VET MICROBIOL, 2013;166(1-2):109-122.

26. Yun T, Yu B, Ni Z, Ye WC, Chen L, Hua JG, Zhang C. Isolation and genomic characterization of a classical Muscovy duck reovirus isolated in Zhejiang, China. *INFECTION GENETICS AND EVOLUTION* 20: 444-453 (2013)
27. Yun T, Yu B, Ni Z, Ye W, Chen L, Hua J, Zhang C. Genomic characteristics of a novel reovirus from muscovy duckling in China. *Veterinary Microbiology* 168: (2-4) pp. 261-271. (2014)
28. Wozniakowski G, Samorek-Salamonowicz E, Gawel A. Occurrence of reovirus infection in Muscovy ducks (*Cairina moschata*) in south western Poland. *POLISH JOURNAL OF VETERINARY SCIENCES* 17(2):299-305. (2014)
29. Lawson B, Dastjerdi A, Shah S, Everest D, Núñez A, Pocknell A, Hicks D, Horton DL, Cunningham AA, Irvine RM. Mortality associated with avian reovirus infection in a free-living magpie (*Pica pica*) in Great Britain. *BMC VETERINARY RESEARCH* 11:20. (2015)
30. Tang Y, Lu H. Genomic characterization of a broiler reovirus field strain detected in Pennsylvania. *INFECTION, GENETICS AND EVOLUTION* 31: 177-182. (2015)
31. Tang Y, Lu H, Sebastian A, Yeh Y-T, Praul CA, Albert IU, Zheng S-Y. Genomic characterization of a turkey reovirus field strain by Next-Generation Sequencing. *INFECTION, GENETICS AND EVOLUTION* 32:313-321. (2015)
32. Lu H, Tang Y, Dunn PA, Wallner-Pendleton EA, Lin L, Knoll EA. Isolation and molecular characterization of newly emerging avian reovirus variants and novel strains in Pennsylvania, USA, 2011-2014. *SCIENTIFIC REPORTS* 5: Paper 14727. (2015)
33. Jones RC. Other reovirus infections. In: Diseases of poultry. Blackwall Publishing Ltd., 2008. pp322-328.
34. Jones RC. Other reovirus infections. In: Saif YM, Fadly AM, Glisson JR, McDougald LR Nolan LK, Swayne DE (szerk.): Diseases of Poultry, 12th ed.. Oxford: Blackwell Publishing, 2011.
35. Woolcock PR. Viral infections of waterfowl. In: Saif YM et al. diseases of Poultry. 12th. Blackwell Publishing, 2011.
36. Jones RC. Other reovirus infections. In: Saif YM, Fadly AM, Glisson JR, McDougald LR Nolan LK, Swayne DE (szerk.): Diseases of Poultry, 12th ed.. Oxford: Blackwell Publishing, 2011.

- 11. Palya V, Glávits R, Dobos-Kovács M, Ivanics É, Nagy E-né, Bányai K, Reuter G, Szűcs Gy, Dán Á, Benkő M: Növendék ludak reovírus okozta betegsége**
Magyar Állatorvosok Lapja 2003. 125, 406-414. másodközlés

Impakt faktor: 0,089

Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0

- 12. Reuter G, Szűcs Gy: "Norwalk-szerű vírusok" kimutatására alkalmas EIA kitek.-**
 Összehasonlító vizsgálatok és első tapasztalatok
Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2003. 1, 27-28.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Függő idéző: 2 Összesen: 3

1. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)

- 13. Reuter G, Jiang X, Szűcs Gy: A norovírusok vezető kóroki szerepe a kórházi (nosocomialis) gastroenteritis járványokban Magyarországon**
Orvosi Hetilap 2003. 33, 1611-1616.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 3 Függő idéző: 0 Összesen: 3

1. Petrovicz E. Norovírusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)
2. Duizer E, Koopmans M. Tracking emerging pathogens: the case of noroviruses. *Emerg Foodborne Pathogens. Woodhead Food Series*, 2006;123:77-110.
3. Duizer E, Koopmans M. Gastroenteritis viruses. *Foodborne Pathogens: hazards, risk analysis and control*. 2nd ed. Woodhead Food Series. 2009;176:1161-1192.

14. Bányai K, Jakab F, **Reuter G**, Bene J, Új M, Melegh B, Szűcs Gy: Sequence heterogeneity among human picobirnaviruses detected in a gastroenteritis outbreak *Archives of Virology* 2003. 148, 2281-2291.

Impakt faktor: 1,876

Független idéző: 46 Fügő idéző: 10 Összesen: 56

1. Clark B, McKendrick M. A review of viral gastroenteritis. *Curr Opin Infect Dis*, 2004;17:461-469.
2. De Grazia S, Colomba C, Cascio A, Giammanco GM. Attualità in tema di gastroenteriti virali infantili. *Acta med Mediterranea*, 2004;20:89-94.
3. Wakuda M, Pongsuwanna Y, Taniguchi K.: Complete nucleotide sequences of two RNA segments of human picobirnavirus. *J Virol Methods*, 2005;126(1-2):165-169.
4. Zhang T, Breitbart M, Lee WH, Run JQ, Wei CL, Soh SWL, Hibberd ML, Liu ET, Rohwer F, Ruan YJ.: RNA viral community in human feces: prevalence of plant pathogenic viruses. *PLOS Biology*, 2006;4(1):108-118.
5. Bhattacharya R, Sahoo GC, Nayak MK, Saha DR, Sur D, Naik TN, Bhattacharya SK, Krishnan T.: Molecular epidemiology of human picobirnaviruses among children of a slum community in Kolkata, India. *Infection Genetics and Evolution*, 2006;6(6):453-458.
6. Silva PA, Cardoso DDP, Schreier E. Molecular characterization of human astroviruses isolated in Brazil, including the complete sequences of astrovirus genotypes 4 and 5. *Arch Virol*, 2006;151(7):1405-1417.
7. Tanaguchi K, Wakuda M. Picobirnavirus. *Uirusu*, 2006;55:297-302.
8. Masachessi G, Martinez LC, Giodano MO, Barril PA, Isa BM, Ferreyra L, Villareal D, Carello M, Asis C, Nates SV.: Picobirnavirus (PBV) natural hosts in captivity and virus excretion pattern in infected animals. *Arch Virol*, 2007;152(5):989-998.
9. Bhattacharya R, Sahoo GC, Nayak MK, Rajendran K, Dutta P, Mitra U, Bhattacharya MK, Naik TN, Bhattacharya SK, Krishnan T.: Detection of genogroup I and II human picobirnaviruses showing small genomic RNA profile causing acute watery diarrhoea among children in Kalkata, India. *Infection Genetics and Evolution*, 2007;7(2):229-238.
10. Zingg W. Die virale gastroenteritis. *Der gastroenterologe*. 2007;2(3):179-185.
11. Carruyo GM, Mateu G, Martinez LC, Pujol FH, Nates SV, Liprandi F, Ludert JE.: Molecular characterization of porcine picobirnaviruses and development of a specific reverse transcription-PCR assay. *J Clin Microbiol*, 2008;46(7):2402-2405.
12. Pan J. Structural and functional studies of birnavirus RNA polymerases---Insights into the protein-priming mechanism and the evolution of RNA viruses. PhD p. 2008.
13. Symonds EM. Viruses found in raw sewage and their potential to indicate fecal pollution in coastal environments. MSc Thesis, 2008. University of South Florida, USA
14. Symonds EM, Griffin DW, Breitbart M.: Eukaryotic viruses in wastewater samples from the United States. *Appl Environ Microbiol*, 2009;75(5):1402-1409.
15. Fregolente MCD, de Castro-Dias E, Martins SS, Spilki FR, Allegretti SM, Gatti MSV: Molecular characterization of piconirnaviruses from new hosts. *Virus Research*, 2009;143(1):134-136.
16. Ghosh S, Kobayashi N, Nagashima S, Naik TN. Molecular characterization of full-length genomic segment 2 of bovine picobirnavirus (PBV) strain: evidence for high genetic diversity with genogroup I PBVs. *J Gen Virol*, 2009;90:2519-2524.
17. Fregolente MCD, Gatti MSV. Nomenclature proposal for picobirnavirus. *Arch Virol*, 2009;154(12):1953-1954.
18. van Leeuwen M, Willians MMW, Koraka P, Simon JH, Smits SL, Osterhaus ADME: Human picobirnaviruses identified by molecular screening of diarrhea samples. *J Clin Microbiol*, 2010;48(10):1787-1794.
19. Ganesh B, Nataraju SM, Rajendran K, Ramamurthy T, Kanungo S, Manna B, Nagashima S, Sur D, Kobayashi N, Krishnan T. Detection of closely related picobirnaviruses among diarrhoeic children in Kalkota: evidence of zoonoses? *Infect Gen Evol*, 2010;10(4):511-516.
20. de Roda Husman AM, Bartram J. Global supply of virus-safe drinking water. In: *Human viruses in water*, Chapter 7, Perspectives in Medical Virology, 2010;17:127-162.
21. Martinez LC, Masachessi G, Carruyo G, Ferreyra LJ, Barril PA, Isa MB, Giardano MO, Ludert JE, Nates SV. Picobirnavirus causes persistent infections in pigs. *Infect Genet Evol*, 2010;10(7):984-988.
22. Ganesh B, Nagashima S, Ghosh S, Nataraju SM, Rajendran K, Manna B, Ramamurthy T, Niyogi SK, Kanungo S, Sur D, Kobayashi N, Krishnan T. Detection and molecular characterization of multiple strains of picobirnaviruses causing mixed infections in a diarrhoeic child: emergence of prototype

- genogroup ii-like strain in Kalkota, India. *International Journal of Molecular Epidemiology and Genetics*. 2011;2(1):61-72.
23. Nates SV, Gatti MSV, Ludert JE. The picobirnavirus: An integrated view on its biology, epidemiology and pathogenic potential. *Fut Virol*, 2011;6(2):223-235.
 24. Da Costa B, Duquerroy S, Tarus B, Delmas B. Picobirnaviruses encode a protein with repeats of the ExxR_xNxxx_xE motif. *Virus Res*, 2011;158(1-2):251-256.
 25. Smith SL, Poon LLM, van Leeuwen M, Lau PN, Perera HKK, Peiris JSM, Simon JH, Osterhaus ADME. Genogroup I and II picobirnaviruses in respiratory tracts of pigs. *Emerg Infect Dis*, 2011;17(12):2328-2330.
 26. Kapusinszky B, Minor P, Delwart E. Nearly constant shedding of diverse enteric viruses by two healthy infants. *Journal of Clinical Microbiology* 50: (11) 3427-3434 (2012)
 27. Guerrant RL, Walker DH, Weller PF. *Tropical infectious diseases: principles, pathogens and practice*. Elsevier Churchill Livingstone, 2006.
 28. Farkas T, Jiang X. Rotavirus, Calicivirus, Astroviruses, Enteric Adenoviruses, and other viruses causing acute gastroenteritis. In: Specter S, Hodinka RI, Young SA, Wiedbrauk DL. *Clinical Virology Manual* 4th edition. Washington, ASM Press, 2009. pp283-310.
 29. Krishnan T. Picobirnavirus. In *Molecular detection of human viral pathogens*. Boca Rato, Florida, CRC Press, 2010. pp763-770.
 30. Malik YS, Chandrashekar KM, Sharma K, Haq AA, Vaid N, Chakravarti S, Batra M, Singh R, Pandey AB. Picobirnavirus detection in bovine and buffalo calves from foothills of Himalaya and Central India. *Tropic Animal health Prod*, 2011;43(8):1475-1478.
 31. Gillman L, S  nchez AM, Arbiza J. *Intervirology*, 2012;56:46-49.
 32. Massachessi G, Martinez LC, Ganesh B, Giordano MO, Barril PA, Isa MB, Ibars A, Pavan JV, Nates SV. Establishment and maintenance of persistent infection by picobirnavirus in greater rhea (*Rhea Americana*). *Arch Virol*, 2012;157:2075-2082.
 33. Smith SL, van Leeuwen M, Schapendonk CME, Sch  rch AC, Bodewes R, Haagmans Bel Osterhaus ADME. *Emerg Infect Dis*, 2012;18:15391540.
 34. Kapusinszky B, Minor P, Delwart E. Nearly constant shedding of diverse enteric viruses by two healthy infants. *J CLIN MICROBIOL* 50: 3427-3434 (2013)
 35. Mondal A, Majee S. Novel bisegmented virus (picobirnavirus) of animals, birds and humans. *Asian Pacific Journal of Tropical Disease* 4: (2) 154-158 (2014)
 36. Malik YS, Sharma AK, Kumar N, Sharma K, Ganesh B, Kobayashi N. Identification and characterisation of a novel genogroup II picobirnavirus in a calf in India. *VET REC* 174:278 (2014)
 37. Munnink BBO, Canuti M, Deijs M, de Vries M, Jebbink MF, Rebers S, Molenkamp R, van Hemert FJ, Chung K, Cotten M, Snijders F, van der Hoek L. Unexplained diarrhoea in HIV-1 infected individuals. *BMC INFECT DIS* 14: p. 22. (2014)
 38. Ganesh B, Masachessi G, Mladenova Z. *Animal Picobirnavirus.Virus Diseases*, 25(2):223-238 (2014)
 39. Chen M, Sun H, Lan D, Hua X, Cui L, Yuan C, Yang Z. Molecular detection of genogroup I and II picobirnaviruses in pigs in China. *VIRUS GENES* 48: pp. 553-556. (2014)
 40. Norman JM, Handley SA, Virgin HW. Kingdom-agnostic metagenomics and the importance of complete characterization of enteric microbial communities. *GASTROENTEROLOGY* 146:1459-1469 (2014)
 41. Masachessi G, Ganesh B, Martinez LC, Giordano MO, Barril PA, Isa MB, Pav  n GV, Mateos CA, Nates SV. Maintenance of picobirnavirus (PBV) infection in an adult orangutan (*Pongo pygmaeus*) and genetic diversity of excreted viral strains during a three-year period.. *INFECT GENET EVOL* 29:196-202. (2015)
 42. Foc   A, Liberto MC, Quirino A, Marascio N, Zicca E, Pavia G. Gut inflammation and immunity: what is the role of the human gut virome? *Mediators of Inflammation*, 2015; ID326032, DOI: 10.1155/2015/326032
 43. Bresee JS, Glass RI. Astroviruses, Enteric Adenoviruses, and Other Gastroenteritis Viruses. In: *Tropical Infectious Diseases*. Elsevier Inc., 2006. pp. 686-693
 44. Glass RI, Bresee JS. Astroviruses, Enteric Adenoviruses, and Other Gastroenteritis Viral Infections. In: *Tropical Infectious Diseases*. Elsevier Inc., 2011. pp. 416-419
 45. Carruyo G, Alcal   AC, Liprandi F, Ludert J. Infecci  n por Picobirnavirus Porcino en Granjas Venezolanas. *REV CIENT-FAC CIEN V* (ISSN: 0798-2259) 24: pp. 125-131. (2014)
 46. Buesa J Rodr  guez-D  az. *Molecular Virology of Enteric Viruses (with emphasis on caliciviruses)*. In: Goyal SM (szerk.) : *Viruses in Foods*. Springer, 2006. 43-100. ISBN: 978-0-387-28935-9

15. Lopman B, Vennema H, Kohli E, Pothier P, Sanchez A, Negredo A, Buesa J, Schreier E, Reacher M, Brown D, Gallimore C, Bottiger B, Svensson L, Hedlund K-O, Thorven M, von Bonsdorff C-H, Maunula L, Poljsak-Prijatelj M, **Reuter G**, Szűcs Gy, Melegh B, van Duynhoven Y, Koopmans M: Increase in viral gastroenteritis outbreaks in Europe and epidemic spread of new norovirus variant
The Lancet 2004. 363, 682-688.

Impakt faktor: 21,713

Független idéző: 310 Független idéző: 109 Összesen: 419

1. Dingle KE.: Mutation in a Lordsdale norovirus epidemic strain as a potential indicator of transmission routes. *J Clin Microbiol*, 2004;42(9):3950-3957.
2. Radford AD, Gaskell RM, Hart CA.: Human norovirus infection and the lessons from animal caliciviruses. *Curr Opin Infect Dis*, 2004;17(5):471-478.
3. Clark B, McKendrick M.: A review of viral gastroenteritis. *Curr Opin Infect Dis*, 2004;17(5):461-469.
4. Hutson AM, Estes MK, Atmar RL.: Nosocomial outbreak of norovirus gastroenteritis and investigation of ABO histo-blood group type in infected staff and patients. *J Hosp Infect*, 2004;58(2):163-164.
5. Rainer FM. Epidemiology and public health significance of "Norovirus" in Switzerland. PhD p. 2004. University of Basel, Faculty of Science.
6. Foley B, McKeown P. Annual Report on Outbreaks of Infectious Disease in Ireland, 2003 . 2004. National Disease Surveillance Centre
7. Cowden J, Smith-Palmer A, Kilpatrick C. Norovirus infection in Scotland: briefing paper. SCIEH Weekly Report 38: Paper 20. (2004)
8. Nakagomi O. Norovirus infection: some new developments in its research. *モダンメデ* 50: (6) pp. 133-142. (2004)
9. Westrell T. Microbial risk assessment and its implications for risk management in urban water systems. Témavezető(k): Stenström, Thor-Axel. PHD Thesis, 2004. Linköping University, The Tema Institute, Department of Water and Environmental Studies. ISBN: 91-85295-98-1
10. Loisy F, Atmar RL, Guillon P, Le Cann P, Pommepuy M, Le Guyader FS.: Real-time RT-PCR for norovirus screening in shellfish. *J Virol Methods*, 2005;123(1):1-7.
11. Skrabber S, Italiaander R, Lodder WJ, Husman AMD: Noroviruses in archival samples. *Emerg Infect dis*, 2005;11(3):489-491.
12. Godoy P, Izcarra J, Bartolome R, Bach P, Escobar A, Pal M, Codina G, Torres J, Dominguez A.: Outbreak of food-borne norovirus associated with the consumption of sandwiches. *Medicina Clinica*, 2005;124(5):161-164.
13. Hirakata Y, Arisawa K, Nishio O, Nakagomi O.: Multiprefectural spread of gastroenteritis outbreaks to a single genogroup II norovirus strain from a tourist restaurant in nagasaki, Japan. *J Clin Microbiol*, 2005;43(3):1093-1098.
14. Fretz R, Herrmann L, Christen A, Svoboda P, Dubuis, O, Viollier EH, Tannaer M, Baumgartner A.: Frequency of norovirus in stool samples from patients with gastrointestinal symptoms in Switzerland. *European J Clin Microbiol*, 2005;24(3):214-216.
15. Widdowson MA, Monroe SS, Glass RI.: Are noroviruses emerging? *Emerg Infect Dis*, 2005;11(5):735-737.
16. Carter MJ.: Enterically infecting viruses: pathogenicity, transmission and significance for food and waterborne infection. *J Appl Microbiol*, 2005;98(6):1354-1380.
17. Fretz R, Svoboda P, Luthi TM, Tannaer M, Baumgartner A.: Outbreaks of gastroenteritis due to infections with norovirus in Switzerland, 2001-2003. *Epidem Infect*, 2005;133(3):429-437.
18. Hall G, Kirk MD, Becker N, Gregory JE, Unicomb L, Millard G, Stafford R, Lalor K.: estimating foodborne gastroenteritis, Australia. *Emerg Infect Dis*, 2005;11(8):1257-1264.
19. Kirkwood CD, Clark R, Bogdanovic-Sakran N, Bishop RF.: A 5-year study of the prevalence and genetic diversity of human caliciviruses associated with sporadic cases of acute gastroenteritis in young children admitted to hospital in Melbourne, Australia (1998-2002). *J Med Virol*, 2005;77(1):96-101.
20. Okada M, Ogawa T, Kaiho I, Shinozaki K.: Genetic analysis of noroviruses in chiba Prefecture, Japan, between 1999 and 2004. *J Clin Microbiol*, 2005;43(9):4391-4401.
21. Lochridge VP, Jutila KL, Graf JW, Hardy ME.: Epitopes in the P2 domain of norovirus VP1 recognized by monoclonal antibodies that block cell interactions. *J Gen Virol*, 2005;86:2799-2806.

22. Weber DJ, Sickbert-Bennet EE, Vinje J, Brown VM, MacFarquhar JK, Engel JP, Rutala WA.: Lessons learned from a norovirus outbreak in a locked pediatric inpatient psychiatric unit. *Infect Control Hosp Epidemiol*, 2005;26(10):841-843.
23. Wilson ME.: Diarrhea in nontravelers: risk and etiology. *Clin Infect Dis*, 2005;41:S541-S546.
24. Wang QH, Han MG, Cheetham S, Souza M, Funk JA, Saif LJ.: Porcine noroviruses related to human noroviruses. *Emerg Infect Dis*, 2005;11(12):1874-1881.
25. Nishio O, Akiyama M, Aiki C, Sigieda M, Fukuda S, Nishida T, Ueki Y, Iritani N, Shinohara M, Kimura H.: Viral foodborne diseases caused by norovirus. *J Food Hygienic Soc Japan*, 2005;46(6):235-245.
26. Simor AE, Ofner-Agostini M, Paton S, McGeer A, Loeb M, Bryce E, Mulvey M. Clinical and epidemiologic features of Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* in elderly hospitalized patients. *Infect Cont Hosp Epidemiol*, 2005;26(10):838-844.
27. Hauri AM, Uphoff H, Fitzenberger J. Gehaufte Ausbrüche durh Noroviren im Winter 2004-5. *Hessisches Arzteblatt* 5: 312-313 (2005)
28. Eiros JM, Bachiller MR, Pinilla JM, Ortiz de Lejarazu R. VIRAL GASTROENTERITIS DURING SIXTEENTH YEARS OF STUDY. *Rev Electron Biomed / Electron J Biomed* 2: 91-92 (2005)
29. Bofill-Mas S, Clemente-Casares P, Albiñana-Giménez N, De Porta C M M, Gonfa A H, Llop R G. Effects on health of water and food contamination by emergent human viruses: Efectos sobre la salud de la contaminación de agua y alimentos por virus emergentes humanos. *Revista Espanola de Salud Publica* 79: (2) pp. 253-269. (2005)
30. Panizon F. Acute diarrhea: La diarrea acuta. *Medico e Bambino* 24: (6) pp. 385-387. (2005)
31. Rahamat-Langendoen J C, Van Vliet J A, Suijkerbuijk A W M. Recognition of the threats caused by infectious diseases in the Netherlands in 2002 and 2003 by the weekly meetings of the early warning committee: Signalering van bedreigingen door infectieziekten in Nederland in 2002 en 2003 door het wekelijkse signaleringsoverleg. *Nederlands Tijdschrift voor Geneeskunde* 149: (40) pp. 2238-2242. (2005)
32. Vicković N, Beus A. Viral gastroenteritis: Virusni gastroenteritisi. *Infektoloski Glasnik* 25: (1) pp. 23-28. (2005)
33. Fretz R.: How is norovirus-associated gastroenteritis important? *Wiener Klinische Wochenschrift*, 2005;117(23-24):23-24.
34. Ottoson J. Comparative analysis of pathogen occurrence in wastewater: management strategies for barrier function and microbial control. PD Thesis, Témavezetö(k): Hultman, Bengt. 67 p. 2005. KTH, School of Architecture and the Built Environment (ABE), Land and Water Resources Engineering, Stockholm, Sweden; Department of Parasitology, Mycology, Water and Environmental Microbiology, Swedish Institute for Infectious Disease Control (SMI), Stockholm, Sweden, ISBN: 91-7178-059-9
35. Bull RA, Tu ETV, McIver CJ, Rawlinson WD, White PA. Emergence of a new norovirus genotype II.4 variant associated with global outbreaks of gastroenteritis. *J Clin Microbiol*, 2006;44(2):327-333.
36. Koek AG, Bovee LPMJ, van der Hoek JAR, Bos AJ, Bruisten SM.: Additional value of typing noroviruses in gastroenteritis outbreaks in Amsterdam, the Netherlands. *J Clin Virol*, 2006;35(2):167-172.
37. Cramer EH, Blanton CJ, Blanton LH, Vaughan GH, Bopp CA, Forney DL.: Epidmeiology of gastroenteritis on cruise ships, 2001-2004. *American J Prev Med*, 2006;30(3):252-257.
38. Coyne KP, Reed FC, Porter CJ, Dawson S, Gaskell RM, Radford AD.: Recombination of feline calicivirus within an endemically infected cat colony. *J Gen Virol*, 2006;87:921-926.
39. Almagro-Nieves D, Guisosa-Campos P, Garrido-Almagro S, Garcia-Aragon MA.: epidmeic outbreak of acute gastroenteritis due to norovirus with possible hydric origin. *Enfermedades Infecciosas y Microbiologia Clinica*. 2006;24(2):93-95.
40. Ike AC, Brockmann SO, Hartelt K, Marschang RE, Contzen M, Oehme RM.: Molecular epidemiology of norovirus in outbreaks of gastroenteritis in southwest Germany from 2001 to 2004. *J Clin Microbiol*, 2006;44(4):1262-1267.
41. Le Guyader FS, Loisy F, Atmar RL, Hutson Am, Estes MK, Ruvoen-Clouet N, Pommepuy M, Le Pendu J.: Norwalk virus-specific binding to oyster digestive tissues. *Emerg Infect Dis*, 2006;12(6):931-936.
42. Phan TG, Kuroiwa T, Kaneshi K, Ueda Y, Nakaya S, Nishimura S, Yamamoto A, Sugita K, Nishimura T, Yagyu F, Okitsu S, Muller WEG, Maneekarn N, Ushijama H.: Changing distrubution of norovirus genotypes and genetic analysis of reombinant GIIB among infants and children with diarrhea in Japan. *J Med Virol*, 2006;78(7):971-978.
43. Wang QH, Souza M, Funk JA, Zhang W, Saif LJ.: Prevalence of noroviruses and sapoviruses in swine of various ages determined by reverse trancription-PCR and microwell hybridization assays. *J Clin Microbiol*, 2006;44(6):2057-2062.

44. Okada M, Tanaka T, Oseto M, Takeda N, Shinozaki K.: Genetic analysis of noroviruses associated with fatalities in healthcare facilities. *Arch Virol*, 2006;151(8):1635-1641.
45. Sosnovtsev SV, Belliot G, Chang KO, Prikhodko VG, Thackray LB, Wobus CE, Karst SM, Virgin HW, Green KY.: Cleavage map and proteolytic processing of the murine norovirus nonstructural polyprotein in infected cells. *J Virol*, 2006;80(16):7816-7831.
46. Rutjes SA, van den Berg HHJL, Lodder WJ, Husman AMD.: Real-time detection of noroviruses in surface water by use of a broadly reactive nucleic acid sequence-based amplification assay. *Appl Environmental Microbiol*, 2006;72(8):5349-5358.
47. Atmar RL, Estes MK.: The epidemiologic and clinical importance of norovirus infection. *Gastroenterology Clinics of North America*, 2006;35(2):275.
48. Westrell T, Teunis P, van der Berg H, Lodder W, Ketelaars H, Stenstrom TA, Husman AMD.: Short- and long term variations of norovirus concentrations in the Meuse river during a 2-year study period. *Water Research*, 2006;40(14):2613-2620.
49. Okame M, Akihara S, Hansman G, Hainian Y, Tran HTT, Phan TG, Yagyu F, Okitsu S, Ushijama H.: Existence of multiple genotypes associated with acute gastroenteritis during 6-year survey of norovirus infection in Japan. *J Med Virol*, 2006;78(10):1318-1324.
50. Estes MK, Prasad BVV, Atmar RL.: Noroviruses everywhere: has something changed? *Curr Opin Infect Dis*, 2006;19(5):467-474.
51. Waters A, Coughlan S, Dunford L, Hall WW.: Molecular epidemiology of norovirus strains circulating in Ireland from 2006 to 2004. *Epidemiol Infect*, 2006;134(5):917-925.
52. Medici MC, Martinelly M, Abelli LA, Ruggeri FM, Di Bartolo I, Arcangeletti MC, Pinardi F, De Conto F, Izzi G, Bernasconi S, Chezzi C, Dettori G.: Molecular epidemiology of norovirus infections in sporadic cases of viral gastroenteritis among children in Northern Italy. *J Med Virol*, 2006;78(11):1486-1492.
53. Ho ECM, Cheng PKC, Wong DA, Lau AWL, Lim WWL.: Correlation of norovirus variants with epidemics of acute viral gastroenteritis in Hong Kong. *J Med Virol*, 2006;78(11):1473-1479.
54. Okitsu-Negishi S, Kame M, Shimizu Y, Phan TG, Tomaru T, Kamijo S, Sato T, Yagyu F, Muller WEG, Ushijama H.: detection of norovirus antigens from recombinant virus-like particles and stool samples by a commercial norovirus enzyme-linked immunosorbent assay kit. *J Clin Microbiol*, 2006;44(10):3784-3786.
55. Vainio K, Myrmet M.: Molecular epidemiology of norovirus outbreaks in Norway during 2000 to 2005 and comparison of four norovirus real-time reverse transcriptase PCR assays. *J Clin Microbiol*, 2006;44(10):3695-3702.
56. Phan TG, Takanashi S, Kaneshi K, Ueda Y, Nakaya S, Nishimura S, Sugita K, Nishimura T, Yamamoto A, Yagyu F, Okitsu S, Maneekarn N, Ushiyama H.: Detection and genetic characterization of norovirus strains circulating among infants and children with acute gastroenteritis in Japan during 2004-2005. *Clin Laboratory*, 2006;52(9-10):519-525.
57. Ramirez S, De Grazia S, Giammanco GM, Milici M, Colomba C, Ruggeri FM, Martella V, Arista S.: Detection of the norovirus variants GGII.4 hunter and GGIIb/hilversum in Italian children with gastroenteritis. *J Med Virol*, 2006;78(12):1656-1662.
58. McMeekin TA, Baranyi J, Bowman J, Dalgaard P, Kirk M, Ross T, Schmid S, Zwietering MH.: Information systems in food safety management. *Internat J Food Microbiol*, 2006;112(3):181-194.
59. Seiberl G, Bishof E, Wenisch C.: Acute infectious diarrhoea. *Wiener Klinische Wochenschrift*, 2006;118:137-151.
60. Fukuda S, Takao S, Kuwayama M, Miyazaki K. Molecular Epidemiology of Gastroenteritis Outbreaks due to Norovirus. *Hiroshima Prefectural Veterinary Medical Association Journal* 18: (6) 64-67 (2006)
61. Goodgame R. Norovirus gastroenteritis. *Current Gastroenterology Reports* 8: (5) pp. 401-408. (2006)
62. Depoortere E, Takkinen J. Coordinated European actions to prevent and control norovirus outbreaks on cruise ships. *Eurosurveillance* 11: (42) p. article2. (2006)
63. Kumar S, Ochoa W, Kobayashi S, Reddy VS.: Presence of a surface-exposed loop facilitates trypsinization of particles of simian virus, a genogroup II.3 norovirus. *J Virol*, 2007;81(3):1119-1128.
64. Leuenberger S, Widdowson MA, Feilchenfeldt J, Egger R, Streuli RA.: Norovirus outbreak in a district general hospital – new strain identified. *Swiss Medical Weekly*, 2007;137(3-4):57-61.
65. Mumphy SM, Changotra H, Moore TN, Heimann-Nichols ER, Wobus CE, Reilly MJ, Moghadamfalahi M, Shukla D, Karst SM.: Murine norovirus 1 infection is associated with histopathological changes in immunocompetent hosts, but clinical disease is prevented by STAT1-dependent interferon responses. *J Virol*, 2007;81(7):3251-3263.

66. Croci L, Losio MN, Suffredini E, Pavoni E, Di Pasquale S, Fallacara F, Arcangeli G.: Assessment of human enteric viruses in shellfish from the northern Adriatic sea. *Internat J Food Microbiol*, 2007;114(2):252-257.
67. Botic T, Klingberg TD, Weingartl H, Cencic A.: A novel eukaryotic cell culture model to study antiviral activity of potential probiotic bacteria. *Internat J Food Microbiol*, 2007;115(2):227-234.
68. Ho ECM, Cheng PKC, Lau AWL, Wong AH, Lim WWL.: Atypical norovirus epidemic in Hong Kong during summer of 2006 caused by a new genogroup II/4 variant. *J Clin Microbiol*, 2007;45(7):2205-2211.
69. Johnston CP, Qiu HM, Ticehurst JR, Dickson C, Rosenbaum P, Lawson P, Stokes AB, Lowenstein CJ, Kaminsky M, Cosgrove SE, Green KY.: Outbreak management and implications of a nosocomial norovirus outbreak. *Clin Infect Dis*, 2007;45(5):534-540.
70. Mattison K, Shukla A, Cook A, Pollari F, Friendship R, Kelton D, Bidawid S, Farber JM.: Human noroviruses in swine and cattle. *Emerg Infect Dis*, 2007;13(8):1184-1188.
71. Phan TG, Kaneshi K, Ueda Y, Nakaya S, Nishimura S, Yamamoto A, Sugita K, Takanashi S, Okitsu S, Ushijima H.: Genetic heterogeneity, recombination in evolution, and noroviruses. *J Med Virol*, 2007;79(9):1388-1400.
72. Lee N, Chan MCW, Wong B, Choi KW, Sin W, Lui G, Chan PKS, Lai RWM, Cockram CS, Sung JY, Leung WK.: fecal viral concentration and diarrhea in norovirus gastroenteritis. *Emerg Infect Dis*, 2007;13(9):1399-1401.
73. Colomba C, Saporito L, Giammanco GM, De Grazia S, Ramirez S, Arista S, Titone L.: Norovirus and gastroenteritis in hospitalized children, Italy.: *Emerg Infect Dis*, 2007;13(9):1389-1391.
74. Wilcox M, Fawley W.: Viral gastroenteritis increases the reports of *Clostridium difficile* infection. *J Hosp Infect*, 2007;66(4):395-396.
75. Kumazaki M, Usuku S, Noguchi Y.: New variant of norovirus GII/4 strains prevalent in Yokohama city, October 2006-March 2007. *Japanese J Infect Dis*, 2007;60(5):323-324.
76. Gomes KA, Stupka JA, Gomez J, Parra GI.: Molecular characterization of calicivirus strains detected in outbreaks of gastroenteritis in Argentina. *J Med Virol*, 2007;79(11):1703-1709.
77. Alain S, Denis F.: epidemiology of infectious acute diarrhoea in France and Europe. *Archives de Pediatrie*, 2007;14(S3):S132-S144.
78. Ethelberg S, Olsen KEP, Gerner-Smidt P, Molbak K.: The significance of the number of submitted samples and patient-related factors for faecal bacterial diagnostics. *Clin Microbiol Infect*, 2007;13(11):1095-1099.
79. Lamhoujeb S, Charest H, Fliss I, Ngazoa S, Jean J. Phylogenetic analysis of norovirus isolates involved in some Canadian gastroenteritis outbreaks in 2004 and 2005. *Can J Microbiol*, 2007;53(10):1133-1140.
80. Nguyen TA, Khamrin P, Takanashi S, Le Hoang P, Pham LD, Hoang KT, Satou K, Masuoka Y, Okitsu S, Ushijima H. Evaluation of immunochromatography tests for detection of rotavirus and norovirus among Vietnamese children with acute gastroenteritis and the emergence of a novel norovirus GII.4 variant. *J Trop Pediatrics*, 2007;53(4):264-269.
81. Okada M, Ogawa T, Yoshizumi H, Kubonoya H, Shinozaki K.: Genetic variation of the norovirus GII-4 genotype associated with a large number of outbreaks in Chiba prefecture, Japan. *Arch Virol*, 2007;152(12):2249-2252.
82. Sakon N, Yamazaki K, Yoda T, Tsukamoto T, Kase T, Taniguchi K, Takahashi K, Otake T: Norovirus storm in Osaka, Japan, last winter (2006/2007). *Japanese J Infect Dis*, 2007;60(6):409-410.
83. Adamson WE, Gunson RN, Maclean A, Carman WF.: Emergence of a new norovirus variant in Scotland in 2006. *J Clin Microbiol*, 2007;45(12):4058-4060.
84. Logan C, O'Leary JJ, O'Sullivan N.: Real-time reverse transcription PCR detection of norovirus, sapovirus and astrovirus as acausative agents of acute viral gastroenteritis. *J Virol Methods*, 2007;146(1-2):36-44.
85. da Silva AK, Le Saux JC, Parnaudeau S, Pommepuy M, Elimelech M, Le Guyader FS.: Evaluation of removal of noroviruses during wastewater treatment, using real-time reverse transcription-PCR: different behaviors of genogroups I and II. *Appl Environ Microbiol*, 2007;73(24):7891-7897.
86. Moon SK, Lee JI, Yoon HS, Ahn YM. Isolation rate of 4 type virus of acute gastroenteritis in full-term neonates during neonatal period. *Korean J Pediatr*, 2007;50(9):855-861.
87. Jones M. Norovirus associated outbreaks, LAC 2006. *Acute Communicable Disease Control* 00: 85-90 (2007)
88. Meqdam MM, Thwiny IR.: Prevalence of group A rotavirus, enteric adenovirus, norovirus and astrovirus infections among children with acute gastroenteritis in Al-Qassim, Saudi Arabia. *Pak J Med Sci*, 2007;23(4):551-555.

89. Corrain C, Arcangeli G, Fasolato L, Manfrin A, Rossetti E, Biazzi E, Mioni R, Pavoni E, Losio N, Sanavio G, Suffredini E, Croci L. Influence of climatic and environmental factors on the presence and distribution of enteric viruses in bivalve molluscs growing in delta area of Po river: Influenze climatico-ambientali sulla presenza di virus enterici in molluschi bivalvi. *Industrie Alimentari* 46: (467) pp. 277-283. (2007)
90. Fell G, Boyens M, Baumgarte S. Frozen berries as a risk factor for outbreaks of norovirus gastroenteritis. Results of an outbreak investigation in the summer of 2005 in Hamburg: Tiefkühlfrüchte als risikofaktor für gastroenteritis- ausbrüche durch noroviren. *Ergebnisse einer ausbruchsuntersuchung im sommer 2005 in Hamburg. Bundesgesundheitsblatt - Gesundheitsforschung - Gesundheitsschutz* 50: (2) pp. 230-236. (2007)
91. Goodgame R. Norovirus gastroenteritis. *Current Infectious Disease Reports* 9: (2) pp. 102-109. (2007)
92. Jia L -P, Qian Y, Zhang Y, Chen D -M, Zhao L -Q, Zhu R -N. Sequence analysis for the major capsid protein genes of Noroviruses identified from specimens collected from children with diarrhea in Beijing. *Chinese Journal of Microbiology and Immunology* 27: (5) pp. 394-399. (2007)
93. Rahamat-Langendoen J C, Van Vliet J A. Recent changes in the epidemiology of infectious diseases in the Netherlands: The report 'Status of infectious diseases in the Netherlands, 2000-2005': Recente veranderingen in de epidemiologie van infectieziekten in Nederland: Het rapport 'Staat van infectieziekten in Nederland, 2000-2005'. *Nederlands Tijdschrift voor Geneeskunde* 151: (24) pp. 1333-1338. (2007)
94. Stock I. Norovirus infections: Infektionen durch noroviren. *Chemotherapie Journal* 16: (5) pp. 152-162. (2007)
95. Kearney K, Menton J, Morgan JG. Carlow virus, a 2002 GII.4 variant norovirus strain from Ireland. *Virology J*, 2007;4:61
96. Signor RS, Ashbolt NJ, Roser DJ.: Microbial risk implications of rainfall-induced runoff events entering a reservoir used as a drinking-water source. *J Water Supp Res Technol-Aqua*, 2007;56(8):515-531.
97. Hatakka K. Probiotics in the prevention of clinical manifestations of common infectious diseases in children and in the elderly. *Témavezetõ(k): Riitta Korpela. Egyetemi Doktori Thesis* 115 p. 2007. University of Helsinki, Faculty of Medicine, Institute of Clinical Medicine, Department of Infectious Diseases, HUS; Institute of Dentistry, University of Helsinki; Valio, Research and Development, Helsinki, Finland, ISBN 978-952-92-1996-4
98. Tu ETV, Bull RA, Greening GE, Hewitt J, Lyon MJ, Marshall JA, McIver CJ, Rawlinson WD, White PA.: Epidemics of gastroenteritis during 2006 were associated with the spread of norovirus GII.4 variants 2006a and 2006b. *Clin Infect Dis*, 2008;46(3):413-420.
99. Al-Mashhadani MN, Nakagomi O, Dove W, Ahmed H, Nakagomi T, Hart CA, Cumliffe NA.: Norovirus gastroenteritis among children in Iraqi Kurdistan. *J Med Virol*, 2008;80(3):506-509.
100. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Colomba C, Martella V, Arista S.: Genotyping of GII.4 and GIIB norovirus RT-PCR amplicons by RFLP analysis. *J Virol Meth*, 2008;147(2):250-256.
101. Bruggink L, Marshall J.: Molecular changes in the norovirus polymerase gene and their association with incidence of GII.4 norovirus-associated gastroenteritis outbreaks in Victoria, Australia, 2001-2005. *Arch Virol*, 2008;153(4):729-732.
102. Martella V, Banyai K, Lorusso E, Bellacicco AI, Decaro N, Mari V, Saif L, Costantini V, De Grazia S, Pezzotti G, Lavazza A, Buonavoglia C.: Genetic heterogeneity of porcine enteric caliciviruses identified from diarrhoeic piglets. *Virus Genes*, 2008;36(2):365-373.
103. Fukuda S, Sasaki Y, Takao S, Seno M.: Recombinant norovirus implicated in gastroenteritis outbreaks in Hiroshima prefecture, Japan. *J Med Virol*, 2008;80(5):921-928.
104. Noda M, Fukuda S, Nishio O: statistical analysis of attack rate in norovirus foodborne outbreaks. *Internat J Food Microbiol*, 2008;122(2):216-220.
105. Katayama H, Haramoto E, Oguma K, Yamashita H, Tajima A, Nakajima H, Ohyaiki S.: One-year monthly quantitative survey of noroviruses, enteroviruses, and adenoviruses in wastewater collected from six plants in Japan. *Water Res*, 2008;42(6-7):1441-1448.
106. Kostela J, Ayers M, Nishikawa J, McIntyre L, Petric M, Tellier R.: Amplification by long RT-PCR of near full-length norovirus genomes. *J Virol Meth*, 2008;149(2):226-230.
107. Lindesmith LC, Donaldson EF, LoBue AD, Cannon JL, Zheng DP, Vinje J, Baric RS.: Mechanisms of GII.4 norovirus persistence in human populations. *PLoS Med*, 2008;5(2):269-290.
108. Campos GS, Moreau VH, Bandeira A, Barberino G, Almeida PF, Amador DM, de Lima MO, Sardi SI.: Molecular detection and genetic diversity of norovirus in hospitalized young adults with acute gastroenteritis in Bahia, Brazil. *Arch Virol*, 2008;153(6):1125-1129.

109. Morin PT, Picoche B.: Enteric viruses: Current knowledge and control methods in the agri-food industry. *Bulletin de L Academie Veterinaire de France*, 2008;161(2):111-118.
110. Ludwig A, Adams O, Laws HJ, Schrotten H, Tenebaum T.: Quantitative detection of norovirus excretion in pediatric patients with cancer and prolonged gastroenteritis and shedding of norovirus. *J Med Virol*, 2008;80(8):1461-1467.
111. Pagotto F, Corneau N, Mattison K, Bidawid S.: development of a DNA microarray for the simultaneous detection and genotyping of noroviruses. *J Food Prot*, 2008;71(7):1434-1441.
112. Lowther JA, Henshilwood K, Lees DN.: Determination of norovirus contamination in oysters from two commercial harvesting areas over an extended period, using semiquantitative real-time reverse transcription PCR. *J Food Prot*, 2008;71(7):1427-1433.
113. Tsang OTY, Wong ATY, Chow CB, Yung RWH, Lim WWI, Liu SH.: Clinical characteristics of nosocomial norovirus outbreaks in Hong Kong. *J Hosp Infect*, 2008;69(2):135-140.
114. Cooper DL, Smith GE, Regan M, Large S, Groenewegen PP.: Tracking the spatial diffusion of influenza and norovirus using telehealth data: A spatiotemporal analysis of syndromic data. *BMC Med*, 2008;6:16.
115. Donaldson EF, Lindesmith LC, LoBue AD, Baric RS.: Norovirus pathogenesis: mechanisms of persistence and immune evasion in human populations. *Immunol Rev*, 2008;225:190-211.
116. Said MA, Perl TM, Sears CL.: Gastrointestinal flu: norovirus in health care and long-term care facilities. *Clin Infect Dis*, 2008;47(9):1202-1208.
117. Rachakonda G, Choudekar A, Parveen S, Bhatnagar S, Patwari A, Broor S.: Genetic diversity of noroviruses and sapoviruses in children with acute sporadic gastroenteritis in New Delhi, India. *J Clin Virol*, 2008;43(1):42-48.
118. Jin M, Xie HP, Duan ZJ, Liu N, Zhang Q, Wu BS, Li HY, Cheng WX, Yang SH, Yu JM, Xu ZQ, Cui SX, Zhu L, Tan M, Jiang X, Fang ZY.: Emergence of the GII4/2006b variant and recombinant noroviruses in China. *J Med Virol*, 2008;80(11):1997-2004.
119. Iijima Y, Tanaka S, Ohishi H.: Multiple outbreaks of gastroenteritis due to a single strain of genotype GII/4 norovirus in Kobe, Japan, 2006: risk factors for norovirus spread in health care settings. *Japanese J Infect Dis*, 2008;61(5):419-422.
120. Shirato H, Ogawa S, Ito H, Sato T, Kameyama A, Narimatsu H, Zheng XF, Miyamura T, Wakita T, Ishii K, Takeda N.: Noroviruses distinguish between type 1 and 2 histo-blood group antigens for binding. *J Virol*, 2008;82(21):10756-10767.
121. McCartney SA, Thackray LB, Gitlin L, Gilfillan S, Virgin HW, Colonna M.: MDA-5 recognition of a murine norovirus. *PLoS Pathogens*, 2008;4(7):e1000108.
122. Mauroy A, Scipioni A, Mathijs E, Miry C, Ziant D, Thys C, Thiry E.: noroviruses and sapoviruses in pigs in Belgium. *Arch Virol*, 2008;153(10): 1927-1931.
123. Motomura K, Oka T, Yokoyama M, Nakamura H, Mori H, Ode H, Hansman GS, Katayama K, Kanda T, Tanaka T, Takeda N, Sato H.: Identification of monomorphic and divergent haplotypes in the 2006-2007 norovirus GII/4 epidemic population by genomwide tracing of evolutionary history. *J Virol*, 2008;82(22):11247-11262.
124. Suffredini E, Corrain C, Arcangeli G, Fasolato L, Manfini A, Rossetti E, Biazzi E, Mioni R, Pavoni E, Losio MN, Sanavio G, Croci L.: Occurrence of enteric viruses in shellfish and relation to climatic-environmental factors. *Letters in Applied Microbiol*, 2008;47(5):467-474.
125. Mladenova Z, Korsun N, Geonova T, Di Bartolo I, Fiore L, Ruggeri FM.: Prevalence and molecular epidemiology of noroviruses detected in outbreak and sporadic cases of acute gastroenteritis in Bulgaria. *J Med Virol*, 2008;80(12):2161-2168.
126. Uyar Y, Carhan A, Ozkaya E, Ertek M.: Evaluation of laboratory diagnosis of the first norovirus outbreak in Turkey in 2008. *Mikrobiyoloji Bulteni*, 2008;42(4):607-615.
127. Lee C, Kim SJ.: The genetic diversity of human noroviruses detected in river water in Korea. *Water Res*, 2008;42(17):4477-4484.
128. Wang DP, Wu QP, Kou XX, Yao L, Zhang JM.: Distribution of norovirus in oyster tissues. *J Applied Microbiol*, 2008;105(6):1966-1972.
129. Almanza H, Cubillos C, Angulo I, Mateos F, Caston JR, van der Poel WHM, Vinje J, Barcena J, Mena I.: Self-assembly of the recombinant capsid protein of a swine norovirus into virus-like particles and evaluation of monoclonal antibodies cross-reactive with a human strain from genogroup II. *J Clin Microbiol*, 2008;46(12):3971-3979.
130. Oldak E. Vaccination in acute childhood viral gastroenteritis. *Pediatric Health* 2:(5) 595-603 (2008)
131. Chen LH, Wilson ME.: The role of the traveler in emerging infections and magnitude of travel. *Medical Clinics of North America*, 2008;92(6):1409.

132. Gomes KA, Stupka JA, Diana A, Parra GI.: Molecular characterization of calicivirus strains detected in outbreaks of gastroenteritis occurring in Argentina during 2005 and 2006. *Revista Argentina de Microbiologia*, 2008;40(4):222-228.
133. Nayak MK, Balasubramanian G, Sahoo GC, Bhattacharya R, Vinjé J, Kobayashi N, Sarkar MC, Bhattacharya MK, Krishnan T. detection of a novel intergenogroup recombinant norovirus from Kalkotta, India. *Virology*, 2008;377(1):117-123.
134. Chen M -F, Gao Y, Cong X, Sun C -L, Zhu J -Y, Xi M, Guo X -L, Yang X, Li Y, Wei L. Etiological study on sporadic viral gastroenteritis among adult in Beijing. *National Medical Journal of China* 88: (4) pp. 265-267. (2008)
135. Jia L -P, Qian Y, Chen D -M, Zhang Y. Research of the E. coli expressed major capsid proteins from Noroviruses with different genotypes collected in Beijing area. *Chinese Journal of Microbiology and Immunology* 28: (2) pp. 144-148. (2008)
136. Xu Q, Lang L -N, Zhang J, Qian Y, Jia L -P, Zhang Z, Wang Q -H. An acute norovirus gastroenteritis outbreak in a hospital. *Acta Academiae Medicinae Sinicae* 30: (5) pp. 535-539. (2008)
137. Xu Q. Epidemic and control strategy on nosocomial outbreak of norovirus gastroenteritis. *Acta Academiae Medicinae Sinicae* 30: (5) pp. 614-617. (2008)
138. Mattei R, Severoni C, Neri L, Donati E, Savarino A. Local epidemiological surveillance of Norovirus infections in children hospitalized for gastroenteritis. *Microbiologia Medica* 23: (4) pp. 208-211. (2008)
139. Forsberg L, Vårdpersonalens följsamhet till basala hygienrutiner och klädregler på särskilda boenden: En observationsstudie, 19 p. 2008. University of Gävle, Department of Caring Sciences and Sociology, Sweden
140. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Colomba C, Martella V, Arista S.: Emerging GII.4 norovirus variants affect children with diarrhea in Palermo, Italy in 2006. *J Med Virol*, 2009;81(1):139-145.
141. Guo L, Song JD, Xu XW, Ren LL, Li JG, Zhou HL, Wang M, Qu JG, Wang JW, Hung T.: Genetic analysis of norovirus in children affected with acute gastroenteritis in Beijing, 2004-2007. *J Clin Virol*, 2009;44(1):94-98.
142. Patel, MM, Hall AJ, Vinje J, Parashara UD.: Noroviruses: A comprehensive review. *J Clin Virol*, 2009;44(1):1-8.
143. Changotra H, Jia YL, Moore TN, Liu GL, Kahan SM, Sosnovtsev SV, Karst SM.: Type I and II interferons inhibit the translation of murine norovirus proteins. *J Virol*, 2009;83(11):5683-5692.
144. Cannon JL, Lindesmith LC, Donaldson EF, Saxe L, Baric RS, Vinje J.: Herd immunity to GII.4 noroviruses is supported by outbreak patient sera. *J Virol*, 2009;83(11):5363-5374.
145. Karsten C, Baumgarte S, Friedrich AW, von Eiff C, Becker K, Wosniok W, Ammon A, Bockemuhl J, Karch H, Huppertz HL.: Incidence and risk factors for community-acquired acute gastroenteritis in north-west Germany in 2004. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*, 2009;28(8):935-943.
146. Victoria M, Miagostovich MP, Ferreira MSR, Vieira CB, Fioretti JM, Leite JPG, Colina R, Cristina J. Bayesian coalescent inference reveals high evolutionary rates and expansion of norovirus populations. *Infect Genetics and Evolution*, 2009;9(5):927-932.
147. Xu J, Yang Y, Sun J, Ding YZ. Molecular epidemiology of norovirus infection among children with acute gastroenteritis in Shanghai, China, 2001-2005. *J Med Virol*, 2009;81(10):1826-1830.
148. Jackson ML. Confounding by season in ecologic studies of seasonal exposures and outcomes: examples from estimates of mortality due to influenza. *Annals of Epidemiology*, 2009;19(10):681-691.
149. Bok K, Abente EJ, Realpe-Quintero M, Mitra T, Sosnovtsev SV, Kapikian AZ, Green KY. Evolutionary dynamics of GII.4 noroviruses over a 34-year period. *J Virol*, 2009;83(22):11890-11901.
150. Yoda T, Suzuki Y, Yamazaki K, Sakon N, Kanki M, Kase T, Takahashi K, Inoue K. Application of a modified loop-mediated isothermal amplification kit for detecting norovirus genogroups I and II. *J Med Virol*, 2009;81(12):2072-2078.
151. Terio V, Martella V, Moschidou P, Di Pinto R, Tantillo G, Buonavoglia C: Norovirus in retail shellfish. *Food Microbiol*, 2009;27(1):29-32.
152. Baltic MZ, Kilibarda N, Vlado T, Dimitrijevic M, Karabasli N, Dokmanovic M. Potencijalne bioloske opasnosti od znacaja za HACCP planove u procesu obrade sveze ribe. *Veterinarski glasnik*, 2009;63(3-4):201-213.
153. Armbrust S, Kramer A, OlbertzD, Zimmermann K, Fusch C. Norovirus infections in preterm infants: wide variety of clinical courses. *BMC Research Notes*, 2009;2:No96
154. Di Pinto P; Martella V; Tantillo GM. Distribution of a new variant GII.b/Hilversum of norovirus in retail *Mytilus galloprovincialis*. *Italian Journal of Food Safety*, 2009;5:66-68
155. Vorou R, Douglas G, Gkolfinopoulou K, Mellou K. Gastroenteritis outbreaks in Greece. *The Open Infect Dis J* 3: 99-105 (2009)

156. Ifantidou A M, Mitka S, Karabaxoglou D, Frantzidou F, Papa A, Kansouzidou A, Malisiovas N. Norovirus gastroenteritis in Northern Greece. *Acta Microbiologica Hellenica* 54: (5) pp. 277-287. (2009)
157. Moe C L. Preventing norovirus transmission: How should we handle food handlers? *Clinical Infectious Diseases* 48: (1) pp. 38-40. (2009)
158. Themeli-Digalaki K, Kopsari K, Altouvas C, Mamali B, Zarkotou O, Giannouli K, Chrysos G, Voutsinas D. Investigation of infective causes of diarrhoea in patients of a general hospital. *Acta Microbiologica Hellenica* 54: (1) pp. 28-33. (2009)
159. Oldak E, Sulik A, Rozkiewicz D, Liwoch-Nienartowicz N, Zawadzka E. Norovirus and rotavirus – two major causative agents of sporadic viral gastroenteritis in hospitalized Polish children. *Advances Med Sci*, 2009;54(2):183-186.
160. Wolf S, Rivera-Aban M, Greening GE. Long-range reverse transcription as a useful tool to assess the genomic integrity of norovirus. *Food Environ Virol*, 2009;1(3-4):129-136.
161. Di Pinto P; Terio V; Martella V; Tantillo GK. Distribution of a new variant GII.b/Hilversum of norovirus in retail *Mytilus galloprovincialis*. *Italian Journal of Food Safety A.I.V.I.*, 2009;5:65-68.
162. Rimoldi SG, Pagani C, Lombardi A, Molteni E, Bossi C, Tonelli C, Gismodo M. Epidemiological evaluation of sporadic cases of Norovirus infection in community and hospitalized patients. *Microbiologia Medica* 24: (1) pp. 47-49. (2009)
163. Gospodarek E, Zalas-Więcek P. NOROWIRUSY – TAKTYKA ROZPRZESTRZENIANIA SIĘ: NOROVIRUSES – TACTIC OF SPREAD. *PRZEGL EPIDEMIOLOG* 63: pp. 5-9. (2009)
164. Khamrin P, Maneekarn N, Thongprachum A, Chaimongkol N, Okitsu S, Ushijima H. Emergence of new norovirus variants and genetic heterogeneity of noroviruses and sapoviruses in children admitted to hospital with diarrhea in Thailand. *J Med Virol*, 2010;82(2):289-296.
165. Vivancos R, Sundkvist T, Barker D, Burton J, Nair P. Effect of exclusion policy on the control of outbreaks of suspected viral gastroenteritis: analysis of outbreak investigation in care homes. *Am J Infect Control*, 2010;38(2):139-143.
166. Herbst-Kralovetz M, Mason HS, Chen Q. Norwalk virus-like particles as vaccines. *Exp Rev Vaccines*, 2010;9(3):299-307.
167. La Rosa G, Iaconelli M, Pourshaban M, Muscillo M. Detection and characterization of noroviruses from five sewage treatment plants in central Italy. *Water Res.*, 2010;44(6):1777-1784.
168. Liu LJ, Liu W, Liu YX, Xiao HJ, Jia N, Liu G, Tong YG, Cao WC. Identification of norovirus as the top enteric viruses detected in adult cases with acute gastroenteritis. *American J Trop Med Hygiene*, 2010;82(4):717-722.
169. Zheng DP, Widdowson MA, Glass RI, Vinje J. Molecular epidemiology of genogroup II-genotype 4 noroviruses in the United States between 1994 and 2006. *J Clin Microbiol*, 2010;48(1):168-177.
170. Le VP, Jung YC, Kang KS, Lim I, Myung SC, Kim W. Genetic characterization of norovirus GII.4 2006b variants from Jeju Island, South Korea. 2010;82(6):1065-1070.
171. Park KS, Jeong HS, Baek KA, Lee CG, Park SM, Park JS, Choi YJ, Choi HJ, Cheon DS. Genetic analysis of norovirus GII.4 variants circulating in Korea in 2008. *Arch Virol*, 2010;155(5):635-641.
172. Dey SK, Phathamavong O, Okitsu S, Mizuguchi M, Ohta Y, Ushijima H. Seasonal pattern and genotype distribution of norovirus infection in Japan. *Ped Infect Dis J*, 2010;29(5):E32-E34.
173. Pang XLL, Preiksaitis JK, Wong S, Li V, Lee BE. Influence of novel norovirus GII.4 variants on gastroenteritis outbreak dynamics in Alberta and the Northern Territories, Canada between 2000 and 2008. *PLOS ONE*, 2010;5(7):e11599.
174. Taube S, Jiang MX, Wobus CE. Glycosphingolipids as receptor for non-enveloped viruses. *Viruses-Basel*, 2010;2(4):1011-1049.
175. Karst SM. Pathogenesis of noroviruses, emerging RNA viruses. *Viruses-Basel*, 2010;2(3):748-781.
176. Maalouf H, Pommepuy M, Le Guyader FS. Environmental conditions leading to shellfish contamination and related outbreaks. *Food Environ Virol*, 2010;2(3):136-145.
177. Rasanen S, Lappalainen S, Kaikkonen S, Hamalainen M, Salminen M, Vesikari T. Mixed viral infections causing gastroenteritis in children in a waterborne outbreak. *Epid Infect*, 2010;138(=9):1227-1234.
178. Kirk MD, Hall GV, Veitch MGK, Becker N. Assessing the incidence of gastroenteritis among elderly people living in long term care facilities. *J Hosp Infect*, 2010;76(1):12-17.
179. Yun SI, Kim JK, Song BH, Jeong AY, Jee YM, Lee CH, Paik SY, Koo Y, Jeon I, Byun SJ, Lee YM. Complete genome sequence and phylogenetic analysis of a recombinant Korean norovirus, CBNU1, recovered from a 2006 outbreak. *Virus Res*, 2010;152(1-2):137-152.
180. Park H, Kim M, Ko G. Evaluation of various methods for recovering human norovirus and murine norovirus from vegetables and ham. *J Food Prot*, 2010;73(9):1651-1657.

181. Iritani N, Kaida A, Kubo H, Abe N, Goto K, Ogrura H, Seto Y. Molecular epidemiology of noroviruses detected in seasonal outbreaks of acute nonbacterial gastroenteritis in Osaka City, Japan, from 1996-1997 to 2008-2009. *J Med Virol*, 2010;82(12):2097-2105.
182. Hassine M, Sdiri K, Riabi S, Beji A, Aouni Z, Aouni M. Detection of enteric viruses in wastewater of Monastir region by RT-PCR method. *Tunisie Medicale*, 2010;88(2):57-62.
183. Rahman M, Hassan Z, Nahar Z, Faruque ASG, van Ranst M, Rahman SR, Azim T. Molecular detection of noroviruses in hospitalized patients in Bangladesh. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*, 2010;29(8):937-945.
184. Aziz AM. Managing outbreaks of norovirus in a MHS hospital. *British Journal of Nursing*, 2010;19(9):589-596.
185. Huhti L, Blazevic V, Nurminen K, Koho T, Hyonen VP, Vesikari T. A comparison of methods for purification and concentration of norovirus GII-4 capsid virus-like particles. *Arch Virol*, 2010;155(11):1855-1858.
186. Eden JS, Bull AB, Tu E, McIver CJ, Lyon MJ, Marshall JA, Smith DW, Musto J, Rawlinson WD, White PA. Norovirus GII.4 variant 2006b caused epidemics of acute gastroenteritis in Australia during 2007 and 2008. *J Clin Virol*, 2010;49(4):265-271.
187. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam
188. La Rosa G, Pourshaban M, Iaconelli M, Muscillo M. Quantitative real-time PCR of enteric viruses in influent and effluent samples from wastewater treatment plants in Italy. *Annali Dell Istituto Sup di San*, 2010;46(3):266-273.
189. Kim K -L, Lee D -S, Park M -S, Eom S -H, Lim K -S, Kim J -S, Lee D -H, Kang C -K, Kim Y -M, Lee M -S. Antiviral activity of seaweed extracts against feline calicivirus. *Fisheries and Aquatic Science* 13: (2) pp. 96-101. (2010)
190. Apelt N. Prevalenz von norovirusinfektionen bei reiserückkehrern mit und ohne Durchfallserkrankungen. *MD p*. 2010. Ludwig-Maximilians-Universität zu München
191. Schousboe MI. Governance, Management and Professional Influences on Infection Control in Canterbury Public Hospitals 1978-2008. *MSc p*. 2010. University of Otago
192. Müller B. Molekulare Charakterisierung muriner Noroviren – phylogenetische und antigene Eigenschaften. *Témavezető(k): Krüger DH; Schreier E; Schneider T. Benyújtás éve: 2009. Védés éve: 2010. 2 Humboldt-Universität zu Berlin, Mathematisch-Naturwissenschaftliche Fakultät I*, publiziert am 25.03.2010, Berlin, Germany, urn:nbn:de:kobv:11-100110243
193. Dalin E, Ansker J, Haggstrom P, Dahlberg B, Pott BM, Ericsson P, Lindgren PE. Analysis methodology of noroviruses in surface water. 2010. *Svenskt Vatten Utveckling*, Stockholm
194. Ambrožová H. Průjmová onemocnění z pohledu klinika. *Medicína pro praxi* 7: (10) pp. 372-375. (2010)
195. Lindesmith LC, Donaldson EF, Baric RS. Norovirus GII.4 strain antigenic variation. *J Virol*, 2011;85(1):231-242.
196. Mattison K, Grudski E, Auk B, Brassard J, Charest H, Dust K, Gubbay J, Hatchette TF, Houce A, Jean J, Jones T, Lee BK, Mamiya H, McDonald R, Myktyczuk O, Pang X, Petrich A, Plante D, Ritchie G, Wong J, Booth TF. Analytical performances of norovirus real-time RT-PCR detection protocols in Canadian laboratories. *J Clin Virol*, 2011;50(2):109-113.
197. Mathew LG, Maloney B, Takeda N, Mason HS. Spurious polyadenylation of norovirus Narita 104 capsid protein mRNA in transgenic plants. *Plant Molecular Biology*, 2011;75(3):263-275.
198. Rosenthal NA, Lee LE, Vermeulen BAJ, Hedberg K, Keene WE, Widdowson MA, Cieslak PR, Vinjé J. Epidemiological and genetic characteristics of norovirus outbreaks in long-term care facilities, 2003-2006. *Epidemiol Infect*, 2011;139(2):286-294.
199. Han TH, Kim CH, Chung JY, Park SH, Hwang ES. Emergence of norovirus GII-4/2008 variant and recombinant strains in Seoul, Korea. *Arch Virol*, 2011;156(2):323-329.
200. Schmid D, Kuo HW, Hell M, Kasper S, Lederer I, Mikula C, Springer B, Allerberger F. Foodborne gastroenteritis outbreak in an Austrian healthcare facility caused by asymptomatic, norovirus-excreting kitchen staff. *J Hosp Infect*, 2011;77(3):237-241.
201. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
202. Suffredini E, Pepe T, Ventrone I, Croci L. Norovirus detection in shellfish using two real-time RT-PCR method. *New Microbiologica*, 2011;34(1):9-16.
203. Sow H, Desbiens M, Morales-Rayas R, Ngazoa SE, Jean J. Heat inactivation of hepatitis A virus and a norovirus surrogate in soft-shell clams (*Mya arenaria*). *Foodborne Path Dis*, 2011;8(3):387-393.

204. Widdowson MA, Bulens SN, Beard RS, Lane KM, Monroe SS, Lance S, Bresee JS, Glass RI. Enhanced surveillance of norovirus outbreaks of gastroenteritis in Georgia. *Pub Health Rep*, 2011;126(2):251-258.
205. Huhti L, Szakal ED, Puustinen L, Salminen M, Huhtala H, Valve O, Blazevic V, Vesikari T. Norovirus GII-4 causes a more severe gastroenteritis than other noroviruses in young children. *J Infect Dis*, 2011;203(10):1442-1444.
206. Furuya D, Kuribayashi K, Hosono Y, Tsuji N, Furuya M, Miyazaki K, Watanabe N. Age, viral copy number, and immunosuppressive therapy affect the duration of norovirus RNA excretion in inpatients diagnosed with norovirus infection. *Jap J Infect Dis*, 2011;64(2):104-108.
207. Cheng VCC, Wong LMW, Tai JWM, Chan JFW, To KKW, Li IWS, Hung IFN, Chan KH, Ho PL, Yuen KY. Prevention of nosocomial transmission of norovirus by strategic infection control measures. *Infect Cont Hosp Epidemiol*, 2011;32(3):229-237.
208. Colville A. Norovirus – a serious threat to business continuity for hospitals. *J Infect Prev*, 2011;12(3):107-110.
209. Harris JP, Allen DJ, Ituriza-Gomara M. Norovirus: Changing epidemiology, changing virology. The challenges for infection control. *J Infect Prev*, 2011;12(3):102-106.
210. Dey SK, Phan TG, Mizuguchi M, Okitsu S, Ushijima H. Genetic diversity and emergence of norovirus GII/4-2006b in Japan during 2006-2007. *Clin Lab*, 2011;57(3-4):193-199.
211. Wiegering V, Kaiser J, Tappe D, Weissbrich B, Morbach H, Gieschick HJ. Gastroenteritis in childhood: a retrospective study of 650 hospitalized pediatric patients. *Int J Infect Dis*, 2011;15(6):E401-E407.
212. Park JW, Lee SG, Lee YM, Jheong WH, Ryu S, Paik SY. Full sequence analysis and characterization of the South Korean norovirus GII-4 variant CUK-3. *Viol J*, 2011;8:artNo167
213. Bull RA, White PA. Mechanism of GII.4 norovirus evolution. *Trends in Microbiol*, 2011;19(5):233-240.
214. Schulz M, Mielke M, Wischniewski N. Cluster of infectious diseases in German nursing homes – observation from a prospective infection surveillance study, October 2008 to August 2009. *Eurosurv*, 2011;16(22):18-22.
215. Mathijs E, Denayer S, Palmeira L, Botteldoorn N, Scipioni A, Vanderplasschen A, Thiry E, Dierick K. Novel norovirus recombinants and of GII.4 sub-lineages associated with outbreaks between 2006 and 2010 in Belgium. *Viol J*, 2011;8,310
216. Tan M, Jiang X. Norovirus-host interaction: multi-selections by human histo-blood group antigens. *Trends in Microbiol*, 2011;19(8):382-388.
217. Park Y, Cho YH, Ko G. A duplex real-time RT-PCR assay for the simultaneous genogroup-specific detection of noroviruses in both clinical and environmental specimens. *Virus Genes*, 2011;43(2):192-200.
218. Jin M, Chen JA, Zhang XH, Zhang M, Li HY, Cheng WX, Liu N, Tan M, Jiang TJ, Duan ZJ. Genetic diversity of noroviruses in Chinese adults: potential recombination hotspot and GII4/Den Haag-specific mutations at a putative epirope. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1716-1726.
219. Bigoraj E, Chrobocinska M, Kwit E. Genetic diversity and recombination of noroviruses. *Med Weteryn*, 2011;67(13):802-807.
220. Vantarakis A, Mellou K, Spala G, Kokkinos P, Alamanos Y. A gastroenteritis outbreak caused by noroviruses in Greece. *Int J Environm Res Pub Health*, 2011;8(8):3468-2478.
221. Zeng M, Gong ZX, Zhang YX, Zhu QR, Wang XH. Prevalence and genetic diversity of norovirus in outpatient children with acute diarrhea in Shanghai, China. *J J Infect Dis*, 2011;64(5):417-422.
222. Davis CA, Vally H, Beard FH. Norovirus in residential care facilities: Does prompt notification of outbreaks help?. *Communicable Diseases Intelligence* 35: (2) 162-167 (2011)
223. Shen Q, Zhang W, Yang SX, Chen Y, Shan TL, Cui L, Hua XG. Genomic organization and recombination analysis of human norovirus identified from China. *Mol Biol Rep*, 2012;39(2):1275-1281.
224. Rasanen S, Lappalainen S, Salminen M, Huhti L, Vesikari T. Noroviruses in children seen in a hospital for acute gastroenteritis in Finland. *Eur J Ped*, 2011;170(11):1413-1418.
225. Jones D, Douarre RE, O Leary J, Corcoran d, O Mahony J, Lucey B. Validation of a norovirus multiplex real-time RT-PCR assay for the detection of norovirus GI and GII from faeces samples *Brit J Biomed Sci*, 2011;68(3):116-119.
226. Kirecci E, Özer A. Norovirüsler, Saginlari ve Mücadele. *Van Tip Dergisi*, 2011;18(1):49-56.
227. Vildevall M. The norovirus puzzle: characterization of human and bovine norovirus susceptibility patterns. 2011. Linköping University, Sweden.
228. Zeng M, Xu XH, Zhu CM, Chen J, Zhu QR, Lin SX, Jie YY, Shu XL. Clinical and molecular epidemiology of norovirus infection in childhood diarrhea in China. *J Med Virol*, 2012;84(1):145-151.

229. Lindesmith LC, Beltramello M, Donaldson EF, Corti D, Swanstrom J, Debbink K, Lanzavecchia A, Baric RS. Immunogenetic mechanism driving norovirus GII.4 antigenic variation. *PLoS Path*, 2012;8(5):e1002705.
230. Eden J-S. The evolutionary dynamics of norovirus. PhD-Thesis, University of New South Wales UNSW, Australia, 2012
231. Lee GC, Jung GS, Lee CH. Complete genomic sequence analysis of norovirus isolated from South Korea. *VIRUS GENES* 45:(2) 225-236 (2012)
232. McAllister G, Holmes A, Garcia L, Cameron F, Cloy K, Danial J, Cepeda JA, Simmonds P, Templeton KE. Molecular epidemiology of norovirus in Edinburgh healthcare facilities, Scotland 2007-2011. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 140: (12) 2273-2281 (2012)
233. Lee M-J, Kim W-H, Cho H-G, Lee S-S. Epidemiological study of ground-waterborne norovirus GI.3-associated gastroenteritis outbreaks in Gyeonggi province of South Korea in May 2011. *Journal of Bacteriology and Virology* 42: (3) 232-241 (2012)
234. Robles JDF, Cheuk DKL, Ha SY, Chiang AKS, Chan GCF. Norovirus Infection in Pediatric Hematopoietic Stem Cell Transplantation Recipients: Incidence, Risk Factors, and Outcome. *BIOLOGY OF BLOOD AND MARROW TRANSPLANTATION* 18: (12) 1883-1889 (2012)
235. Jian SW, Simons E, Lederer I, Hohne M, Offner E, Allerberger F, Schmid D. A foodborne outbreak due to norovirus in a vocational school, Austria November 2011. *WIENER TIERARZTLICHE MONATSSCHRIFT* 99: 24-29 (2012)
236. Fiege B. Insights into binding of attachment factors and inhibitors to a human norovirus from NMR and SPR experiments [Elektronische Ressource] / Brigitte Fiege, MD p. 2012. Lübeck, Germany
237. EFSA Panel on Biological Hazards (BIOHAZ), EFSA Panel on Contaminants in the Food Chain. Scientific Opinion on the minimum hygiene criteria to be applied to clean seawater and on the public health risks and hygiene criteria for bottled seawater intended for domestic use. *EFSA Journal* 10: (3) 2613 (2012)
238. Park K, Yeo S, Jeong H, Baek K, Kim D, Shin M, Song J, Lee S, Choi Y, Park J, Cho S, Cheon D. Updates on the genetic variations of Norovirus in sporadic gastroenteritis in Chungnam Korea, 2009-2010. *Virology Journal* 9: Paper 29. (2012)
239. Cheng H-WA, Lucy FE, Broaders MA, Mastitsky SE, Chen C-H, Murray A. Municipal wastewater treatment plants as pathogen removal systems and as a contamination source of noroviruses and *Enterococcus faecalis*. *Journal of Water and Health* 10: (3) pp. 380-389. (2012)
240. Greening GE, Hewitt J, Rivera-Aban M, Croucher D. Molecular epidemiology of norovirus gastroenteritis outbreaks in New Zealand from 2002-2009. *Journal of Medical Virology* 84: (9) pp. 1449-1458. (2012)
241. Nguyen LM, Middaugh JP. Suspected transmission of norovirus in eight long-term care facilities attributed to staff working at multiple institutions. *Epidemiology and Infection* 140: (9) pp. 1702-1709. (2012)
242. Pepe T, Ventrone I, Suffredini E, Ceruso M, Croci L, Anastasio A, Cortesi M L. Norovirus monitoring in bivalve molluscs harvested and commercialized in Southern Italy. *Journal of Food Protection* 75: (5) pp. 976-981. (2012)
243. Pérez-Sautu U, Sano D, Guix S, Kasimir G, Pintó R M, Bosch A. Human norovirus occurrence and diversity in the Llobregat river catchment, Spain. *Environmental Microbiology* 14: (2) pp. 494-502. (2012)
244. Puustinen L, Blazevic V, Huhti L, Szakal E D, Halkosalo A, Salminen M, Vesikari T. Norovirus genotypes in endemic acute gastroenteritis of infants and children in Finland between 1994 and 2007. *Epidemiology and Infection* 140: (2) pp. 268-275. (2012)
245. Ruether IGA, Tsakogiannis D, Pliaka V, Kyriakopoulou Z, Krikelis A, Gartzonika C, Leveidiotou-Stefanou S, Markoulatos P. Molecular characterization of a new intergenotype Norovirus GII recombinant. *VIRUS GENES* 44: (2) pp. 237-243. (2012)
246. Shim JO. Differential diagnosis of acute diarrheal disorders in children. *Journal of the Korean Medical Association* 55: (6) pp. 516-524. (2012)
247. Vivancos R, Trainor E, Oyinloye A, Keenan A. Factors affecting prevention and control of viral gastroenteritis outbreaks in care homes. *Journal of Hospital Infection* 82: (2) pp. 129-132. (2012)
248. Cuelho AL. ANÁLISIS DE VIRUS ENTÉRICOS EN PLANTAS DE TRATAMIENTO DE AGUAS RESIDUALES EN EL INTERIOR DE URUGUAY. Témavezetó(k): Montero MV. 2012. Universidad de la Republica Uruguay, Montevideo, Uruguay
249. Cheng CCV. Proactive infection control measures. 2012. The University of Hong Kong (Pokfulam, Hong Kong)
250. Beaugerie L, Sokol H. Acute infectious diarrhea in adults: Epidemiology and management. *PRESSE MEDICALE* 42: (1) 52-59 (2013)

251. Huhti L, Tamminen K, Vesikari T, Blazevic V. Characterization and immunogenicity of norovirus capsid-derived virus-like particles purified by anion exchange chromatography. *Archives of Virology* 158:(5) 933-942 (2013)
252. Mori K, Hayashi Y, Akiba T, Nagano M, Tanaka T, Hosaka M, Nakama A, Kai A, Saito K, Shirasawa H. Multiplex real-time PCR assays for the detection of group C rotavirus, astrovirus, and Subgenus F adenovirus in stool specimens. *Journal of Virological Methods* 191: (2) 141-147 (2013)
253. Eden J-S, Tanaka MM, Boni MF, Rawlinson WD, White PA. Recombination within the pandemic norovirus GII.4 lineage. *Journal of Virology* 87:(11) 6270-6282 (2013)
254. Pavoni E, Consoli M, Suffredini E, Arcangeli G, Serracca L, Battistini R, Rossini I, Croci L, Losio MN. Noroviruses in Seafood: A 9-Year Monitoring in Italy. *FOODBORNE PATHOGENS AND DISEASE* 10:(6) 533-539 (2013)
255. Kundu S, Lockwood J, Depledge DP, Chaudhry Y, Aston A, Rao K, Hartley JC, Goodfellow I, Breuer J. Next-Generation Whole Genome Sequencing Identifies the Direction of Norovirus Transmission in Linked Patients. *CLINICAL INFECTIOUS DISEASES* 57: (3) 407-414 (2013)
256. di Giannatale E, Alessiani A, Sauro F, Sbraccia F, Croce G, Nissim A, Carnevale A, Migliorati G. Epidemiological study of an outbreak of Norovirus in a rest home in Italy. *VETERINARIA ITALIANA* 49: (2) 175-180 (2013)
257. Manso CF, Torres E, Bou G, Romalde JL. Role of norovirus in acute gastroenteritis in the Northwest of Spain during 2010–2011. *J Med Virol* 85(11):2009-2015, (2013)
258. Xue L; Wu Q; Kou X; Cai W; Zhang J; Guo W. Complete genome analysis of a novel norovirus GII.4 variant identified in China. *Virus Genes*, 2013; DOI: 10.1007/s11262-013-0945-8
259. My PVT, Lam HM, Thompson CN, Phuc HL, Tuyet PTN, Vinh H, Hoang NVM, Minh PV, Vinh NT, Thuy CT, Nga TTT, Hau NT, Chinh NT, Thuong TC, Tuan HM, Campbell JI, Clements AC, Farrara J, Bonia MF, Baker S. The dynamics of GII.4 Norovirus in Ho Chi Minh City, Vietnam. *Infection, Genetics and Evolution* 18: 335-343 (2013)
260. Porley D. Construcción de un Baculovirus recombinante para la expresión de la proteína VP1 de Norovirus. Témavezetõ(k): Berois M. 2013. Universidad de la Republica, Montevideo, Uruguay
261. Sai L, Sun J, Shao L, Chen S, Liu H, Ma L. Epidemiology and clinical features of rotavirus and norovirus infection among children in Ji'nan, China. *Virology Journal* 10: Paper 302. (2013)
262. Neugebauer E. Revers-genetische Charakterisierung des subgenomischen Promotors des Maus-Norovirus. 141 p. 2013. Rheinischen Friedrich-Wilhelms-Universität, Bonn, Germany
263. Bernard H, Höhne M, Niendorf S, Altmann D, Stark K. Epidemiology of norovirus gastroenteritis in Germany 2001–2009: eight seasons of routine surveillance. *Epidemiology and Infection* 142:63-74 (2014)
264. Lu L, Zhong F, Xu M, Su L, Cao LF, Dong N, Xu J. Molecular epidemiology of human calicivirus infections in children with acute diarrhea in Shanghai: a retrospective comparison between inpatients and outpatients treated between 2006 and 2011. *Archives of Virology* 159(7):1613-1621 (2014)
265. Kim JK, Kim JW. Molecular epidemiologic trends of diarrhea-causing virus infection from clinical specimens in Cheonan, Korea, in 2010-2012. *Journal of Clinical Laboratory Analysis* 28: (1) pp. 47-51. (2014)
266. Thongprachum A, Chan-it W, Khamrin P, Saparpakorn P, Okitsu S, Takanashi S, Mizuguchi M, Hayakawa S, Maneekarn N, Ushijima H. Molecular epidemiology of norovirus associated with gastroenteritis and emergence of norovirus GII.4 variant 2012 in Japanese pediatric patients. *Infection, Genetics and Evolution* 23: pp. 65-73. (2014)
267. Fioretti JM, Bello G, Rocha MS, Victoria M, Leite JPG, Miagostovich MP. Temporal Dynamics of Norovirus GII.4 Variants in Brazil between 2004 and 2012. *PLOS ONE* 9: (3) Paper e92988. (2014)
268. Polo D, Álvarez C, Longa T, Romalde JL. Effectiveness of depuration for hepatitis A virus removal from mussels (*Mytilus galloprovincialis*). *International Journal of Food Microbiology* 180: pp. 24-29. (2014)
269. Yazawa S, Yokobori T, Ueta G, Ide M, Altan B, Thongprachum A, Nishimura T, Nakajima T, Kominato Y, Asao T, Saniabadi AR, Furukawa K, Kuwano H, Le Pendu J, Ushijima H. Blood Group Substances as Potential Therapeutic Agents for the Prevention and Treatment of Infection with Noroviruses Proving Novel Binding Patterns in Human Tissues. *PLOS ONE* 9: (2) Paper e89071. (2014)
270. Huhti L, Blazevic V, Puustinen L, Hemming M, Salminen M, Vesikari T. Genetic analyses of norovirus GII.4 variants in Finnish children from 1998 to 2013. *Infection, Genetics and Evolution* 26:65-71. (2014)
271. Mathew LG, Herbst-Kralovetz MM, Mason HS. Norovirus Narita 104 Virus-Like Particles Expressed in *Nicotiana benthamiana* Induce Serum and Mucosal Immune Responses. *BioMed Research International* 2014: p. 807539. 9 p. (2014)

272. Bartsch SM, Huang SS, Wong KF, Avery TR, Lee BY. The Spread and Control of Norovirus Outbreaks among Hospitals in a Region: A Simulation Model. *Open Forum Infectious Diseases* 1(2): 1-7 (2014)
273. Fu JG, Ai J, Qi X, Zhang J, Tang FY, Zhu YF. Emergence of two novel norovirus genotype II.4 variants associated with viral gastroenteritis in China. *Journal of Medical Virology* 86(7):1226-1234. (2014)
274. Weise EK. Evaluation eines Norovirus-spezifischen Bedside-Tests bei Patienten mit Gastroenteritis. 78 p. 2014. Medizinischen Fakultät Charité – Universitätsmedizin Berlin, Germany
275. Desai P. Network Model Reconstruction Using Systems biology Approach for plasmodium falciparum. *Benyújtás éve: 2013. 75 p. 2014. GANPAT UNIVERSITY*
276. Lee SC, Billmyre RB, Li A, Carson S, Sykes SM, Huh EY, Mieczkowski P, Ko DC, Cuomo CA, Heitman J. Analysis of a Food-Borne Fungal Pathogen Outbreak: Virulence and Genome of a *Mucor circinelloides* Isolate from Yogurt. *MBIO* 5(4) Paper e01390-14. (2014)
277. White PA. Evolution of norovirus. *CLINICAL MICROBIOLOGY AND INFECTION* 20(8):741-745 (2014)
278. Stroni GP, Dhimolea MM, Pipero PS, Kraja DV, Sallavaci SY, Bino SF. A study on the epidemiology and aetiology of acute gastroenteritis in adult patients presenting at the infectious diseases hospital in Tirana, Albania. *Balkan Med. J.* 31(3):196-201. (2014)
279. Dancer SJ, Duerden BI. Changes to clinician attire have done more harm than good. *J. R. Coll. Phys. Edinburgh* 44(4):293-298. (2014)
280. Polo D, Varela MF, Romalde JL. Detection and quantification of hepatitis A virus and norovirus in Spanish authorized shellfish harvesting areas. *International Journal of Food Microbiology*, 2015;193:43-50.
281. Swamy Mahima, Abeler-Doerner Lucie, Chettle James, Mahlakoiv Tanel, Goubau Delphine, Chakravarty Probir, Ramsay George, Reis e Sousa Caetano, Staeheli Peter, Blacklaws Barbara A, Heeney Jonathan L, Hayday Adrian C. Intestinal intraepithelial lymphocyte activation promotes innate antiviral resistance. *NATURE COMMUNICATIONS* 6:Paper 7090. (2015)
282. Rusinol Marta, Fernandez-Cassi Xavier, Timoneda Natalia, Carratala Anna, Francesc Abril Josep, Silvera Carolina, Jose Figueras Maria, Gelati Emiliano, Rodo Xavier, Kay David, Wyn-Jones Peter, Bofill-Mas Silvia, Girones Rosina. Evidence of viral dissemination and seasonality in a Mediterranean river catchment: Implications for water pollution management. *JOURNAL OF ENVIRONMENTAL MANAGEMENT* 159:58-67. (2015)
283. Vimont A. STRATÉGIES INNOVANTES D'INACTIVATION DES NOROVIRUS : OPTIMISATION DES PARAMÈTRES OPÉRATIONNELS ET COMPRÉHENSION DES MÉCANISMES D'ACTION. 196 p. PhD ,Megjelenés/Fokozatszerzés éve: 2015.,Nyelv: Francia és angol, Université Laval, Québec, Canada
284. Chen Shih-Yen, Feng Ye, Chao Hsun-Chin, Lai Ming-Wei, Huang Wen-Ling, Lin Chun-Yuan, Tsai Chi-Neu, Chen Chyi-Liang, Chiu Cheng-Hsun. Emergence in Taiwan of novel norovirus GII.4 variants causing acute gastroenteritis and intestinal haemorrhage in children. *JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY* 64:pp. 544-550. (2015)
285. Vetter Michele Regina, Staggemeier Rodrigo, Dalla Vecchia Andreia, Henzel Andreia, Rigotto Caroline, Spilki Fernando Rosado. Seasonal variation on the presence of adenoviruses in stools from non-diarrheic patients. *BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY* 46: (3) pp. 749-752. (2015)
286. Leon J, Moe CL. Role of viruses in foodborne disease. In: *Food Consumption and Disease risk: consumer-pathogen interactions*. Woodhead Publ Ltd. 2006;p309-342.
287. O'Brien SJ, Fisher IST. Surveillance of emerging pathogens in Europe. In: *Emerging foodborne Pathogens*, Woodhead Publ LTD. 2006;p50-76
288. Hedberg CW. Epidemiology of Viral Food-borne Outbreaks. In: Goyal SM (szerk.): *Viruses in Foods*. Springer US, 2006. pp. 239-255 (Food Microbiology and Food Safety). ISBN: 978-0-387-28935-9
289. D Souza DH, Moe CL, Jaykus LA. Foodborne viral pathogens. In: *Food microbiology: fundamentals and frontiers*, 3rd edition, Amer Soc Microbiol, 2007; p581-607.
290. Green KY.: *Caliciviridae: The noroviruses*. In: Knipe DM, Howley PM: *Fields Virology*, 5th Edition, Lippincott Williams and Wilkins, Philadelphia, 2007, page 949-979.
291. Widdowson M-A, Vinjé J.: Food-borne viruses-state of the art. In: Koopmans MPG, Cliver DO, Bosch A: *Food-borne Viruses, Progress and challenges*. ASM Press, 2008. page 29-64.
292. Pintó RM, Bosch A.: Rethinking virus detection in food. In: Koopmans MPG, Cliver DO, Bosch A: *Food-borne Viruses, Progress and challenges*. ASM Press, 2008. page 171-188.
293. Wilson ME, Chen LH. Travel. In: Mayer KH, Pizer HF (szerk.) : *The Social Ecology of Infectious Diseases*. Academic Press, 2008. (ISBN 0123704669) pp. 17-49.

294. Pommepuy M, Le Guyader FS, Le Saux JC, Guilfoyle F, Dore B, Kershaw S, Lees D, Lowther JA, Morgan OC, Romalde JL, Vilarino ML, furones D, Roque A. Reducing microbial risk associated with shellfish in European countries. In: Improving seafood products for consumer. Woodhead Publ LTD., 2008;p212-246.
295. Atmar RL, Estes MK.: Human caliciviruses. In: Richman DD, Whitley EJ, Hayden FG.: Clinical Virology, 3th edition, ASM Press, 2009, page 1109-1126.
296. Le Guyader FS, Pommepuy M, Atmar RL. Monitoring viral contamination in shellfish growing areas. In: New technologies in aquaculture: Improving production efficiency, quality and environmental management. Woodhead Publ LTD. 2009;p542-579.
297. Pommepuy M, Le Saux JC, Hervio-Heath D, Le Guyader SF. Monitoring viral contamination of molluscan shellfish. In: Shellfish safety and quality. Woodhead Publ LTD. 2009;p108-128.
298. Holm-Hansen C, Vainio K. Sequencing of viral genes. In: Molecular epidemiology of microorganisms. Humana Press INC. 2009;203-215.
299. Bosch A, Pinto RM, Le Guyader FS. Viral contaminants of molluscan shellfish: detection and characterization. In: Shellfish safety and quality. Woodhead Publ LTD. 2009;83-107.
300. Morrison G, Collins JS. Gastrointestinal infections. In: Tham TCK, Collins JS, Soetikno R (szerk.): Gastrointestinal emergencies. Oxford: Wiley-Blackwell, 2009. pp. 190-200
301. Khamrin P, Ushijima H, Maneekarn N. Norovirus. In Molecular detection of human viral pathogens. Boca Rato, Florida, CRC Press, 2010. pp111-117.
302. Greening GE, Wolf S. Calicivirus environmental contamination. In: Caliciviruses: Molecular and cellular virology. Caister Academic Press, 2010;p25-44.
303. Dey SK, Okitsu S, Ushijima H. Diarrheal viruses: Classification, morphology, genome organization, molecular detection, treatment. In: Diarrhea: Causes, types and treatments. Nova Science Publishers, 2010;p71-95.
304. Bosch A, Bidawid S, Le Guyader FS, Lees D, Jaykus LA. Norovirus and hepatitis A virus in shellfish, soft fruits and water. In: Hoorfar J (szerk.): Rapid detection, identification, and quantification of foodborne pathogens. ASM Press, 2011. pp. 1-22
305. Vlachos I. Food quality and safety. In: Bourlakis M, Vlachos I, Zeimpekis V (szerk.): Intelligent Agrifood Chains and Networks. Oxford: Blackwell Publishing Ltd., 2011. p. 131
306. Mattison K. Norovirus as a Foodborne Disease Hazard. In: Advances in Food and Nutrition Research. Academic Press Inc., 2011. (ISBN 10434526) pp. 1-39.
307. Cook N, Hernandez-Perez M, Iaconelli M, Diez-Valcarce M, Kovac K, Rodriguez-Lazaro D, Rzezutka A. Norovirus and hepatitis A virus. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL. Omics, microbial modeling and technologies for foodborne pathogens. DEStech Publications 2012. Chapter 10 pp. 269-294. ISBN: 978-1-60595-047-1 Lancaster, USA
308. Farthing MJG, Casburn-Jones A. (2012) Infective Diarrhea, in Textbook of Clinical Gastroenterology and Hepatology, Second Edition (eds C. J. Hawkey, J. Bosch, J. E. Richter, G. Garcia-Tsao and F. K. L. Chan), Wiley-Blackwell, Oxford, UK. doi: 10.1002/9781118321386.ch45
309. Chen Q. Virus-like Particle Vaccines for Norovirus Gastroenteritis: From Prophylaxis to Therapy - Volume 1. In: Giese M (szerk.): Molecular Vaccines. Springer Vienna, 2014. (ISBN 978-3-7091-1419-3) pp. 153-181.
310. Bobak DA, Guerrant RL. Nausea, Vomiting, and Noninflammatory Diarrhea. In: Mandell, Douglas, and Bennett's Principles and Practice of Infectious Diseases. Elsevier, (1) 2014. pp. 1253-1262. ISBN: 978-1-4557-4801-3

16. Reuter G: Calicivírus járványok Magyarországon, 1998-2002

Epinfo 2004. 9, 81-88.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Független idéző: 0 Összesen: 2

1. Petrovicz E. Norovirusok az infektológus szemszögéből. Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 12: (2) 44-48 (2005)
2. Molnár K, Melles M, Rodler I, Stefler D, Ember I. Calicivirus outbreaks in Hungary. Acta Alimentaria 40: (4) pp. 417-425. (2011)

17. Reuter G, Szűcs Gy: Endémiás hepatitis E fertőzések a fejlett országokban? – Szaporodó ismeretek a hepatitis E vírusról és a hepatitis E fertőzésről

Orvosi Hetilap 2004. 51, 2555-2561.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Fügő idéző: 5 Összesen: 7

1. Haasová Z, Kleinerová J, Mestánková O. Is hepatitis E just an imported in the Czech Republic? *Klinicka Microbiologie a Infekcni Lekarstvi*, 2006;12(1):25-28.
2. Zhu JG, Hua XG, Zhang YL, Yang ZB. Epidemiology of hepatitis E. *Rev Med Microbiol*, 2008;19(4):98-103.

- 18. Reuter G, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy:** Új, rekombináns norovírus (GGIIB/Hilversum) megjelenése és kimutatása nem-bakteriális gastroenteritis járványokban hazánkban

Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2004. 2, 55-59.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Fügő idéző: 0 Összesen: 1

1. Petrovicz E. Norovirusok az infektológus szemszögéből. *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia* 12: (2) 44-48 (2005)

- 19. Reuter G, Krisztalovics K, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy:** Evidence of the etiological predominance of norovirus in gastroenteritis outbreaks – emerging new-variant and recombinant noroviruses in Hungary
Journal of Medical Virology 2005. 76, 598-607.

Impakt faktor: 2,52

Független idéző: 63 Fügő idéző: 21 Összesen: 84

1. Okada M, Tanaka T, Oseto M, Takeda N, Shinozaki K.: Genetic analysis of noroviruses associated with fatalities in healthcare facilities. *Arch Virol*, 2006;151(8):1635-1641.
2. Rutjes SA, van den Berg HHJL, Lodder WJ, Husman AMD.: Real-time detection of noroviruses in surface water by use of a broadly reactive nucleic acid sequence-based amplification assay. *Appl Environmental Microbiol*, 2006;72(8):5349-5358.
3. Medici MC, Martinelli M, Abelli LA, Ruggeri FM, Di Bartolo I, Arcangeletti MC, Pinardi F, De Conto F, Izzi G, Bernasconi S, Chezzi C, Dettori G.: Molecular epidemiology of norovirus infections in sporadic cases of viral gastroenteritis among children in Northern Italy. *J Med Virol*, 2006;78(11):1486-1492.
4. Okitsu-Negishi S, Kame M, Shimizu Y, Phan TG, Tomaru T, Kamijo S, Sato T, Yagyu F, Muller WEG, Ushijima H.: detection of norovirus antigens from recombinant virus-like particles and stool samples by a commercial norovirus enzyme-linked immunosorbent assay kit. *J Clin Microbiol*, 2006;44(10):3784-3786.
5. Ramirez S, De Grazia S, Giammanco GM, Milici M, Colomba C, Ruggeri FM, Martella V, Arista S.: Detection of the norovirus variants GGI.4 hunter and GGIIB/hilversum in Italian children with gastroenteritis. *J Med Virol*, 2006;78(12):1656-1662.
6. Hamano M, Fuji R, Kuzuya M, Nishijima M, Kumitomi T, Nouno S, Kanadani T. Studies on viruses causing non-bacterial gastroenteritis in Okayama (2005-2006). *岡山県環境保健センター年報* Annual Report of Okayama Prefectural Center for Environmental Health) 2006;30:101-114.
7. Husman AMDR, Lodder-Verchoor F, Van der Berg HHJL, Le Guyader FS, Van Pelt H, Van der Poel WHM, Ruthes SA.: Rapid virus detection procedure for molecular tracing of shellfish associated with disease outbreaks. *J Food Protection*, 2007;70(4):967-974.
8. Phan TG, Kaeshi K, Ueda Y, Nakaya S, Nishimura S, Yamamoto A, Sugita K, Takanashi S, Okitsu S, Ushijima H.: Genetic heterogeneity, recombination in evolution, and noroviruses. *J Med Virol*, 2007;79(9):1388-1400.
9. Okada M, Ogawa T, Yoshizumi H, Kubonoya H, Shinozaki K.: Genetic variation of the norovirus GII-4 genotype associated with a large number of outbreak in Chiba prefecture, Japan. *Arch Virol*, 2007;152(12):2249-2252.
10. Bull RA, Tanaka MM, White PA.: Norovirus recombination. *J Gen Virol*, 2007;88:3347-3359.
11. Tu ETV, Bull RA, Greening GE, Hewitt J, Lyon MJ, Marshall JA, McIver CJ, Rawlinson WD, White PA.: Epidemics of gastroenteritis during 2006 were associated with the spread of norovirus GII.4 variants 2006a and 2006b. *Clin Infect Dis*, 2008;46(3):413-420.

12. Phan TG, Nishimura S, Sugita K, Nishimura T, Okitsu S, Ushijima H.: Multiple recombinant noroviruses in Japan. *Clin Laboratory*, 2007;53(9-12):567-570.
13. Hamano M, Fuji R, Kuzuya M, Nishijima M, Narahara K, Nouno S, Kanadani T. Studies on viruses causing non-bacterial gastroenteritis in Okayama (2007-2008). *岡山県環境保健センター年報(Annual Report of Okayama Prefectural Center for Environmental Health)*, 2008;32:115-127.
14. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Coloba C, Martella V, Arista S.: Genotyping of GII.4 and GIIB norovirus RT-PCR amplicons by RFLP analysis. *J Virol Methods*, 2008;147(2):250-256.
15. Martella V, Banyai K, Lorusso E, Bellacicco AI, Decaro N, Mari V, Saif L, Costantini V, De Grazia S, Pezzotti G, Lavazza A, Buonavoglia C.: Genetic heterogeneity of porcine caliciviruses identified from diarrhoeic piglets. *Virus Genes*, 2008;36(2):365-373.
16. Buesa J, Montava R, Abu-Mallouh R, Fos M, Ribes JM, Bartolome R, Vanaclocha H, Torner N, Dominguez A.: Sequential evolution of genotype GII.4 norovirus variants causing gastroenteritis outbreaks from 2001 to 2006 in Eastern Spain. *J Med Virol*, 2008;80(7):1288-1295.
17. Chhabra P, Chitambar SD.: Norovirus genotype IIB associated acute gastroenteritis in India. *J Clin Virol*, 2008;42(4):429-432.
18. Martella V, Lorusso E, Banyai K, Decaro N, Corrente M, Elia G, Cavalli a, Radogna A, Costantini V, Saif LJ, Lavazza A, Di Trani L, Buonavoglia C.: Identification of a porcine calicivirus related genetically to human sapoviruses. *J Clin Microbiol*, 2008;46(6):1907-1913.
19. Rachakonda G, Choudekar A, Parveen S, Bhatnagar S, Patwari A, Broor S.: Genetic diversity of noroviruses and sapoviruses in children with acute sporadic gastroenteritis in New Delhi, India. *J Clin Virol*, 2008;43(1):42-48.
20. Jin M, Xie HP, Duan ZJ, Liu N, Zhang Q, Wu BS, Li HY, Cheng WX, Yang SH, Yu JM, Xu ZQ, Cui SX, Zhu L, Tan M, Jiang X, Fang ZY.: Emergence of the GII4/2006b variant and recombinant noroviruses in China. *J Med Virol*, 2008;80(11):1997-2004.
21. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Colomba C, Martella V, Arista S.: Emerging GII.4 norovirus variants affect children with diarrhea in Palermo, Italy in 2006. *J Med Virol*, 2009;81(1):139-145.
22. Sdiri-Loulizi K, Ambert-Balay K, Gharbi-Khelifi H, Sakly N, Hassine M, Chouchane S, Guediche MN, Pothier P, Aouni M.: Molecular epidemiology of norovirus gastroenteritis investigated using samples collected from children in Tunisia during a four-year period: detection of the norovirus variant GGII.4 hunter as early as January 2003. *J Clin Microbiol*, 2009;47(2):421-429.
23. Patel MM, Hall AJ, Vinje J, Parashar UD.: Noroviruses: A comprehensive review. *J Clin Virol*, 2009;44(1):1-8..
24. Nayak MK, Chatterjee D, Nataraju SM, Pativada M, Mitra U, Chatterjee MK, Saha TK, Sarkar U, Krishnan T.: A new variant of norovirus GII.4/2007 and inter-genotype recombinant strains of NVGII causing acute watery diarrhoea among children in Kalkotta, India. *J Clin Virol*, 2009;45(3):223-229.
25. Bruggink LD, Marshall JA.: Molecular and epidemiological features of GIIB norovirus outbreaks in Victoria, Australia, 2002-2005. *J Med Virol*, 2009;81(9):1652-1660.
26. Stals A, Baert L, Botteldoorn N, Werbrouck H, Herman L, Uyttendaele M, van Coillie E. Multiplex real-time RT-PCR for simultaneous detection of GI/GII noroviruses and murine norovirus 1. *J Virol Methods*, 2009;161(2):247-253.
27. Li HY, Jin M, Zhang Q, Liu N, Cui SX, Fang ZY, Duan ZJ. Molecular characterization of GIIB recombinants and novel genotype of norovirus detected in China. *J Infect*, 2009;59(3):215-218.
28. Terio V, Martella V, Moschidou P, Di Pinto R, Tantillo G, Buonavoglia C: Norovirus in retail shellfish. *Food Microbiol*, 2009;27(1):29-32.
29. Pazdiora P, Tábořská J, Švecová M, Sýkora J. The diagnosis of norovirus infections in hospitalized children and adolescents with acute gastroenteritis: A study from Pilsen, Czech Republic. *Epidemiologie, Mikrobiologie, Imunologie* 58: (4) 167-172 (2009)
30. Di Pinto P; Martella V; Tantillo GM. Distribution of a new variant GII.b/Hilversum of norovirus in retail *Mytilus galloprovincialis*. *Italian Journal of Food Safety*, 2009;5:66-68.
31. Nishimura N, Nakayama H, Yoshizumi S, Miyoshi m, Tonoike H, Shirasaki Y, Kojima K, Ishida S. Detection of noroviruses in fecal specimens by direct RT-PCR without RNA purification. *J Virol Methods*, 2010;163(2):282-286.
32. Lim MY, Kim JM, Lee JE, Ko G. Characterization of ozone disinfection in murine norovirus. *Appl Environ Microbiol*, 2010;76(4):1120-1124.
33. Loveridge P, Cooper D, Elliot AJ, Harris J, Gray J, Large S, Regan M, Smith GE, Lopman B. Vomiting calls to NHS provide an early warning of norovirus outbreaks in hospitals. *J Hosp Infect*, 2010;74(4):385-393.

34. Motomura K, Yokoyama M, Ode H, Nakamura H, Mori H, Kanda T, Oka T, Katayama K, Noda M, Tanaka T, Takeda N, Sato H. Divergent evolution of norovirus GII/4 by genome recombination from May 2006 to February 2009 in Japan. *J Virol*, 2010;84(16):8085-8097.
35. Gibbs R, Pingault N, Barker M, Morgan D, Arthur S. OzFoodNet – enhancing foodborne diseases surveillance across Australia. Annual Report 2007, Western Australia, April 2008. Department of Health, Government of Western Australia, pp 1-58.
36. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam
37. de Roda Husman AM, Schets FM. Climate change and recreational water-related infectious diseases. RIVM Report, 2010. pp 1-45.
38. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
39. Gao Y, Jin M, Cong X, Duan ZJ, Li HY, Gun XL, Zuo Y, Zhang YM, Zhang Y, Wei L. Clinical and molecular epidemiologic analyses of norovirus-associated sporadic gastroenteritis in adults from Beijing, China. *J Med Virol*, 2011;83(6):1078-1085.
40. Hamano M, Fuji R, Kuzuya M, Kida K, Narahara K, Nouno S, Kanadani T. Epidemiological studies on noroviruses, sapoviruses and astroviruses from sporadic cases of gastroenteritis in Okayama (2008-2010). *岡山県環境保健センター年報* Annual Report of Okayama Prefectural Center for Environmental Health), 2011;35:85-91.
41. Chan-It W, Thongprachum A, Okitsu S, Nishimura S, Kikuta H, Baba T, Yamamoto A, Sugita K, Hashira S, Tajima T, Mizuguchi M, Ushijima H. Detection and genetic characterization of norovirus infections in children with acute gastroenteritis in Japan, 2007-2009. *Clin Lab*, 2011;57(34):213-220.
42. Chan-It W. Molecular epidemiology of viruses causing acute gastroenteritis in Japanese children. PhD-Thesis, University of Tokyo, 2011, Japan.
43. Goller KV. Pathogens in free-ranging African carnivores: evolution, diversity and co-infection. PhD-Dissertation, 2011, Humboldt-Universität zu Berlin, Germany.
44. Nataraju SM, Pativada MS, Kumar R, Bhattacharya MK, Bagchi SR, Kobayashi N, Krishnan T. Emergence of novel norovirus recombinants with NVGII.1/NVGII.5 RdRp gene and NVGII.13 capsid gene among children and adults in Kalkota, India. *Int J Med Epid Gen*, 2011;2(2):130-137.
45. Di Martino B, Di Profio F, Martella V, Ceci C, Marsillo F. Evidence for recombination in neboviruses. *Vet Microbiol*, 2011;153(3-4):367-372.
46. Mathijs E, Stals A, Denayer S, Baert L, Botteldoorn N, Vancoillie E, Daube G, Dierick K, Herman L, Thiry E, Uyttendaele M. Transmission routes of noroviruses, emerging human pathogens in food „NORISK”. Science for a sustainable development. Agro-food, Belgian Science Policy, 2011. Brussels, Belgium.
47. Shen Q, Zhang W, Yang SX, Chen Y, Shan TL, Cui L, Hua XG. Genomic organization and recombination analysis of human norovirus identified from China. *Mol Biol Rep*, 2012;39(2):1275-1281.
48. Greening GE, Hewitt J, Rivera-Aban M, Croucher D. Molecular epidemiology of norovirus gastroenteritis in New Zealand from 2002-2009. *J Med Virol*, 2012;84(9):1449-1458.
49. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, O’Flaherty V, Doré W. Characterization of norovirus contamination in an Irish shellfishery using real-time RT-qPCR and sequencing analysis. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):105-112.
50. Henigman U. Ugotavljanje patogenih bakterij in virusov v skolkah slovenskega morja in njihova genetska karakterizacija. Doktori-Dissertáció. 2012. Univerza v Ljubljani. Ljubljana, Slovenia
51. Xue L, Wu Q, Dong R, Kou X, Li Y, Zhang J, Guo W. Genetic Analysis of Noroviruses Associated with Sporadic Gastroenteritis During Winter in Guangzhou, China. *Foodborne Pathogens and Disease* 10(10):888-895 (2013)
52. Sai L, Wang G, Shao L, Liu H, Zhang Y, Qu C, Ma L. Clinical and molecular epidemiology of norovirus infection in adults with acute gastroenteritis in Ji’nan, China. *Arch Virol* 158(11):2315-2322 (2013)
53. Bruggink LD, Marshall JA. Altered patterns of norovirus GII.b recombinant forms in gastroenteritis outbreaks in Victoria, Australia, 2002-2005 compared to 2006-2011. *Journal of Medical Virology* 85(8) 1433-1443 (2013)
54. Nahar S, Afrad MH, Matthijnssens J, Rahman MZ, Momtaz Z, Yasmin R, Jubair M, Faruque ASG, Choudhuri MSK, Azim T, Rahman M. Novel intergenotype human norovirus recombinant GII.16/GII.3 in Bangladesh. *Infection, Genetics and Evolution* 20: 325-329 (2013)
55. Ji L, Wu XF, Yao WT, Chen LP, Xu DS, Shen YH, Shen JY, Han JK. Rapid Emergence of Novel GII.4 Sub-Lineages Noroviruses Associated with Outbreaks in Huzhou, China, 2008-2012. *PLoS ONE* 8: (12) Paper e82627. (2013)

56. Rodriguez-Manzano J, Hundesa A, Calgua B, Carratala A, Maluquer de Motes C, Rusiñol M, Moresco V, Ramos AP, Martínez-Marca F, Calvo M, Monte Barardi CR, Girones R, Bofill-Mas S. Adenovirus and Norovirus Contaminants in Commercially Distributed Shellfish. *Food and Environmental Virology* 6(1):31-41. (2014)
57. Ben Salem-Ben Nejma I, Hassine Zaafrane M, Hassine F, Sdiri-Loulizi K, Ben Said M, Aouni M, Mzoughi R. Etiology of Acute Diarrhea in Tunisian Children with Emphasis on Diarrheagenic *Escherichia coli*: Prevalence and Identification of *E. coli* Virulence Markers. *IRANIAN JOURNAL OF PUBLIC HEALTH* 43: (7) pp. 947-960. (2014)
58. de Oliveira DMM, Souza M, Fiaccadori FS, Santos HCP, Cardoso DDD. Monitoring of Calicivirus Among Day-Care Children: Evidence of Asymptomatic Viral Excretion and First Report of GI.7 Norovirus and GI.3 Sapovirus in Brazil. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 86: (9) pp. 1569-1575. (2014)
59. Bodhidatta Ladaporn, Abente Eugenio, Neesanant Pimnapar, Nakjarung Kaewkanya, Sirichote Pantip, Bunyarakyothin Gaysorn, Vithayasai Niyada, Mason Carl J. Molecular Epidemiology and Genotype Distribution of Noroviruses in Children in Thailand From 2004 to 2010: A Multi-Site Study. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(4):664-674. (2015)
60. Kabue JP, Meader E, Hunter P, Potgieter N. Human norovirus prevalence in Africa 1990 to 2013. *Tropical Medicine and Internat. Health*, 2015 DOI: 10.1111/tmi.12617
61. Green KY.: *Caliciviridae: The noroviruses*. In: Knipe DM, Howley PM: *Fields Virology*, 5th Edition, Lippincott Williams and Wilkins, page 949-979.
62. Bull R, White PA. Genome Organization and Recombination. In: Hansman GS, Jiang XJ, Green KY (szerk.): *CALICIVIRUSES: MOLECULAR AND CELLULAR VIROLOGY*. Calister Academic Press, Norfolk, UK 2010. pp. 45-63. ISBN: 978-1-904455-63-9.
63. Dolin R, Tseanor JJ. Noroviruses and Sapoviruses (Caliciviruses). In: Mandell, Douglas, and Bennett's Principles and Practice of Infectious Diseases. Elsevier, (2) 2014. pp. 2122-2127.e3. ISBN: 978-1-4557-4801-3

20. Reuter G: Hepatitis E vírus és hepatitis E fertőzés (felkért)

Infekció és Infekciókontroll 2005. 2, 133-142.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

21. Szűcs Gy, Reuter G, Matson DO: Norovírusok (humán calicivírusok) kórházakban és ápolási intézményekben. (felkért)

Magyar Epidemiológia 2005. 2, 135-146.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

22. Reuter G, Juhász Á, Kosztolányi L, Lefler É: Hepatitis A vírusok molekuláris kimutatása és elemzése két 2004 évi észak-kelet magyarországi járványból

Orvosi Hetilap 2005. 146 (44), 2257-2262.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

23. Fodor D, Kátai A, Reuter G, Maszárovics Z, Menyhárt É: Endémiás hepatitis E megbetegedések Csongrád megyében

Orvosi Hetilap 2005. 146 (45), 2311-2315.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 3 Független idéző: 0 Összesen: 3

1. Teo CG. Hepatitis E indigenous to economically a developed countries: to what extent a zoonosis? *Curr Opin in Infect Dis*, 2006;19(5):460-466.

2. Teo CG. The two clinico-epidemiological forms of hepatitis E. *J Viral Hep*, 2007;14(5):295-297.

3. Martelli F. L'epatite E nei suidi: epidemiologia, diagnosi e filogenesi. 2008. ALMA MATER STUDIORUM - Università di Bologna

- 24. Reuter G, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy:** Hepatitis E vírus molekuláris kimutatása nem importált heveny hepatitisből – A hepatitis E vírus potenciálisan új, humán genetikai vonalának azonosítása Magyarországon.

Orvosi Hetilap 2005. 146 (47), 2389-2394.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 5 Fügő idéző: 1 Összesen: 6

1. Pelosi E, Clarke I. Hepatitis E: a complex and global disease. *Emerg Health Threats J* 1: Paper e8. (2008)
2. Holub M, Korinkova M, Chalupa P. A case of acute hepatitis E acquired in the Czech Republic. *Casopis Lekaru Ceskych*, 2009;148(11):549-551.
3. Gad YZ, Mousa N, Shams M, Elewa A. Seroprevalence of subclinical HEV infection in asymptomatic, apparently healthy, pregnant women in Dakahlyia Governorate, Egypt. *Asian J Transfus Sci* 5: (2) 136-139 (2011)
4. Gad YZ, Mousa N, Shams M, Elewa A, Al-Adrosy HA, El-Desoky A-E, Ahmad NA. Seroprevalence of subclinical HEV infection in asymptomatic, apparently healthy, pregnant women in Dakahlyia Governorate, Egypt. *Annals of Tropical Medicine and Public Health* 5: (2) 94-97 (2012)
5. Van Der Poel WHM, Berto A. Advances in understanding of hepatitis E virus as a food- and waterborne pathogen. In: *Viruses in Food and Water: Risks, Surveillance and Control*. Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780857094308) pp. 401-441.

- 25. Reuter G, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy:** Epidemic spread of recombinant noroviruses with four capsid types

Journal of Clinical Virology 2006. 35, 84-88.

Impakt faktor: 2,63

Független idéző: 53 Fügő idéző: 4 Összesen: 57

1. Hoehne M, Schreier E.: Detection of norovirus genogroup I and II by multiplex real-time RT-PCR using a 3'-minor groove binder-DNA probe. *BMC Infect Dis*, 2006;6:69
2. Estes MK, Prasad BW, Atmar RL.: Noroviruses everywhere: has something changed? *Curr Opinion in Infect Dis*, 2006;19(5):467-474.
3. Vainio K, Myrmet M.: Molecular epidemiology of norovirus outbreaks in Norway during 2000 to 2005 and comparison of four norovirus real-time reverse transcriptase PCR assays. *J Clin Microbiol*, 2006;44(10):3695-3702.
4. Phan TG, Takanashi S, Kaneshi K, Ueda Y, Nakaya S, Nishimura S, Sugita K, Nishimura T, Yamamoto A, Yagyu F, Okitsu S, Maneeakorn N, Ushiyama H.: Detection and genetic characterization of norovirus strains circulating among infants and children with acute gastroenteritis in Japan during 2004-2005. *Clin Laboratory*, 2006;52(9-10):519-525.
5. Ramirez S, De Grazia S, Giammanco GM, Milici M, Colomba C, Ruggeri FM, Martella V, Arista S.: Detection of the norovirus variants GGII.4 hunter and GGIIb/hilversum in Italian children with gastroenteritis. *J Med Virol*, 2006;78(12):1656-1662.
6. Simmonds P.: Recombination and selection in the evolution of picornaviruses and other mammalian positive-stranded RNA viruses. *J Virol*, 2006;80(22):11124-11140.
7. Sano D, Ueki Y, Watanabe T, Omura T.: Genetic variation in the conservative gene region of norovirus genogroup II strains in environmental and stool samples. *Environm Sci Tech*, 2006;40(23):7423-7427.
8. Kumar S, Ochoa W, Kobayashi S, Reddy VS.: Presence of a surface-exposed loop facilitates trypsinization of particles of sinriro virus, a genogroup II.3 norovirus. *J Virol*, 2007;81(3):1119-1128.
9. Symes SJ, Gunsekere IC, Marshall JA, Wright PJ.: Norovirus mixed infection in a n oyster-associated outbreak: an opportunity for recombination. *Arch Virol*, 2007;152(6):1075-1086.
10. Waters A, Coughlan S, Hall WW.: Characterization of a novel recombination event in the norovirus polymerase gene. *Virology*, 2007;363(1):11-14.
11. Colomba C, Saporito L, Giammanco GM, De Grazia S, Ramirez S, Arista S, Titone L.: Norovirus and gastroenteritis in hospitalized children, Italy.: *Emerg Infect Dis*, 2007;13(9):1389-1391.
12. Maunula L.: Waterborne norovirus outbreaks. *Future Virology*, 2007;2(1):101-112.
13. Bull RA, Tanaka MM, White PA.: Norovirus recombination. *J Gen Virol*, 2007;88(12):3347-3359.
14. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Coloba C, Martella V, Arista S.: Genotyping of GII.4 and GIIb norovirus RT-PCR amplicons by RFLP analysis. *J Virol Methods*, 2008;147(2):250-256.

15. Fukuda S, Sasaki Y, Takao S, Seno M.: Recombinant norovirus implicated in gastroenteritis outbreaks in Hiroshima prefecture, Japan. *J Med Virol*, 2008;80(5):921-928.
16. Allwinn R, Janz B, Doerr HW.: Viral gastroenteritis. An epidemiologic investigation between the period 2001-2006. *Medizinische Klinik*, 2008;103(6):389-395.
17. Gentilomi GA, Cricca M, De Luca G, Sacchetti R, Zanetti F.: Rapid and sensitive detection of MS2 coliphage in wastewater samples by quantitative reverse transcriptase PCR. *New Microbiologica*, 2008;31(2):273-280.
18. Nayak MK, Balasubramanian G, Sahoo GC, Bhattacharya R, Vinje J, Kobayashi N, Sarkar MC, Bhattacharya MK, Krishnan T.: Detection of a novel intergenogroup recombinant norovirus from Kalkota, India. *Virology*, 2008;377(1):117-123.
19. Pagotto F, Corneau N, Mattison K, Bidawid S.: Development of a DNA microarray for the simultaneous detection and genotyping of noroviruses. *J Food Protection*, 2008;71(7):1434-1441.
20. Chhabra P, Chitambar SD.: Norovirus genotype IIb associated acute gastroenteritis in India. *J Clin Virol*, 2008;42(4):429-432.
21. Suffredini E, Corrain C, Arcangeli G, Fasolato L, Manfrin A, Rossetti E, Biazzi E, Mioni R, Pavoni E, Losio MN, Sanavio G, Croci L.: Occurrence of enteric viruses in shellfish and relation to climatic-environmental factors. *Letters in Applied Microbiol*, 2008;47(5):467-474.
22. Martella V, Banyai K, Lorusso E, Bellacicco AL, Decaro N, Mari V, Saif L, Costantini V, De Grazia S, Pezzotti G, Lavazza A, Buonavoglia C.: Genetic heterogeneity of porcine caliciviruses identified from diarrhoeic piglets. *Virus Genes*, 2008;36(2):365-373.
23. Husman AMDR, Lodder WJ, Rutjes SA, Schijven JF, Teunis PFM.: Long-term inactivation study of three enteroviruses in artificial surface and groundwaters, using PCR and cell culture. *Applied Environm Microbiol*, 2009;75(4):1050-1057.
24. Chhabra P, Dhongade RK, Kalrao VR, Bavdekar AR, Chitambar SD.: Epidemiological, clinical, and molecular features of norovirus infections in Western India. *J Med Virol*, 2009;81(5):922-932.
25. Lysen M, Thorhagen M, Brytting M, Hjertqvist M, Andersson Y, Hedlund KO.: Genetic diversity among food-borne and waterborne norovirus strains causing outbreaks in Sweden. *J Clin Microbiol*, 2009;47(8):2411-2418.
26. Bruggink LD, Marshall JA.: Molecular and epidemiological features of GIIb norovirus outbreaks in Victoria, Australia, 2002-2005. *J Med Virol*, 2009;81(9):1652-1660.
27. Nakamura K, Iwai M, Zhang J, Obara M, Horimoto E, Hasegawa S, Kurata T, Takizawa T. Detection of a novel recombinant norovirus from sewage water in Toyama Prefecture, Japan. *Japanese Journal of Infect Dis*, 2009;62(5):394-398.
28. Martella V, Decaro N, Lorusso E, Radogna A, Moschidou P, Amorisco F, Lucente MS, Desario C, Mari V, Elia G, Banyai K, Carmichael LE, Buonavoglia C. Genetic heterogeneity and recombination in canine noroviruses. *J Virol*, 2009;83(21):11391-11396.
29. Janz B. Virale Gastroenteritiden: eine epidemiologische Beobachtungsstudie in Zeitraum 2000-2008. PhD-Dissertation, 2009, Johann Wolfgang Goethe Universität, Germany.
30. Chhabra P, Walimbe AM, Chitambar SD. Molecular characterization of three novel intergenotype norovirus GII recombinant strains from western India. *Virus Res*, 2010;147(2):242-246.
31. Nakamura K, Saga Y, Iwai M, Obara M, Hiromoto E, Hasegawa S, Kurata T, Okumura H, Nagoshi M, Takizawa T. Frequent detection of noroviruses and sapoviruses in swine and high genetic diversity of porcine sapovirus in Japan during fiscal year 2008. *J Clin Microbiol*, 2010;48(4):1215-1222.
32. Chhabra P, Walimbe AM, Chitambar SD. Complete genome characterization of genogroup II norovirus strains from India: evidence of recombination in ORF2/3 overlap. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):1101-1109.
33. Mathijs E, Muylkens B, Mauroy A, Ziant D, Delwiche T, Thiry E. Experimental evidence of recombination in murine noroviruses. *J Gen Virol*, 2010;91:2723-2733.
34. Nataraju SM, Pativada MS, Kumar R, Bhattacharya MK, Bagchi SR, Kobayashi N, Krishnan T. Emergence of novel norovirus recombinants with NVGII.1/NVGII.5 RdRp gene and NVGII.13 capsid gene among children and adults in Kolkata, India. *Int J Mol Epidemiol Gen*, 2011;2(2):130-137.
35. Mathijs E, Denayer S, Palmeira L, Botteldoorn N, Scipioni A, Vanderplasmchen A, Thiry E, Dierick K. Novel norovirus recombinants and of GII.4 sub-lineages associated with outbreaks between 2006 and 2010 in Belgium. *Virol J*, 2011;8:310.
36. Jones S, Douarre RE, O'Leary J, Corcoran D, O'Mahony J, Lucey B. Validation of a norovirus multiplex real-time RT-PCR assay for the detection of norovirus GI and GII from faeces samples. *Br J Biomed Sci*, 2011;68(3):116-119.
37. Jin M, Chen JA, Zhang XH, Zhang M, Li HY, Cheng WX, Liu N, Tan M, Jiang TJ, Duan ZJ. Genetic diversity of noroviruses in Chinese adults: potential recombination hotspots and GII4/Den Haag-specific mutations at a putative epitope. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1716-1726.

38. Fernandez MDB, Torres C, Martinez LC, Giordano MO, Masachessi G, Barril PA, Isa MB, Campos RH, nates SV, Mbayed VA. Genetic and evolutionary characterization of norovirus from sewage and surface waters in Cordoba City, Argentina. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1631-1637.
39. Kirecci E, Özer A. Norovirüsler, Saginlari ve Mücadele. *Van Tip Dergisi*, 2011;18(1):49-56.
40. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam
41. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
42. Henigman U. Ugotavljanje patogenih bakterij in virusov v školjkah slovenskega morja in njihova genetska karakterizacija. Doktori-Dissertáció. 2012. Univerza v Ljubljani. Ljubljana, Slovenia
43. Ji L, Wu XF, Yao WT, Chen LP, Xu DS, Shen YH, Shen JY, Han JK. Rapid Emergence of Novel GII.4 Sub-Lineages Noroviruses Associated with Outbreaks in Huzhou, China, 2008-2012. *PLoS ONE* 8: (12) Paper e82627. (2013)
44. Ruether IGA, Tsakogiannis D Kyriakopoulou Z, Dimitriou TG, Pappmichail C, Gartzonika C, Levidiotou-Stefanou S, Markoulatos P. Circulation of intergenotype recombinant noroviruses GII.9/GII.6 from 2006 to 2011 in central Greece. *Virus Genes* 48: (1) pp. 23-31. (2014)
45. Ruether IGA, Dimitriou TG, Tsakogiannis d, Kyriakopoulou Z, Amoutzias GD, Gartzonika C, Levidiotou-Stefanou S, Markoulatos P. Characterization of novel intergenogroup and intergenotype recombinant noroviruses from central Greece. *Molecular and Cellular Probes* 28: (4) pp. 204-210. (2014)
46. White PA. Evolution of norovirus. *Clin Microbiol Infect*, 2014;20(8):741-745.
47. Ben Salem-Ben Nejma I, Hassine Zaafrane M, Hassine F, Sdiri-Loulizi K, Ben Said M, Aouni M, Mzoughi R. Etiology of Acute Diarrhea in Tunisian Children with Emphasis on Diarrheagenic *Escherichia coli*: Prevalence and Identification of *E. coli* Virulence Markers. *IRANIAN JOURNAL OF PUBLIC HEALTH* 43: (7) 947-960 (2014)
48. Wilhelm Barbara, Waddell Lisa, Greig Judy, Rajic Andrijana, Houde Alain, McEwen Scott A. A scoping review of the evidence for public health risks of three emerging potentially zoonotic viruses: hepatitis E virus, norovirus, and rotavirus. *PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE* 119(1-2):61-79. (2015)
49. Green KY.: *Caliciviridae: The noroviruses*. In: Knipe DM, Howley PM: *Fields Virology*, 5th Edition, Lippincott Williams and Wilkins, 2007, page 949-979.
50. Farkas T, Jiang X. Rotavirus, Calicivirus, Astroviruses, Enteric Adenoviruses, and other viruses causing acute gastroenteritis. In: Specter S, Hodinka RI, Young SA, Wiedbrauk DL. *Clinical Virology manual* 4th edition. Washington, ASM Press, 2009. pp283-310.
51. Greening GE, Wolf S. Calicivirus environmental contamination. In: *Caliciviruses: Molecular and cellular virology*. Ed: Hansman GS. Calister Academic Press, Norfolk, UK, 2010:25-44. ISBN: 978-1-904455-63-9.
52. Bull R, White PA. Genome Organization and Recombination. In: Hansman GS, Jiang XJ, Green KY (szerk.): *Caliciviruses: Molecular and cellular virology*. Calister Academic Press, Norfolk, UK 2010. pp. 45-63. ISBN: 978-1-904455-63-9.
53. Jian SW, Simons E, Lederer I, Hohne M, Offner E, Allerberger F, Schmid D. A foodborne outbreak due to norovirus in a vocational school, Austria November 2011. *Wiener Tierärztliche Monatsschrift*, 2012;99:24-29.

26. Reuter G, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Identification of a potential novel hepatitis E virus strain in Hungary

Journal of Clinical Virology 2006. 36, 100-102.

Impakt faktor: 2,63

Független idéző: 15 Független idéző: 4 Összesen: 19

1. Teo CG.: Hepatitis E indigenous to economically developed countries: to what extent a zoonosis? *Current Opinion in Infect Dis*, 2006;19(5):460-466.
2. Teo CG.: The two clinico-epidemiological forms of hepatitis E. *J Viral Hepatitis*, 2007;14(5):295-297.
3. Vasickova P, Psikal I, Kralik P, Widen F, Hubalek Z, Pavlik I.: Hepatitis E virus: a review. *Veterinarni Medicina*, 2007;52(9):365-384.
4. Di Bartolo, Martelli F, Inglese N, Pourshaban M, Caprioli A, Ostanello F, Ruggeri FM.: Widespread diffusion of genotype 3 hepatitis E virus among farming swine in Northern Italy. 2008;132(1-2):47-55.

5. Kantala T, Maunula L, von Bonsdorff C-H, Peltomaa J, Lappalainen M: Hepatitis E virus in patients with unexplained hepatitis in Finland. *J Clin Virol*, 2009;45:109-113.
6. Zhu JG, Hua XG, Zhang YL, Yang ZB.: Epidemiology of hepatitis E. *Reviews in Med Microbiol*, 2008;19(4):98-103.
7. Martelli F. L'epatite E nei suidi: epidemiologia, diagnosi e filogenesi. 2008. ALMA MATER STUDIUM - Università di Bologna
8. Ergin S. The place of hepatitis E infection among the zoonotic infections and its molecular epidemiology. *Türk Mikrobiyol Cem Derg*, 2009;39(3-4):122-127.
9. Mattison K, Bidawid S, Farber J. Hepatitis viruses and emerging viruses. *FOODBORNE PATHOGENS: HAZARDS, RISK ANALYSIS AND CONTROL, SECOND EDITION*(176) 891-929 (2009)
10. Maione E. EPATITE E: UNA ZOONOSI EMERGENTE. IDENTIFICAZIONE E CARATTERIZZAZIONE DEL VIRUS IN ALLEVAMENTI SUINICOLI DEL SUD ITALIA, UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI NAPOLI, Italy, 2009
11. Leblanc D, Poitras E, Gagné M-J, Ward P, Houde A. Hepatitis E virus load in swine organs and tissues at slaughterhouse determined by real-time PCR. *Int J Food Microbiol*, 2010;139(3):206-209.
12. Lewis HC, Wichmann O, Duizer E. transmission routes and risk factors for autochthonous hepatitis E virus infection in Europe: a systematic review. *Epid Infect*, 2010;138(2):145-166.
13. dos Santos DRL, de Paula VS, de Oliveira JM, Marchevsky RS, Pinto MA. Hepatitis E virus in swine and effluent samples from slaughterhouses in Brazil. *Vet Microbiol*, 2011;149(1-2):236-241.
14. Wilhelm BJ, Rajic A, Greig J, Waddell L, Trottier G, Houde A, Harris J, Borden LN, Price C. A systematic review/meta-analysis of primary research investigating swine, pork or pork products as a source of zoonotic hepatitis E virus. *Epidemiol Infect*, 2011;139(8):1127-1144.
15. Ruggeri FM, Di Bartolo I, Ostanello F, Trevisani M. Hepatitis E virus: An emerging zoonotic and foodborne pathogen. In: *Hepatitis E virus*. New York: Springer New York, 2013. pp. 1-88. ISBN: 978-1-4614-7521-7

27. Reuter G, Bíró H, Szűcs Gy: Sertés enterális calicivírus (PEC) kimutatása molekuláris módszerrel Magyarországon

Magyar Állatorvosok Lapja 2006. 8, 486-491.

Impakt faktor: 0,155

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

28. Reuter G, Juhász Á, Kosztolányi L, Lefler É, Fekete Zs: Co-circulation of genotype IA and new variant IB hepatitis A virus in outbreaks of acute hepatitis in Hungary – 2003/2004

Journal of Medical Virology, 2006. 78, 1392-1397.

Impakt faktor: 2,779

Független idéző: 6 Független idéző: 1 Összesen: 7

1. Kittigul L, Pombubpa K, Sukonthalux S, Rattanatham T, Utrarachkij F, Diraphat P. Detection of hepatitis A virus and bacterial contamination in raw oysters in Thailand. *Southeast Asian J Trop Med Pub Health*, 2010;41(1):105-113.
2. Konstantopoulos A, Papaevangelou V. Hepatitis A in children in Europe – a review. *Eur Infect Dis*, 2010;4(2):41-44.
3. Bosch A, Pinto RM. Hepatitis A and E Viruses. In: Frattamico P, Liu Y, Kathariou S (szerk.): *GENOMES OF FOODBORNE AND WATERBORNE PATHOGENS*. 2011. pp. 247-258
4. Kriangsak Ruchasatsawat, Laddawan Thiemsing, Juthamas Siripanee, Pathom Sawanpanyalert. Genotypes of Hepatitis A Virus in Thailand 2002-2006. *Journal of Health Science* 16: (6) 934-942 (2007)
5. Bondarenko TY, Ternovoi VA, Netesov SV. Hepatitis a virus: Structure-functional features of genome, molecular diagnostics, and cultivation. *Molecular Genetics, Microbiology and Virology* 28: (3) 99-109 (2013)
6. Kiszely N, Hettmann A, Tresó B, Rusvai E, Barcsay E, Krisztalovics K, Csohán Á, Takács M. A hepatitis-A megbetegedések alakulása Magyarországon és a molekuláris vizsgálatok szerepe a diagnosztikában. *Mikrobiológiai Közlekedés*. 2014;14(3-4):12-21.

29. Reuter G, Juhász Á, Kosztolányi L, Lefler É, Fekete Zs: Hepatitis A vírusok molekuláris kimutatása és elemzése két 2004. évi észak-kelet magyarországi járványból
Focus Medicinae 2006. 2, 3-8. (felkért másodközlés)

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Fügő idéző: 0 Összesen: 0

30. Reuter G, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Hepatitis E vírus molekuláris kimutatása nem importált heveny hepatitisből – A hepatitis E vírus potenciálisan új, humán genetikai vonalának azonosítása Magyarországon
Focus Medicinae 2006. 2, 9-13. (felkért másodközlés)

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Fügő idéző: 0 Összesen: 0

31. Fodor D, Reuter G, Kátai A, Maszárovics Z, Menyhárt É: Hepatitis E fertőzések és a hepatitis E vírus molekuláris genetikai azonosítása Magyarországon
Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2006. 2, 45-48.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Fügő idéző: 0 Összesen: 0

32. Reuter G, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, Szűcs Gy: Humán metapneumovírus első hazai kimutatása gyermekkori légúti fertőzésből
Orvosi Hetilap 2006. 48, 2299-2302.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Fügő idéző: 1 Összesen: 1

33. Krisztalovics K, Böröcz K, Reuter G: A calicivírus cirkuláció erősödése 2006 novemberében Magyarországon
Epinfo 2006. 47, 610-611.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Fügő idéző: 0 Összesen: 1

1. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam

34. Kroneman A, Vennema H, Harris J, Reuter G, von Bonsdorff C, Hedlund K, Vainio K, Pothier P, Koch J, Koopmans M, Schreier E, Böttiger B, Jackson V. Increase in norovirus activity reported in Europe
Eurosurveillance, 2006. 11(12), E061214.1

Impakt faktor: 0

Független idéző: 100 Fügő idéző: 8 Összesen: 108

1. Anonymous. Norovirus activity – United States 2006-2007. *JAMA*, 2007;298(14):1632-1634.

2. Aleraj B. Infectious diseases in Croatia in 2006. *Zarane bolesti u Hrvatskoj. Infektoloski Glasnik*. 2007;27(2):87-94.

3. Kumazaki M, Usuku S, Noguchi Y. New variant of norovirus GII/4 strains prevalent in Yokohama City, October 2006-March 2007. *Japanese Journal of Infectious Diseases*. 2007;60(5):323-324.

4. Bloomfield SF, Aiello AE, Cookson B, O'Byole C, Larson EL. The effectiveness of hand hygiene procedures in reducing the risk of infections in home and community settings including handwashing and alcohol-based hand sanitizers. *American Journal of Infection Control*, 2007;35(10Suppl 1):S27-S64.

5. Krause G, Altman D, Faensen D, Porten K, Benzler J, Pfoch T, Ammon A, Kramer M, Claus H. SuvNet electronic surveillance system for infectious diseases outbreaks, Germany. *Emerg Infect Dis*, 2007;13(10):1548-1555.

6. Hatakka K. Probiotics in the prevention of clinical manifestations of common infectious diseases in children and in the elderly. PHD-Dissertation, Helsinki, Finnország, 2007.
7. Ferreira MSR. Detecção e caracterização molecular de norovírus em casos de gastroenterite aguda ocorridos na região do médio Paraíba, Estado do Rio de Janeiro, 2005. PhD-Dissertation, Brasília, 2007.
8. Chan CW. Epidemiologic and molecular studies of human norovirus genogroup II strains in Hong Kong. PhD-Dissertation, 2007, Hong-Kong.
9. Dias e Souza MBL. Immune responses to human norovirus and human norovirus-like particles in gnotobiotic pigs and calves. PhD-Dissertation, Ohio, USA, 2007.
10. Tassi D, Antmann K. Calicivírus-járvány gazdasági hatásai egy fekvőbeteg intézményben. IME VI: (4) 28-31 (2007)
11. Pezzi GH, Martinez MCV. Vigilancia epidemiológica de las gastroenteritis agudas víricas. In: Blasco JBB. Epidemiología de las gastroenteritis agudas víricas. Capítulo 4, pp. 65-78. (spanyol) Valencia, Spain, ISBN: 84-96277-12-7.
12. Hamano M, Fujii R, Kuzuy M, Nishijama M, Narahara K, Nouno S, Kanadani T. Studies on viruses causing non-bacterial gastroenteritis in Okayama (2007-2008). Japán nyelvű 2008;(32):115-127.
13. Donaldson EF, Lindesmith LC, Lobue AD, Baric RS. Norovirus pathogenesis: mechanisms of persistence and immune evasion in human populations. Immunological Reviews, 2008;225(1):190-211.
14. La Rosa G, Pourshaban M, Iaconelli M, Muscillo M. Detection of genogroup IV noroviruses in environmental and clinical samples and partial sequencing through rapid amplification of cDNA ends. Arch Virol, 2008;153(11):2077-2083.
15. Teunis PFM, Moe CL, Liu P, Miller SE, Lindesmith L, Baric RS, le Pendu J, Calderon RL. Norwalk virus: How infectious is it? J Med Virol, 2008;80(8):1468-1476.
16. Lindesmith LC, Donaldson EF, LoBue AD, Cannon JL, Zheng DP, Vinjé J, Baric RS. Mechanisms of GII.4 norovirus persistence in human populations. PLoS Medicine, 2008;5(2):e31.
17. Tu ETV, Bull RA, Greening GE, Hewitt J, Lyon MJ, Marshall JA, McIver CJ, Rawlinson WD, White PA. Epidemics of gastroenteritis during 2006 were associated with the spread of norovirus GII.4 variants 2006a and 2006b. Clin Infect Dis, 2008;46(3):413-420.
18. Jin M, Xie HP, Duan ZJ, Liu N, Zhang Q, Wu BS, Li H, Cheng WX, Yang SH, Yu JM, Xu ZQ, Ciu SX, Zhu L, Tan M, Jiang X, Fang ZY. Emergence of the GII.4/2006b variant and recombinant noroviruses in China. J Med Virol, 2008;80(11):1997-2004.
19. Ludwig A, Adams O, Laws HJ, Schrotten H, Tenenbaum T. Quantitative detection of norovirus excretion in pediatric patients with cancer and prolonged gastroenteritis and shedding of norovirus. J Med Virol, 2008;80(8):1461-1467.
20. Ferreira MSR, Xavier MPTP, Fuman TM, Victoria M, Oliveira SA, Pena LHA, Leite JPG, Miagostovich MP. Acute gastroenteritis cases associated with noroviruses infection in the state of Rio de Janeiro. J Med Virol, 2008;80(2):338-344.
21. Campe H, Hartberger C, Sing A. Role of human bocavirus infections in outbreaks of gastroenteritis. J Clin Virol, 2008;43(3):340-342.
22. Morin PT, Picoche B. Enteric viruses: current knowledge and control methods in the agri-food industry. Bull Acad Vet France, 2008;161(2):111-118.
23. Kuo HW, Schmid D, Jelovcan S, Pichler AM, Magnet E, Reichart S, Allerberger F. A foodborne outbreak due to norovirus in Austria. J Food Protect, 2009;72(1):193-196.
24. La Rosa G, Pourshaban M, Iaconelli M, Muscillo M. Recreational and drinking waters as a source of norovirus gastroenteritis outbreaks: a review and update. Environm Biotechnol, 2008;4(1):15-24.
25. Mladenova Z, Korsun N, Geonova T, di Bartolo I, Fiore L, Ruggeri FM. Prevalence and molecular epidemiology of noroviruses detected in outbreak and sporadic cases of acute gastroenteritis in Bulgaria. J Med Virol, 2008;80(12):2161-2168.
26. Bellini C, Senn L, Zanetti G. Maladies infectieuses en pratique ambulatoire (sauf sida). Rev Med Suisse, 2008;4:34-39.
27. Arosio M, Grigis A, Castellucci E, Caglioni G, Averara F, Locati F, Marziali B, Di Bartolo I, Ruggeri FM, Goglio A. Nosocomial outbreak of norovirus gastroenteritis with unusual clinical-epidemiological features. Microbiologia Medica 23: (4) p. 224. (2008)
28. George L. Constraints in expression of a norovirus capsid protein in plants. Benyújtás éve: 2008. Védés éve: 2008. 152 p. 2008. Arizona State University
29. Heijne JCM, Teunis P, Morroy G, Wijkman C, Oostveen S, Duizer E, Kretzschmar M, Wallinga J. Enhanced hygiene measures and norovirus transmission during an outbreak. Emerg Infect Dis, 2009;15(1):24-30.
30. Fretz R, Schmid D, Jelovcan S, Tschertou R, Krassnitzer E, Schirmer M, Hell M, Allerberger F. An outbreak of norovirus gastroenteritis in an Austrian hospital, winter 2006-2007. Wiener Klinische Wochenschrift, 2009;121(3-4):137-143.

31. Jin Y, Cheng W-X, Yang X-M, Jin M, Zhang Q, Xu Z-Q, Yu J-M, Zhu L, Yang S-H, Liu N, Cui S-X, Fang Z-Y, Duan Z-J. Viral agents associated with acute gastroenteritis in children hospitalized with diarrhea in Lanzhou, China. *J Clin Virol*, 2009;44:238-241.
32. Charles KJ, Shore J, Sellwood J, Laverick M, Hart A, Pedley S. Assessment of the stability of human viruses and coliphage in groundwater by PCR and infectivity methods. *J Applied Microbiol*, 2009;106(6):1827-1837.
33. Torner N. Clinical and epidemiological study of viral gastroenteritis outbreaks in Catalonia. *Revista Espanola de Salud Publica*, 2009;83(5):659-667.
34. Mattison K, Grudeski E, Auk B, Charest H, Drews SJ, Fritzinger A, Gregoricus N, Hayward S, Houde A, Lee BE, Pang XL, Wong J, Booth TF, Vinjé J. Multicenter comparison of two norovirus ORF2-based genotyping protocols. *J Clin Microbiol*, 2009;47(12):3927-3932.
35. Gospodarek E, Zalas-Wieczek P. Norowirusy – taktyka rozprzestrzeniania sie. *Przegl Epidemiol* 2009;63:5-9.
36. Iwai M, Hasegawa S, Obara M, Nakamura K, Horimoto E, Takizawa T, Kurata T, Sogen SI, Shiraki K. Continuous presence of noroviruses and sapoviruses in raw sewage reflects infections among inhabitants of Toyama, Japan (2006 to 2008). *Appl Environ Microbiol*, 2009;75(5):1264-1270.
37. Khan RR, Lawson AD, Minnich LL, Martin K, Nasir A, Emmett MK, Christine A, Udall JN. Gastrointestinal norovirus infection associated with exacerbation of inflammatory bowel disease. *J Ped Gastroent. Nutr.* 2009;48(3):328-333.
38. Cheng WX, Ye XH, Yang XM, Li YN, Jin M, Jin Y, Duan ZJ. Epidemiological study of human calicivirus infection in children with gastroenteritis in Lanzhou from 2001 to 2007. *Arch Virol*, 2010;155(4):553-555.
39. La Rosa G, Pourshaban M, Iaconelli M, Muscillo M. Quantification of norovirus genogroups I and II in environmental and clinical samples using TaqMan real-time PCR. *Food Environm Virol*, 2009;1(1):15-22.
40. Shahid H, Welch CA, Minnich LL, Daly SB, Wilhelm CM, Udall NJ. Gastrointestinal norovirus in the Charleston, West Virginia area-2007: birth to 99 years of age. *Ped Infect Dis J.* 2009;28(10):918-920.
41. Kittigul L, Pombubpa K, Taweekate Y, Dirophat P, Sujirarat D, Khamrin P, Ushijima H. Norovirus GII-4 2006b variant circulating in patient with acute gastroenteritis in Thailand during 2006-2007 study. *J Med Virol*, 2010;82(5):854-860.
42. Park KS, Jeong HS, Baek KA, Lee CG, Park SM, Park JS, Choi YJ, Choi HJ, Cheon DS. Genetic analysis of norovirus GII.4 variants circulating in Korea in 2008. *Arch Virol*, 2010;155(5):635-641.
43. Hoffmann D, Seebach J, Foley BT, Frösner G, Nadas K, Protzer U, Schatzl HM. Isolated norovirus GII.7 strain within an extended GII.4 outbreak. *J Med Virol*, 2010;82(6):1058-1064.
44. Aziz AM. Managing outbreaks of norovirus in an MHS hospital. *British Journal of Nursing*, 2010;19(9):589-596.
45. Ferreira MSR, Victoria M, Carvalho-Costa FA, Vieira CB, Xavier MPTP, Fioretti JM, Andrade J, Volotao EM, Rocha M, Leite JPG, Miagostovich MP. Surveillance of norovirus infections in the State of Rio de Janeiro, Brazil, 2005-2008. *J Med Virol*, 2010;82(8):1442-1448.
46. Pang XL, Preiksaitis JK, Wong S, Li V, Lee BE. Influence of novel norovirus GII.4 variants on gastroenteritis outbreak dynamics in Alberta and the Northern Territories, Canada between 2000 and 2008. *PLoS ONE*, 2010;e11599.
47. Lee H, Park Y, Kim M, Jee Y, Cheon DS, Jeong HS, Ko G. Development of a latex agglutination test for norovirus detection. *J Microbiol*, 2010;48(4):419-425.
48. van Maarseveen NM, Wessels E, de Brouwer CS, Vossen ACTM, Class ECJ. Diagnosis of viral gastroenteritis by simultaneous detection of adenovirus group F, astrovirus, rotavirus group A, norovirus genogroups I and II, and sapovirus in two internally controlled multiplex real-time PCR assays. *J Clin Virol*, 2010;49(3):205-210.
97. Eden JS, Bull AB, Tu E, McIver CJ, Lyon MJ, Marshall JA, Smith DW, Musto J, Rawlinson WD, White PA. Norovirus GII.4 variant 2006b caused epidemics of acute gastroenteritis in Australia during 2007 and 2008. *J Clin Virol*, 2010;49(4):265-271.
50. Spackova M, Altmann D, Eckmanns T, Koch J, Krause G. High level of gastrointestinal nosocomial infections in the German surveillance system, 2002-2008. *Infection Control and Hospital Epidemiology*, 2010;31(12):1273-1278.
51. Torii J, Tsukamoto T, Kigami T, Ishizaki T. Cluster analysis on the genotypes of noroviruses detected in Kyoto prefecture from 2008 to 2009. *japán nyelvé*, 2010;55:
52. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam

53. Lindesmith LC, Donaldson EF, Baric RS. Norovirus GII.4 strain antigenic variation. *J Virol*, 2011;85(1):213-242.
54. Mathew LG, Maloney B, Takeda N, Mason HS. Spurious polyadenylation of norovirus Narita 104 capsid protein mRNA in transgenic plants. *Plant Molecular Biology*, 2011;75(3):263-275.
55. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
56. Rosenthal NA, Lee LE, Vermeulen BAJ, Hedberg K, Keene WE, Widdowson MA, Cieslak PR, Vinjé J. Epidemiological and genetic characteristics of norovirus outbreaks in long-term care facilities, 2003-2006. *Epidemiol Infect*, 2011;139(2):286-294.
57. Lee H, Kim M, Paik SY, Lee CH, Jheong WH, Kim J, Ko G. Evaluation of electropositive filtration for recovering norovirus in water. *J Wat Health*, 2011;9(1):27-36.
58. Dey SK, Phan TG, Mizuguchi M, Okitsu S, Ushijima H. Genetic diversity and emergence of norovirus GII/4-2006b in Japan during 2006-2007. *Clin Lab*, 2011;57(3-4):193-199.
59. Chan-It W, Thongprachum A, Okitsu S, Nishimura S, Kikuta H, Baba T, Yamamoto A, Sugita K, Hashira S, Tajima T, Mizuguchi M, Ushijima H. Detection and genetic characterization of norovirus infections in children with acute gastroenteritis in Japan, 2007-2009. *Clin Lab*, 2011;57(3-4):213-220.
60. Zhang S, Chen TH, Wang J, Dong C, Pan J, Moe C, Chen W, Yang L, Wang X, Tang H, Li X, Liu P. Symptomatic and asymptomatic infections of rotavirus, norovirus, and adenovirus among hospitalized children in Xi'an, China. *J Med Virol*, 2011;83(8):1476-1484.
61. Higgins RR, Beniprashad M, Cardona M, Masney S, Low DE, Gubbay JB. Adenovirus, rotavirus, and norovirus genogroups I and II in clinical stool specimens. *J Clin Microbiol*, 2011;49(9):3154-3162.
62. Suffredini E, Pepe T, Ventrone I, Croci L. Norovirus detection in shellfish using two real-time RT-PCR methods. *New Microbiol*, 2011;34:9-16.
63. Jin M, Chen JA, Zhang XH, Zhang M, Li HY, Cheng WX, Liu N, Tan M, Jiang TJ, Duan ZJ. Genetic diversity of noroviruses in Chinese adults: potential recombination hotspots and GII/4/Den Haag-specific mutations at a putative epitope. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1716-1726.
64. Hamano M, Fuji R, Kuzuya M, Kida K, Narahara K, Nouno S, Kanadani T. Epidemiological studies on noroviruses, sapoviruses and astroviruses from sporadic cases of gastroenteritis in Okayama (2008-2010). *岡山県環境保健センター年報* Annual Report of Okayama Prefectural Center for Environmental Health, 2011;35:85-91.
65. Molnár K, Melles M, Rodler I, Stefler D, Ember I. Calicivirus outbreaks in Hungary. *Acta Alimentaria* 40: (4) 417-425 (2011)
66. Chawdhury FAH. Molecular epidemiology of acute infectious diarrhoea in paediatric cases at the Winnipeg Children's Hospital emergency room. *Témavezető(k): Rubinstein E. Benyújtás éve: 2010. Védés éve: 2011.* MSc, Department of Medical Microbiology and Infectious Disease, University of Manitoba, Winnipeg, Manitoba, Canada
67. Bentley K, Dove BK, Parks SR, Walker JT, Bennett AM. Hydrogen peroxide vapour decontamination of surface artificially contaminated with norovirus surrogate feline calicivirus. *J Hosp Infect*, 2012;80(2):116-121.
68. Zeng M, Xu X, Zhu C, Chen J, Zhu Q, Lin S, Jie Y, Shu X. Clinical and molecular epidemiology of norovirus infection in childhood diarrhea in China. *J Med Virol*, 2012;84(1):145-151.
69. Zeng M, Gong Z, Zhang Y, Zhu Q, Wang X. Prevalence and genetic diversity of norovirus in outpatient children with acute diarrhea in Shanghai, China. *Jpn J Infect Dis*, 2011;64:417-422.
70. Lindesmith LC, Debbink K, Swanstrom J, Vinjé J, Costantini V, Baric RS, Donaldson EF. Monoclonal antibody-based antigenic mapping of norovirus GII.4-2002. *J Virol*, 2012;86(2):873-883.
71. Lindesmith LC, Beltramello M, Donaldson EF, Corti D, Swanstrom J, Debbink K, Lanzavecchia A, Baric RS. Immunogenetic mechanism driving norovirus GII.4 antigenic variation. *PLoS Path*, 2012;8(5):e1002705.
72. Eden J-S. The evolutionary dynamics of norovirus. PhD-Thesis, University of New South Wales UNSW, Australia, 2012.
73. Greening GE, Hewitt J, Rivera-Aban M, Croucher D. Molecular epidemiology of norovirus gastroenteritis in New Zealand from 2002-2009. *J Med Virol*, 2012;84(9):1449-1458.
74. Suffredini E, Magnabosco C, Civettini M, Rossetti E, Arcangeli G, Croci L. Norovirus contamination in different shellfish species harvested in the same production areas. *J Appl Microbiol*, 2012;113(3):686-692.
75. McAllister G, Holmes A, Garcia L, Cameron F, Cloy K, Danial J, Cepeda JA, Simmonds P, Templeton KE. Molecular epidemiology of norovirus in Edinburgh healthcare facilities, Scotland 2007-2011. *Epidemiol Infect*, 2012;140(12):2273-2281.
76. Henigman U. Ugotavljanje patogenih bakterij in virusov v skolkah slovenskega morja in njihova genetska karakterizacija. Doktori-Disszertáció. 2012. Univerza v Ljubljani. Ljubljana, Slovenia

77. Hoffman D, Hutzenhaler M, Seebach J, Panning M, Umgelter A, Menzel H, Protzer U, Metzger D. Norovirus GII.4 and GII.7 capsid sequences undergo positive selection in chronically infected patients. *Infect Genet Evol*, 2012;12:461-466.
78. Tuan Zainazor TC, Afsah-Hejri L, Noor Hidayah MS, Noor Eliza MR, Naziebah MD, Tang JYH, Noorlis, Elexson NA, Chai LC, Ghazali FM, Cheah YK, Son R. Assessment of noroviruses in selected ulam from local market. *International Food Research Journal* 19: (3) 877-882 (2012)
79. La Rosa G, Fratini M, della Libera S, Iaconelli M, Muscillo M. Emerging and potentially emerging viruses in water environments. *Ann Ist Super Sanità*, 2012;48(4):397-406.
80. Lin Q, Cheng WX, Jin Y, Li M, Lian M, Zhou JS, Lu F, Duan ZJ. Epidemiological characteristics of human caliciviruses in infants and young children with acute diarrhea in Nanjing. *J Clin Pediatr* 30: (10) 924-927 (2012)
81. Abente E. FUNCTIONAL STUDIES OF THE LC PROTEIN IN VESIVIRUSES OF THE CALICIVIRIDAE. Témavezetők: Dr. Kim Y. Green. Benyújtás éve: 2012. Védés éve: 2012. 143 p. 2012. Digital Repository at the University of Maryland, University of Maryland (College Park, Md.)
82. Lindesmith LC, Costantini V, Swanstrom J, Debbink K, Donaldson EF, Vinjé J, Baric RS. Emergence of a norovirus GII.4 strain correlates with changes in evolving blockade epitopes. *J Virol*, 2013;87(5):2803-2813.
83. Kundu S, Lockwood J, Depledge DP, Chaudhry Y, Aston A, Rao K, Hartley JC, Goodfellow I, Breuer J. Next generation whole genome sequencing identifies the direction of norovirus transmission in linked patients. *Clin Infect Dis*, 57(3):407-414, 2013.
84. Widdowson M-A, Vinjé J.: Food-borne viruses-state of the art. In: Koopmans MPG, Cliver DO, Bosch A: Food-borne Viruses, Progress and challenges. ASM Press, 2008. page 29-64.
85. Xue L, Wu Q, Dong R, Kou X, Li Y, Zhang J, Guo W. Genetic analysis of noroviruses associated with sporadic gastroenteritis during winter in Guangzhou, China. *Foodborne Pathogens and Disease*, 2013; doi:10.1089/fpd.2013.1521.
86. Lim KL, Eden JS, Oon LLE, White PA. Molecular epidemiology of norovirus in Singapore, 2004–2011. *J Med Virol* 85: (10) 1842-1851 (2013)
87. Al-Rashidi A, Chehadeh W, Szűcs G, Albert MJ. Different norovirus genotypes in patients with gastroenteritis in Kuwait. *Journal of Medical Virology* 85: (6) 1611-1618 (2013)
88. Debbink K; Lindesmith LC; Donaldson EF; Costantini V; Beltramello M; Corti D; Swanstrom J; Lanzavecchia A; Vinjé J; Baric RS. Emergence of new pandemic GII.4 Sydney norovirus strain correlates with escape from herd immunity. *J Infect Dis*, 2013; doi: 10.1093/infdis/jit370
89. Zhang HL, Yuan L, Yao XJ, Xian HX, Yang H, Luo M, He YQ. The molecular characteristics of norovirus gastroenteritis in Baoan district, Shenzhen, 2010-2011. *International Journal of Virology* 20: (3) p. 00. (2013)
90. Di Giannatale E, Alessiani A, Sauro F, Sbraccia F, Croce G, Nissim A, Carnevale A, Migliorati G. Epidemiological study of an outbreak of Norovirus in a rest home in Italy. *Veterinaria Italiana* 49: (2) pp. 175-180. (2013)
91. Huang G Li JM. Analysis on the outbreaks of norovirus infection diarrhea in Hechi City. *Modern Preventive Medicine* 40(11):2151. (2013)
92. Lu L, Zhong F, Xu M, Su L, Cao LF, Dong N, Xu J. Molecular epidemiology of human calicivirus infections in children with acute diarrhea in Shanghai: a retrospective comparison between inpatients and outpatients treated between 2006 and 2011. *Archives of Virology* 159(7):1613-1621 (2014)
93. Huhti L, Blazevec V, Puustinen K, Hemming M, Salminen M, Vesikari T. Genetic analyses of norovirus GII.4 variants in Finnish children from 1998 to 2013. *Infection, Genetics and Evolution* 26:66-71 (2014)
94. Mathew LG, Herbst-Kralovetz MM, Mason HS. Norovirus Narita 104 Virus-Like Particles Expressed in *Nicotiana benthamiana* Induce Serum and Mucosal Immune Responses. *BioMed Research International* 2014: p. ID807539. (2014)
95. Fu JG, Ai J, Qi X, Zhang J, Tang FY, Zhu YF. Emergence of two novel norovirus genotype II.4 variants associated with viral gastroenteritis in China. *Journal of Medical Virology* 86: (7) pp. 1226-1234. (2014)
96. Moyo SJ. Viral diarrhoea in children under two years of age in Dar es Salaam, Tanzania. Clinical and molecular epidemiology. Doctoral Thesis, 2014. The University of Bergen. <http://hdl.handle.net/1956/9428>
97. Lindesmith LC, Donaldson EF, Beltramello M, Pintus S, Corti D, Swanstrom J, Debbink K, Jones TA, Lanzavecchia A, Baric RS. Particle conformation regulates antibody access to a conserved GII.4 norovirus blockade epitope. *JOURNAL OF VIROLOGY* 88: (16) pp. 8826-8842. (2014)

98. Donaldson EF. Norovirus introduction. In: Donaldson EF (szerk.) : Computational and Molecular Biology Approaches to Viral Replication and Pathogenesis. Ann Arbor: ProQuest, 2008. 436 p. (ISBN 0549533532) p. 296
99. McClure P. Emerging pathogens of concern in in-pack heat-processed foods. In: In-Pack Processed Foods: Improving Quality. Woodhead Publishing Ltd, 2008. pp. 229-250.
100. Hoorfar J, Schultz AC, Lees DN, Bosch A. Foodboren viruses: understanding the risks and developing rapid surveillance and control measures. In: Hoorfar J, Jordan K, Butler F, Prugger R (szerk.): Food Chain Integrity: A Holistic Approach to Food Traceability, Safety, Quality and Authenticity. Cambridge: Elsevier, 2011. 384 p. (ISBN 0857092510) pp. 88-104. (Woodhead Publishing Series in Food Science, Technology and Nutrition)

35. Krisztalovics K, Reuter G, Szucs G, Csohán Á, Böröcz K. Increase in norovirus circulation in Hungary in October – November 2006

Eurosurveillance, 2006. 11(12), E061214.2

Impakt faktor: 0

Független idéző: 8 Független idéző: 0 Összesen: 8

1. Siebenga J. A study of norovirus epidemiology: Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. Dissertation, 2010, The Netherlands.
2. Gao Y, Jin M, Cong X, Duan Z, Li HY, Guo X, Zuo Y, Zhang Y, Zhang Y, Wei L. Clinical and molecular epidemiologic analysis of norovirus-associated sporadic gastroenteritis in adults from Beijing, China. *J Med Virol*, 2011;83(6):1078-1085.
3. Verhoef L, Boxman IL, Duizer E, Rutjes SA, Vennema H, Friesema HM, de Roda Husman AM, Koopmans M. Multiplex exposures during a norovirus outbreak on a river cruise sailing through Europe, 2006. *Eurosurveillance*, 2008;13(14-26):119-123.
4. Hatakka K. Probiotics in the prevention of clinical manifestation of common infectious diseases in children and in the elderly. PhD-Dissertation, 2007, Helsinki, Finnország.
5. Molnár K, Melles M, Rodler I, Stefler D, Ember I. Calicivirus outbreaks in Hungary. *Acta Alimentaria* 40:(4) 417-425 (2011)
6. Tian G, Jin M, Li H, Li Q, Wang J, Duan ZJ. Clinical characteristics and genetic diversity of noroviruses in adults with acute gastroenteritis in Beijing, China in 2008–2009. *Journal of Medical Virology*, 2014;86(7):1235-1242.
7. Vimont A. STRATÉGIES INNOVANTES D'INACTIVATION DES NOROVIRUS : OPTIMISATION DES PARAMÈTRES OPÉRATIONNELS ET COMPRÉHENSION DES MÉCANISMES D'ACTION. 196 p. PhD ,Megjelenés/Fokozatszerzés éve: 2015.,Nyelv: Francia és angol, Université Laval, Québec, Canada
8. Siebenga JJ, Duizer E, Koopmans MPG. Norovirus epidemiology. In: Caliciviruses: molecular and cellular virology. Eds: Hansman GS, Jiang X, Green KY. Caister Academic Press, 2010, Norfolk, UK.

36. Reuter G, Bíró H, Szűcs Gy: Enteric caliciviruses in domestic pigs in Hungary

Archives of Virology, 2007. 152, 611-614.

Impakt faktor: 1,839

Független idéző: 37 Független idéző: 4 Összesen: 41

1. Bank-Wolf BR. Noroviren und Sapoviren bei landwirtschaftlichen Nutztieren. PhD-Dissertation, Fachbereich Veterinarmedizin der Justus-Liebig-Universität Giessen, Germany, 2007.
2. Constantini VP. Animal enteric viruses: gene expression, epidemiology and their role in shellfish and environmental contamination. PhD-Dissertation, Ohio State University, USA, 2007
3. Barry AF, Alfieri AF, Alfieri AA.: Detection and phylogenetic analysis of porcine enteric calicivirus, genetically related to the Cowden strain of sapovirus genogroup III, in Brazilian swine herds. *Pesquisa Veterinaria Brasileira*, 2008;28(1):82-86.
4. Koopmans M.: Progress in understanding norovirus epidemiology. *Current Opinion in Infect Dis*, 2008;21(5):544-552.
5. Barry AF, Alfieri AF, Alfieri AA.: High genetic diversity in RdRp gene of Brazilian porcine sapovirus strains. *Veterinary Microbiol*, 2008;131(1-2):185-191.
6. Scipioni A, Mauroy A, Vinje J, Thiry E.: Animal noroviruses. *Veterinary J*, 2008;178(1):32-45.
7. Mauroy A, Scipioni A, Mathijs E, Miry C, Ziant D, Thys C, Thiry E.: Noroviruses and sapoviruses in pigs in Belgium. *Arch Virol*, 2008;153(10):1927-1931.

8. Almanza H, Cubillos C, Angulo I, Mateos F, Caston JR, van der Poel WHM, Vinje J, Barcena J, Mena I.: Self-assembly of the recombinant capsid protein of a swine norovirus into virus-like particles and evaluation of monoclonal antibodies cross-reactive with a human strain from genogroup II. *J Clin Microbiol*, 2008;46(12):3971-3979.
9. Wolf S, Williamson W, Hewitt J, Lin S, Rivera-Aban M, Ball A, Scholes P, Savil M, Greening GE.: Molecular detection of norovirus in sheep and pigs in New Zealand farms. *Veterinary Microbiology*, 2009;133(1-2):184-189.
10. Barry AF, Alfieri AF, Alfieri AA.: Animal caliciviruses. *Semina-Ciencias Agrarias*, 2008;29(4):933-946.
11. L'Homme Y, Sansregret R, Plante-Fortier E, Lamontagne AM, Lacroix G, Ouwardani M, Deschamps J, Simard G, Simard C.: Genetic diversity of porcine norovirus and sapovirus: Canada, 2005-2007. *Arch Virol*, 2009;154(4):581-593.
12. Mauroy A, Scipioni A, Mathijs E, Thys C, Thiry E. Molecular detection of kobuviruses and recombinant noroviruses in cattle in continental Europe. *Arch Virol*, 2009;154(11):1841-1845.
13. Collins PJ, Martella V, Bounavoglia C, O'Shea. Detection and characterization of porcine sapoviruses from asymptomatic animals in Irish farms. *Vet Microbiol*, 2009;139:176-182.
14. Shen Q, Zhang W, Yang SX, Chen Y, Ning HB, Shan TL, Liu JF, Yang ZB, Cui L, Zhu JG, Hua XG. Molecular detection and prevalence of porcine caliciviruses in eastern China from 2008 to 2009. *Arch Virol*, 2009;154(10):1625-1630.
15. Johnsen CK, Midgley S, Bottiger B. Genetic diversity of sapovirus infections in Danish children 2005-2007. *J Clin Virol*, 2009;46(3):265-269.
16. Yang SX, Zhang W, Shen Q, Huang F, Wang Y, Zhu JG, Cui L, Yang ZB, Hua XG. Molecular characterization and phylogenetic analysis of the complete genome of a porcine sapovirus from Chinese swine. *Virology J*, 2009;6No:216.
17. Pignatelli J, Jimenez M, Grau-Roma L, Rodriguez D. Detection of porcine torovirus by real time RT-PCR in piglets from a Spanish farm. *J Virol Meth*, 2010;163(2):398-404.
18. Mijovski JZ, Poljsak-Prijatelj M, Steyer A, Barlic-Maganja D, Koren S. Detection and molecular characterisation of noroviruses and sapoviruses in asymptomatic swine and cattle in Slovenian farms. *Infect Gen Evol*, 2010;10(3):413-420.
19. Cunha JB, de Mendonca MCL, Miagostovich MP, Leite JPG. First detection of porcine norovirus GII.18 in Latin America. *Res Vet Sci*, 2010;89(1):126-129.
20. Cunha JB, de Mendonca MCL, Miagostovich MP, Leite JPG. Genetic diversity of porcine caliciviruses in pigs raised in Rio de Janeiro, Brazil. *Arch Virol*, 2010;155(8):1301-1305.
21. Alcalá AC, Rodriguez-Diaz J, de Rolo M, Vizzi E, Buesa J, Liprandi F, Ludert JE. Seroepidemiology of porcine enteric sapovirus in pig farm sin Venezuela. *Vet Immunol Immunopath*, 2010;137(3-4):269-274.
22. Wang Z, Hua X, Chen Y, Cui L, Wang P, Li W. Development and preliminary application of TaqMan fluorescence quantitative RT-PCR assay for detection of porcine sapovirus. *Proceedings, 3rd Int Conf BioMed Eng Informatics, BMEI*, 2010;No5639465, pp2012-2016.
23. Chen Y, Shen Q, Yang S, Kang Y, Hua X. Development and preliminary application of TaqMan fluorescence quantitative RT-PCR assay for detection of porcine sapovirus. *Acta Veterinaria et Zootechnica Sinica*, 2010;41(2):246-250.
24. Dufkova L, Kulich P, Prodelalova J. Molecular characterization of a porcine sapovirus isolated form a piglet with diarrhoea: a case report. *Vet Med*, 2011;56(8):409-415.
25. Smith TC, Harper AL, Nair R, Wardyn SE, Hanson BM, Ferguson DD, Dressler AE. Emerging swine zoonosis. *Vector-borne and Zoonotic Dis*, 2011;11(9):1225-1234.
26. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 2012;158:549-558.
27. Mathijs E, Stals A, Baert L, Bottelroorn N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A review of known and hypothetical transmission routes for noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012;4(4):131-152.
28. Jones TH, Muehlhauser GC. Development of an optimized method for the recovery of infectious F-RNA coliphage MS2 from meat. *J Virol Meth*, 2012;185(1):69-73.
29. Mauroy A, van der Poel WHM, der Honing RHV, Thys C, Thiry E. Development and application of a SYBR green RT-PCR for first line screening and quantification of porcine sapovirus infection. *BMC Vet Res*, 2013;8:193
30. Machnowska P, Elerbroek L, Johne R. Detection and characterization of potentially zoonotic viruses in faeces of pigs at slaughter in Germany. *Veterinary Microbiology* 168: (1) 60-68 (2014)

31. Al-Khafaji ZAI, Al-Mola A, Al-Khafaji YAK. Detection of Human Torovirus Like Particles and Adenovirus Type F in Children Attending to Babylon Maternity and Children Hospital Journal of Natural Science Research 4: (9) pp. 17-24. (2014)
32. Sato G, Ido H, Kiuchi M, Kataoka M, Katayama K, Tohya Y. Characterization of St-Valerien-Like Virus Genome Detected in Japan. JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE 76:(7) 1045-1050. (2014)
33. Monini M, di Bartolo I, Ianiro G, Angeloni G, Magisrali CF, Ostanello F, Ruggeri FM. Detection and molecular characterization of zoonotic viruses in swine fecal samples in Italian pig herds. Archives of Virology, 2015;160(10):2547-2556.
34. Le Guyader FS, Pommepuy M, Atmar RL. Monitoring viral contamination in shellfish growing areas. In: New Technologies in Aquaculture: Improving Production Efficiency, Quality and Environmental Management. Woodhead Publ LTD 2009. pp. 542-579.
35. Kim Y, Chang KO. Caliciviruses in Swine. In: Hansman GS, Jiang XJ, Green KY (szerk.): CALICIVIRUSES: MOLECULAR AND CELLULAR VIROLOGY. 2010. pp. 169-182
36. Greening GE, Wolf S. Calicivirus environmental contamination. In: Caliciviruses: Molecular and cellular virology. Ed: Hansman GS. Calister Academic Press, Norfolk, UK, 2010:25-44. ISBN: 978-1-904455-63-9.
37. dos Santos Pereira O, Ignacchiti MDC, de Almeida BR. Norovirus estudos e perspectivas. In: Tópicos especiais em Ciência Animal I. 2012, Capítulo 12, pp. 108-117. UFES, Caufes, Alegre, ES, ISBN: 978-85-61890-20-9

- 37. Reuter G, Pankovics P, Stefler D, Löveyné Móricz Á, Varga E, Kiss G, Szűcs M, Fekete Zs, Szűcs Gy: Hepatitis A-járvány a Dél-Dunántúlon: molekuláris összefüggések, epidemiológiai következtetések – 2006**
Orvosi Hetilap, 2007. 148, 1023-1031.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Független idéző: 0 Összesen: 1

1. Kiszely N, Hettmann A, Tresó B, Rusvai E, Barcsay E, Krisztalovics K, Csohán Á, Takács M. A hepatitis-A megbetegedések alakulása Magyarországon és a molekuláris vizsgálatok szerepe a diagnosztikában. Mikrobiológiai Közlevél. 2014;14(3-4):12-21.

- 38. Haagsman A, Reuter G, Duizer E, Nagy Gy-né, Herremans T, Koopmans M, Szűcs Gy: Seroepidemiology of hepatitis E virus in non-A, non-B, non-C hepatitis in Hungary**
Journal of Medical Virology, 2007. 79, 927-930.

Impakt faktor: 2,831

Független idéző: 12 Független idéző: 1 Összesen: 13

1. Feagins AR, Opriessnig T, Huang YWm Halbur PG, Meng XJ.: Cross-species infection of specific-pathogen-free pigs by a genotype 4 strain of human hepatitis E virus. J Med Virol, 2008;80(8):1379-1386.
2. Kantala T, Maunula L, von Bonsdorff CH, Peltomaa J, Lappalainen M.: Hepatitis E virus in patients with unexplained hepatitis in Finland. J Clin Virol, 2009;45(2):109-113.
3. Terzic D, Dupanovic B, Mugosa B, Draskovic N, Svrtlih N. Acute hepatitis E in Montenegro: epidemiology, clinical and laboratory features. Annals of Hepatology, 2009;8(3):203-206.
4. Yang SC, Wang CL, Fang XF, Zhai LJ, Dong C, Ding L, Meng JH, Wang LX. Fusion of C3d molecule with neutralization epitope(s) of hepatitis E virus enhances antibody avidity maturation and neutralizing activity following DNA immunisation. Vir Res, 2010;151(2):162-169.
5. Echevarría JM, Fogeda M, Avellón A. Diagnosis of acute hepatitis E by antibody and molecular testing: A study on 277 suspected cases. J Clin Virol, 2011;50(1):69-71.
6. Koutroumpi C, Sevastianos VA, Vryoni G, Tsakris A. Hepatitis E: An emerging infectious disease in Europe. Archives of Hellenic Medicine 30: (4) 436-448 (2013)
7. Koutroumpi C, Sevastianos V, Vryoni G, Tsakris A. Hepatitis E: What's new on epidemiology, a review of bibliography. Acta Microbiologica Hellenica 58: (1-2) 7-22 (2013)

8. Thiry D, Mauroy A, Saegerman C, Thomas I, Wautier M, Miry C, Czaplicki G, Berkvens D, Praet N, van der Poel W, Cariolet R, Brochier B, Thiry E. Estimation of hepatitis E virus (HEV) pig seroprevalence using ELISA and Western blot and comparison between human and pig HEV sequences in Belgium. *Vet Microbiol*, 2014;172(34):407-414.
9. Đaković Rode O, Jemeršić L, Brnić D, Pandak N, Mikulić R, Begovac J, Vince A. Hepatitis E in patients with hepatic disorders and HIV-infected patients in Croatia: is one diagnostic method enough for hepatitis E diagnosis? *European Journal of Clinical Microbiology & Infectious Diseases*, 2014;33(12):2231-2236.
10. Малинникова Елена Юрьевна. Клинико-эпидемиологическая характеристика гепатита Е в Российской Федерации.. Тémavezető(k): профессор М.И. Михайлов; профессор Л.Ю. Ильченко. Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014. 330 p. 2014. Москва – 2014
11. Sayed IM, Vercauteren K, Abdelwahab SF, Meuleman P. The emergence of hepatitis E virus in Europe. *Future Virology*, 2015;10(6):763-778.
12. Boadella Mariana. Hepatitis E in wild ungulates: A review. *SMALL RUMINANT RESEARCH* 128: pp. 64-71. (2015)

39. Reuter G, Meleg E, Kiss G, Albert N, Fekete Zs, Szűcs Gy: Adenovírus 8-as típusa okozta járványos keratoconjunctivitis molekuláris diagnosztikája
Orvosi Hetilap, 2007. 148, 1311-1315.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Független idéző: 0 Összesen: 2

1. Cornelia C. Aspectele etiopatogenetice si curative ale ulcerului cornean. Universitatea de Stat de Medicina si farmacie „Nicolae Testemitanu”, Chisinau, Diplomadolgozat, 2011
2. Mokhtari M, Laripour Tehranfar AR, Moghim S, Dehghani AR, Farajzadegan Z, Hosseini NS, Razavinasab SA. Determination of prevalence, sensitivity and specificity of clinical signs and symptoms of adenoviral keratoconjunctivitis. *Journal of Isfahan Medical School* 30;(215) 2029-2038 (2013)

40. Kroneman A, Harris J, Vennema H, Duizer E, van Duynhoven Y, Gray J, Iturriza M, Böttiger B, Molbak K, Johnsen C, von Bonsdorff CH, Maunula L, Kuusi M, Pothier P, Gallay A, Schreier E, Koch J, Szűcs Gy, Reuter G, Krisztalovics K, Lynch M, McKeown P, Foley B, Coughlan S, Ruggeri FM, Di Bartolo I, Vainio K, Isakbaeva E, Poljsak-Prijatelj M, Hocevar Grom A, Bosch A, Buesa J, Sanches Fauquier A, Hernández-Pezzi G, Hedlund KO and Koopmans M: Data quality of 5 years of central norovirus outbreak reporting in the European Network for Foodborne Viruses
Journal of Public Health, 2008. 30, 82-90.

Impakt faktor: 1,109

Független idéző: 32 Független idéző: 14 Összesen: 46

1. Comelli HL, Rimstad E, Larsen S, Myrmet M.: detection of norovirus genotype I.3 and II.4 in bioaccumulated blue mussels using different virus recovery methods. *Internat J Food Microbiol*, 2008;127(1-2):53-59.
2. Todd ECD, Grieg JD, Bartleson CA, Barry S. Outbreaks where food workers have been implicated in the spread of foodborne diseases. Part 4. Infectious doses and pathogen carriage. *J Food Prot*, 2008;71(11):2339-2373.
3. Xavier MPTP. Detecção e caracterização molecular de vírus associados com gastroenterite aguda em crianças menores de três anos de idade na cidade de Salvador – Bahia. PhD thesis, 2008.
4. Xu Q. Epidemic and control strategy on nosocomial outbreak of norovirus gastroenteritis. *Acta Academiae Medicinae Sinicae* 30: (5) 614-617 (2008)
5. Baert L, Uyttendaele M, Stals A, van Coillie E, Dierick K, Debevere J, Botteldroom N.: Reported foodborne outbreaks due to noroviruses in Belgium: the link between food and patient investigations in an international context. *Epidemiol Infect*, 2009;137(3):316-325.
6. Becerra LV. Prevalencia de virus entericos en moluscos cultivados en Galicia, estudio de la fiabilidad de microorganismos indicadores de contaminación viral. Universidade de Santiago de Compostella. PhD Tesis, 2009.

7. Smoot L, Cordier JL. Emerging foodborne pathogens and the food industry. *FOODBORNE PATHOGENS: HAZARDS, RISK ANALYSIS AND CONTROL, SECOND EDITION* 2009;176:154-181.
8. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam.
9. Tauxe RV, Doyle MP, Kuchenmüller T, Schlundt J, Stein CE. Evolving public health approaches to the global challenge of foodborne infections. *Int J Food Microbiol*, 2010;139; suppl30:S16-S28.
10. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
11. Tonelli A, Tedeschi T, Germini A, Sforza S, Corradini R, Medici MC, Chezzi C, Marchelli R. Real time RNA transcription monitoring by thiazole orange (TO)-conjugated peptide nucleic acid (PNA) probes: norovirus detection. *Molec Biosystems*, 2011;7(5):1684-1692.
12. Radin D, D'Souza DH. Evaluation of two primer sets using newly developed internal amplification controls for rapid human norovirus detection by SYBR green I based real-time RT-PCR. *Food Environm Virol*, 2011;3(2):61-69.
13. Bull RA, White PA. Mechanisms of GII.4 norovirus evolution. *Trends in Microbiol*, 2011;19(5):233-240.
14. Mathijs E, Denayer S, Palmeira L, Botteldoorn N, Scipioni A, Vanderplasschen A, Thiry E, Dierick K. Novel norovirus recombinants and of GII.4 sub-lineages associated with outbreaks between 2006 and 2010 in Belgium. *Virol J*, 2011;8,310
15. Kremer JR, Langlet J, Skraber S, Weicherding P, Weber B, Cauchie HM, de Landtsheer S, Muller CP, Hoffmann L, Mossong J. Genetic diversity of noroviruses from outbreaks, sporadic cases and wastewater in Luxembourg 2008-2009. *Clin Microbiol Infect*, 2011;17(8):1173-1176.
16. dos Anjos K, Lima LMP, Silva PA, Inoue-Nagata AK, Nagata T. The possible molecular evolution of sapoviruses by inter- and intragenogroup recombination. *Arch Virol*, 2011;156;11:1953-1959.
17. Astridge KH, McPherson M, Kirk MD, Knope K, Gregory J, Kardamanidis K, Bell R. Foodborne disease outbreaks in Australia 2001-2009. *Food Aus*, 2011;63(12):44-50.
18. Chang KO, Takahashi D, Prakash O, Kim Y. Characterization and inhibition of norovirus proteases of genogroups I and II using a fluorescence resonance energy transfer assay. *Virology*, 2011;423(2):125-133.
19. Stals A. Molecular detection of noroviruses in ready-to-eat foods and fruit products. PhD Thesis. 2011. Ghent University, Ghent, Belgium
20. Puustinen L, Blazevic V, Huhti L, Szakal ED, Halkosalo A, Salminen M, Vesikari T. Norovirus genotypes in endemic acute gastroenteritis of infants and children in Finland between 1994 and 2007. *Epidemiol Infect*, 2012;140(2):268-275.
21. Bertrand I, Schijven JF, Sanchez G, Wyn-Jones P, Ottoson J, Morin t, Muscillo M, verani M, Nasser A, Husman AMD, Myrmel M, sellwood J, Cook N, Gantzer C. The impact of temperature on the inactivation of enteric viruses in food and water: a review. *J Appl Microbiol*, 2012;112(6):1059-1074.
22. Jian SW, Simons E, Lederer I, Hohne M, Offner E, Allerberger F, Schmid D. A foodborne outbreak due to norovirus in a vocational school, Austria November 2011. *WIENER TIERARZTLICHE MONATSSCHRIFT* 2012;99:24-29.
23. Muscillo, Fratini M, Graffeo R, Sanguinetti M, Martella V, Green KY, Libera SD, La Rosa G. GIV Noroviruses in Wastewaters and in Stool Specimens from Hospitalized Patients. *Food and Environmental Virology* 2013;5:194-202.
24. Yao L, Jiang YH, Jiang W, Li FL, Zhai YX, Wang LZ. Development of A Monoclonal Antibody-Coated Immunomagnetic Beads for Separation and Detection of Norovirus (Genogroup II) in Oysters. *FOOD SCIENCE AND TECHNOLOGY RESEARCH* 19: (4) 669-674 (2013)
25. Mellou K, Sideroglou T, Kallimani A, Potamiti-Komi M, Pervanidou D, Lillakou E, Georgakopoulou T, Mandilara G, Lambiri M, Vatopoulos A, Hadjichristodoulou C. Evaluation of underreporting of salmonellosis and shigellosis hospitalised cases in Greece, 2011: results of a capture-recapture study and a hospital registry review. *BMC Public Health*, 2013;13:875. doi:10.1186/1471-2458-13-875
26. Ji L, Wu XF, Yao WT, Chen LP, Xu DS, Shen YH, Shen JY, Han JK. Rapid Emergence of Novel GII.4 Sub-Lineages Noroviruses Associated with Outbreaks in Huzhou, China, 2008-2012. *PLOS ONE* 8: (12) Paper e82627. (2013)
27. Yao L, Li FL, Wang LZ, Zhai YX, Jiang YH. Function of VP2 Protein in the Stability of the Secondary Structure of Virus-like Particles of Genogroup II Norovirus at Different pH Levels: Function of VP2 Protein in the Stability of NoV VLPs. *JOURNAL OF MICROBIOLOGY* 52(11):970-975 (2014)

28. Nasir W. Studies on interactions of norovirus capsid protein with fucosylated glycans and galactosylceramide as soluble and membrane bound ligands. Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014. 91 p. 2014. Sahlgrenska Academy at University of Gothenburg
29. Borrusso PA. Evaluation of the domestic environment as a reservoir for foodborne pathogens: identification of consumer practices associated with microbial contamination in the home. Ph.D. Thesis. 2014 Drexel University. <https://idea.library.drexel.edu/islandora/object/idea%3A4532/datastream/OBJ/view>
30. Lindesmith Lisa C, Ferris Martin T, Mullan Clancy W, Ferreira Jennifer, Debbink Kari, Swanstrom Jessica, Richardson Charles, Goodwin Robert R, Baehner Frank, Mendelman Paul M, Bargatze Robert F, Baric Ralph S. Broad Blockade Antibody Responses in Human Volunteers after Immunization with a Multivalent Norovirus VLP Candidate Vaccine: Immunological Analyses from a Phase I Clinical Trial. PLOS MEDICINE 12(3):Paper e1001807. (2015)
31. Wu Xiaofang, Han Jiankang, Chen Liping, Xu Deshun, Shen Yuehua, Zha Yunfeng, Zhu Xiaojuan, Ji Lei. Prevalence and genetic diversity of noroviruses in adults with acute gastroenteritis in Huzhou, China, 2013-2014. ARCHIVES OF VIROLOGY 160(7):1705-1713. (2015)
32. Cook N, Henandez-Perez M, Iaconelli M, Diez-Valcarce M, Kovac K, Rodriguez-Lazaro D, Rzezutka A. Norovirus and hepatitis A virus. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL. (eds.) Omics, microbial modelling and technologies for foodborne pathogens. DEStech Publication Inc., Pennsylvania, USA, 2012; p269

41. Verhoef L, Depoortere E, Boxman I, Duizer E, van Duynhoven Y, Harris J, Johnsen C, Kroneman A, LeGuyader S, Lim W, Maunula L, Meldal H, Ratcliff R, **Reuter G**, Schreier E, Seibenga J, Vainio K, Vennema H, Varela C, Koopmans M: Emergence of new norovirus variants on spring cruise ships and prediction of winter epidemics *Emerging Infectious Diseases*, 2008. 14, 238-243.

Impakt faktor: 6,449

Független idéző: 63 Függő idéző: 21 Összesen: 84

1. Tan M, Xia M, Cao S, Huang PW, Farkas T, Meller J, Hegde RS, Li XM, Rao ZH, Jiang X.: Elucidation of strain-specific interaction of a GII-4 norovirus with HBGA receptors by site-directed mutagenesis study. Virology, 2008;379(2):324-334.
2. Said MA, Perl TM, Sears CL.: Gastrointestinal flu: norovirus in helath care and long-term care facilities. Clin Infect Dis, 2008;47(9):1202-1208.
3. Chen LH, Wilson ME.: The role of the traveler in emerging infections and magnitude of travel. Medical Clinics of North America, 2008;92(6):1409.
4. Kirk MD, Roberts L, Horbath J.: Understanding gastroenteritis in elderly residents of age-care facilities. Medical J Australia, 2008;189(9):476-477.
5. Labie D. Why the persistence of the GII.4 norovirus? Medecine/Sciences 24: (10) 813 (2008)
6. Sdiri-Loulizi K, Ambert-Balay K, Gharbi-Khelifi H, Sakly N, Hassine M, Chouchane S, Guediche MN, Pothier P, Aouni M.: Molecular epidemiology of norovirus gastroenteritis investigated using samples collected from children in Tunisia during a four-year period: detection of the norovirus variant GGII.4 hunter as early as January 2003. J Clin Microbiol, 2009;47(2):421-429.
7. Iwai M, Hasegawa S, Obara M, Nakamura K, Horimoto E, Takizawa T, Kurata T, Sogen S, Shiraki K.: Continous presence of noroviruses and sapoviruses in raw sewage reflects infections among inhabitants of Toyama, Japan (2006 to 2008). Applied Environmental Microbiol, 2009;75(5):1264-1270.
8. Vanderpas J, Louis J, Reynders M, Mascart G, Vandenberg O.: Mathematical model for the control of nosocomial norovirus. 2009;71(3):214-222.
9. Braham S, Iturriza-Gomara M, Gray J.: Optimisation of a single-primer sequence-independent amplification (SP-SIA) assay: detection of previously undetectable norovirus strain associated with outbreaks of gastroenteritis. J Virol Methods, 2009;158(1-2):30-34.
10. Rohayem J.: Norovirus seasonality and the potential impact of climate change. Clin Microbiol Infect, 2009;15(6):524-527.
11. Mesquita JR, Nascimento MSJ. A foodborne outbreak of norovirus gastroenteritis associated with a christmas dinner in Porto, Portugal, December 2008. Eurosurveillance, 2009;14(41)article 5.
12. Carling PC, Bruno-Murtha LA, Griffiths JK. Cruise ship environmental hygiene and the risk of norovirus infections outbreaks: and objective assessment of 56 vessels over 3 years. Clin Infect Dis, 2009;49(9):1312-1317.

13. Schlaich CC, Oldenburg M, Lamshoft MM. Estimating the risk of communicable diseases aboard Cargo Ships. *J Travel Med*, 2009;16(6):402-406.
14. Gouvea VS, Dias GS, Aguiar EA, Pedro AR, Fichman ER, Chinem ES, Gomes SP, Domingues ALS. Acute gastroenteritis in a pediatric hospital in Rio de Janeiro in pre- and post-rotavirus vaccination settings. *Open Virol J*. 2009;3:26-30.
15. Savvala M, Daniil I, Berberidou I, Koutsibiri A, Stambolidi A, Papachristodoulou M, Spanakis N, Petropoulou D, Tsakris A. Gastroenteritis caused by rotavirus, adenovirus, norovirus and astrovirus in the inpatients of a general hospital. *Acta Microbiologica Hellenica* 54: (4) 215-220 (2009)
16. Janz B. Virale Gastroenteritiden: Eine epidemiologische Beobachtungsstudie im Zeitraum 2000 – 2008. PhD-Dissertation, Frankfurt am Main, Germany, 2009
17. Nasir E. A study of norovirus-HBGA interactions. MSc-Thesis, 2009. Chalmers University of Technology, University of Gøteborg, Göteborg, Sweden
18. Khamrin P, Maneekarn N, Thongprachum A, Chaimongkol N, Okitsu S, Ushijima H. Emergence of new norovirus variants and genetic heterogeneity of noroviruses and sapoviruses in children admitted to hospital with diarrhea in Thailand. *J Med Virol*, 2010;82(2):289-296.
19. Zainazor CT, Hidayah MSN, Chai LC, Tunung R, Ghazali FM, Son R. The scenario of norovirus contamination in food and food handlers. *J Microbiol Biotech*, 2010;20(2):229-237.
20. La Rosa G, Iaconelli M, Pourshaban M, Fratini M, Muscillo M. Molecular detection and genetic diversity of norovirus genogroup IV: a yearlong monitoring of sewage throughout Italy. *Arch Virol*, 2010;155(4):589-593.
21. Ajami N, Koo H, Darkoh C, Atmar RL, Okhuysen PC, Jiang ZD, Flores J, DuPont HL. Characterization of norovirus-associated traveler's diarrhea. *Clin Infect Dis*, 2010;51(2):123-130.
22. Atmar. Noroviruses: state of the art. *Food Environ Virol*, 2010;2(3):117-126.
23. Yun SI, Kim JK, Song BH, Jeong AY, Jee YM, Lee CH, Paik SY, Koo Y, Jeon I, Byun SJ, Lee YM. Complete genome sequence and phylogenetic analysis of a recombinant Korean norovirus, CBNU1, recovered from a 2006 outbreak. *Virus Res*, 2010;152(1-2):137-152.
24. Fleckenstein JM, Bartels SR, Drevets PD, Bronze MS, Drevets DA. Infectious agents of food- and water-borne illnesses. *Am J Med Sci*, 2010;340(3):238-246.
25. Anonymus. Protecting institutions from the emerging threat of norovirus outbreaks. *New Zealand Public Health Surveillance Report* 8: (1) 1-8 (2010)
26. Apelt N. Prävalenz von Norovirusinfektionen bei reiserückkehrern mit und ohne Durchfallerkrankungen. PhD-Dissertation, München, 2010. 1-73.
27. Hoefnagel JGM. Norovirusuitbraak op cruiseschip. *INFECTIEZIEKTEN Bulletin* 21: (6) pp. 181-183. (2010)
28. Passos EC, de Mello ARP, de Sousa CV, Alonso ACB, Gonzalez E, Tavares M. Microbiology evaluation of the meal served to passengers in a ship cruiser in the 2009/2010 season: detection of *Bacillus cereus* in the fish-based meal. *Rev Inst Adolfo Lutz*, 2010;69(4):571-575. ISSN0073-9855.
29. Pandey P, Bodhidatta L, Lewis M, Murphy H, Shlim DR, Cave W, Rajah R, Springer M, Batchelor T, Sornsakrin S, Mason CJ. Travelers' diarrhea in Nepal: and update on the pathogens and antibiotic resistance. *J Travel Med*, 2011;18(2):102-108.
30. Wikswo ME, Cortes J, Hall AJ, Vaughan G, Howard C, Gregoricus N, Cramer EH. Disease transmission and passenger behaviors during a high morbidity norovirus outbreak on a cruise ship, January 2009. *Clin Infect Dis*, 2011;52(9):1116-1122.
31. Shen Q, Ren RQ, Zhang W, Yang ZBA, Yang SX, Chen Y, Cui L, Hua XG. Prevalence of hepatitis E virus and porcine caliciviruses in pig farms of Guizhou province, China. *Hep Monthly*, 2011;11(6):459
32. Hadjichristodoulou C, Mouchtouri VA, Martinez CV, Nichols G, Riemer T, Rabinina J, Swan C, Pirnat N, Sokolova O, Kostara E, Rachiotis G, Meilicke R, Schlaig C, Barlett LR, Kremastinou J. Surveillance and control of communicable diseases related to passenger ships in Europe. *Int Marit Health* 62: (2) 138-147 (2011)
33. Mesquita JR, Vaz L, Cerqueira S, Castilho F, Santos R, Monteiro S, Manso CF, Romalde JL, Nascimento MSJ. Norovirus, hepatitis A virus and enterovirus presence in shellfish from high quality harvesting areas in Portugal. *Food Microbiol*, 2011;28(5):936-941.
34. Fioretti JM, Ferreira MSR, Victoria M, Vieira CB, Xavier MDTP, Leite JPG, Miagostovich MP. Genetic diversity of noroviruses in Brazil. *Mem Inst Osw Cruz*, 2011;106(8):942-947.
35. Mattison K. Norovirus as a Foodborne Disease Hazard. *Adv Food Nut Res*, 2011;62(62):1-39.
36. Park S; Jung J; Oh S; Jung H; Oh Y et al. Characterization of norovirus infections in Seoul, Korea. *Microbiol Immunol*, 2012;56(10):700-707.
37. Wang J, Deng ZQ. Detection and forecasting of oyster norovirus outbreaks: recent advances and future perspective. *Marine Environ Res*, 2012;80:62-69.

38. Chander Y, Johnson T, Goyal SM, Russell RJ. Antiviral activity of Ecasol against feline calicivirus, a surrogate of human norovirus. *Journal of Infection and Public Health* 5: (6) 420-424 (2012)
39. Tuan Zainazor TC, Afsah-Hejri L, Noor Hidayah MS, Noor Eliza MR, Naziehah MD, Tang JYH, Noorlis, Elexson NA, Chai LC, Ghazali FM, Cheah YK, Son R. Assessment of noroviruses in selected ulam from local market. *International Food Research Journal* 19: (3) 877-882 (2012)
40. Bitler E. The associations between norovirus outbreak transmission mechanism and vehicles with attack rate, genogroup distribution, and GII.4 strain distribution: an outbreak meta-analysis. Master of Public Health in Epidemiology. 2012. Rollins School of Public Health of Emory University, USA
41. Siqueira JAM, Linhares AD, de Carvalho TCN, Aragao GC, Oliveira DD, dos Santos MC, de Sousa MS, Justino MCA, Mascarenhas JDP, Gabbay YB. Norovirus infection in children admitted to hospital for acute gastroenteritis in Belem, Para, Northern Brazil. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 2013;85(4):737-744.
42. Bitler EJ, Matthews JE, Dickey BW, Eisenberg JNS, Leon JS. Norovirus outbreaks: a systematic review of commonly implicated transmission routes and vehicles. *Epidemiol Infect*, 2013;141:1563-1571 DOI: 10.1017/S095026881300006X
43. Galeano ME, Martinez M, Amarilla AA, Russomando G, Miagostovich MP, Parra GI, Leite JP. Molecular epidemiology of norovirus strains in Paraguayan children during 2004–2005: Description of a possible new GII.4 cluster. *J Clin Virol* 58:378-384 (2013)
44. Siqueira JAM, da Costa Linhares A, dos Santos Gonçalves M, de Carvalho TCN, Justino MCA, Mascarenhas JDP, Gabbay YB. Group A rotavirus and norovirus display sharply distinct seasonal profiles in Belém, northern Brazil. *Mem. Inst. Oswaldo Cruz* 108: (5) 661-664 (2013)
45. Greening GE, Wolf S. Calicivirus environmental contamination. In: Hansman GS, Jiang XJ, Green KY: *Caliciviruses: molecular and cellular virology*. 2010. pp. 25-44
46. Polkowska A, Rönqvist M, Lepistö O, Roivainen M, Maunula L, Huusko S, Toikkanen S, Rimhanen-Finne R. Outbreak of gastroenteritis caused by norovirus GII.4 Sydney variant after a wedding reception at a resort/activity centre, Finland, August 2012. *Epidemiology and Infection* 00: 1-7 (2013)
47. Won YJ, Park JW, Han SH, Cho HG, Kang LH, Lee SG, Ryu SR, Paik SY. Full-Genomic Analysis of a Human Norovirus Recombinant GII.12/13 Novel Strain Isolated from South Korea. *PLoS One* 8: (12) (2013)
48. Launders NJ, Nichols GL, Cartwright R, Lawrence J, Jones J, Hadjichristodoulou C. Self-Reported Stomach Upset in Travellers on Cruise-Based and Land-Based Package Holidays. *PLoS ONE* 9: (1) (2014)
49. Toffan A, Brutti A, De Pasquale A, Cappellozza E, Pascoli F, Cigarini M, Di Rocco M, Terregino C, Arcangeli G. The effectiveness of domestic cook on inactivation of murine norovirus in experimentally infected Manila clams (*Ruditapes philippinarum*). *Journal of Applied Microbiology* 116: (1) pp. 191-198. (2014) DOI: 10.1111/jam.12346
50. Bert F, Scaioli G, Gualano MR, Passi S, Specchia ML, Cadeddu C, Viglianchino C, Siliquini R. Norovirus Outbreaks on Commercial Cruise Ships: A Systematic Review and New Targets for the Public Health Agenda. *Food and Environmental Virology* 6: (2) 67-74. (2014)
51. Ushijima H, Fujimoto T, Müller WEG, Hayakawa S. Norovirus and foodborne disease: A review. *Food Safety*, 2014;2(3):37-54.
52. Gabbay YB, Siqueira JAM, de Lima ICG, Teixeira DM, Aragão GC, Barbagelata LS, de Souza Oliveira D, Garcia CGR, de Barros Galindo D, Mascarenhas JDP, Linhares AC. Norovirus outbreak in a cruise ship along the Brazilian coast, March 2011. *Revista Pan-Amazônica de Saúde*, 2014;5(1):43-51 DOI: 10.5123/S2176-62232014000100005
53. Moyo SJ. Viral diarrhoea in children under two years of age in Dar es Salaam, Tanzania. Clinical and molecular epidemiology. Docoral Thesis, 2014. The University of Bergen. <http://hdl.handle.net/1956/9428>
54. Polo D, Varela MF, Romalde JL. Detection and quantification of hepatitis A virus and norovirus in Spanish authorized shellfish harvesting areas. *International Journal of Food Microbiology*, 2015;193:43-50.
55. Carmona-Vicente Noelia, Fernandez-Jimenez Manuel, Ribes Juan M, Tellez-Castillo Carlos J, Khodayar-Pardo Parisa, Rodriguez-Diaz Jesus, Buesa Javier. Norovirus Infections and Seroprevalence of Genotype GII.4-Specific Antibodies in a Spanish Population. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(4):675-682 (2015)
56. Buss Sarah N, Leber Amy, Chapin Kimberle, Fey Paul D, Bankowski Matthew J, Jones Matthew K, Rogatcheva Margarita, Kanack Kristen J, Bourzac Kevin M. Multicenter Evaluation of the BioFire FilmArray Gastrointestinal Panel for Etiologic Diagnosis of Infectious Gastroenteritis. *JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY* 53(3):915-925. (2015)

57. Sokolova Ekaterina, Petterson Susan R, Dienus Olaf, Nystrom Fredrik, Lindgren Per-Eric, Pettersson Thomas J R. Microbial risk assessment of drinking water based on hydrodynamic modelling of pathogen concentrations in source water. *SCIENCE OF THE TOTAL ENVIRONMENT* 526:177-186. (2015)
58. Aliabadi Negar, Lopman Ben A, Parashar Umesh D, Hall Aron J. Progress toward norovirus vaccines: considerations for further development and implementation in potential target populations. *EXPERT REVIEW OF VACCINES* 14: (9) pp. 1241-1253. (2015)
59. Costanzo N, Santoro AML, Peretti V, Proroga YTR, Sarno E. Lack of evidence so far for noroviruses in food samples collected on cruise ships sailing the Mediterranean waters. *International Food Research Journal* 22: (5) pp. 1801-1805. (2015)
60. Cook N, Hernandez-Perez M, Iaconelli M, Diez-Valcarce M, Kovac K, Rodriguez-Lazaro D, Rzezutka A. Norovirus and hepatitis A virus. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL. *Omics, microbial modeling and technologies for foodborne pathogens*, 2012; pp. 269-294.
61. O'Connor FGS. (2013) *Emerging and Re-Emerging Infectious Diseases*, in: *Principles and Practice of Travel Medicine*, Second Edition (ed J. N. Zuckerman), Wiley-Blackwell, Oxford, UK. doi: 10.1002/9781118392058.ch11
62. Jones M, Zhu S Karst SM. Emerging human norovirus infections. In: Singh SK (szerk.): *Viral Infections and Global Change*. Hoboken: John Wiley & Sons, 2013. p. 28
63. Gushulak BD, MacPherson DW. *GLOBAL TRAVEL, TRADE, AND THE SPREAD OF VIRAL INFECTIONS*. In: Singh SK (szerk.): *Viral Infections and Global Change*. Hoboken: John Wiley & Sons, 2013. p. 7

42. Reuter G: Hepatitis A vírus-fertőzés

Orvosi Hetilap, 2008. 149: 360-362. (felkért összefoglaló)

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

43. Reuter G, Pankovics P, Szűcs Gy: Genetic drifts of norovirus genotype GII.4 in 7 consecutive epidemic seasons in Hungary

Journal of Clinical Virology, 2008. 42, 135-140.

Impakt faktor: 3,32

Független idéző: 19 Független idéző: 1 Összesen: 20

1. Ramirez S, Giammanco GM, De Grazia S, Colomba C, Martella V, Arista S.: Emerging GII.4 norovirus variants affect children with diarrhea in Palermo, Italy in 2006. *J Med Virol*, 2009;81(1):139-145.
2. Khamrin P, Takanashi S, Chan-it W, Kobayashi M, Nishimura S, Katsumata N, Okitsu S, Maneekarn N, Nishio O, Ushijima H. Immunochromatography test for rapid detection of norovirus in fecal specimens. *J Virol Methods*, 2009;157(2):219-222.
3. Voronin Y, Holte S, Overbaugh J, Emerman M.: Genetic drift of HIV populations in culture. *PLoS Genetics*, 2009;5(3):e1000431.
4. Bok K, Abente EJ, Realpe-Quintero M, Mitra T, Sosnovtsev SV, Kapikian AZ, Green KY. Evolutionary dynamics of GII.4 noroviruses over a 34-year period. *J Virol*, 2009;83(22):11890-11901.
5. Khamrin P, Maneekarn N, Thongprachum A, Chaimongkol N, Okitsu S, Ushijima H. Emergence of new norovirus variants and genetic heterogeneity of noroviruses and sapoviruses in children admitted to hospital with diarrhea in Thailand. *J Med Virol*, 2010;82(2):289-296.
6. Lindesmith LC, Donaldson E, Leon J, Moe CL, Frelinger JA, Johnston RE, Weber DJ, Baric RS. Heterotypic humoral and cellular immune responses following Norwalk virus infection. *J Virol*, 2010;84(4):1800-1815.
7. Zheng DP, Widdowson MA, Glass RI, Vinje J. Molecular epidemiology of genogroup II-genotype 4 noroviruses in the United States between 1994-2006. *J Clin Microbiol*, 2010;48(1):168-177.
8. Oldak E, Sulik A, Rozkiewicz D, Liwoch-Nienartowicz N, Zawadzka E. Norovirus and rotavirus – two major causative agents of sporadic viral gastroenteritis in hospitalized Polish children. *Advances Med Sci*, 2009;54(2):183-186.
9. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam
10. Lindesmith LC, Donaldson EF, Baric RS. Norovirus GII.4 strain antigenic variation. *J Virol*, 2011;85(1):231-242.

11. Echardt AJ, Baumgart DC. Viral gastroenteritis in adults. *Recent Patents on Anti-infective Drug Discovery*, 2011;6(1):54-63.
12. Mattison K. Norovirus as a foodborne hazard. *Adv Food Nutr Res*, 2011;62:1-39.
13. Skar H, Gutenkunst RN, Ramsay KW, Alaeus A, Albert J, Leitner T. Daily sampling of an HIV-1 patient with slowly progressing disease displays persistence of multiple env subpopulations consistent with neutrality. *PLoS One*, 2011;6(8):e21747.
14. Zhou X, Li H, Sun L, Mo Y, Chen S, Wu X, Liang J, Zheng H, Ke C, Varma JK, Klena JD, Chen Q, Zou L, Yang X. Epidemiological and molecular analysis of a waterborne outbreak of norovirus GII.4. *Epidemiol Infect*, 2012;1-8.
15. Lam TTY, Zhu HC, Smith DK, Guan Y, Holmes EC, Pybus OG. The recombinant origin of emerging human norovirus GII.4/2008: intra-genotypic exchange of the capsid P2 domain. *J Gen Virol*, 2012;93:817-822.
16. Bitler E. The associations between norovirus outbreak transmission mechanism and vehicles with attack rate, genogroup distribution, and GII.4 strain distribution: an outbreak meta-analysis. Master of Public Health in Epidemiology. 2012. Rollins School of Public Health of Emory University, USA
17. Chaimongkol N, Khamrin P, Malasao R, Thongprachum A, Kongsricharoern T, Ukarapol N, Ushijima H, Maneekarn N. Molecular characterization of norovirus variants and genetic diversity of noroviruses and sapoviruses in Thailand. *Journal of Medical Virology* 86:1210-1218 (2014)
18. Medici MC, Tummo F, Martella V, Chezzi C, Arcangeletti MC, De Conto F, Calderaro A. Epidemiological and molecular features of norovirus infections in Italian children affected with acute gastroenteritis. *Epidemiology and Infection* 2014;142(11):2326-2335.
19. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK

44. Reuter G, Pankovics P, Egyed L: Szarvasmarha-norovírusok (calicivírus) molekuláris kimutatása hazánkban

Magyar Állatorvosok Lapja, 2008. 7, 387-390.

Impakt faktor: 0,088

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

45. Kroneman A, Verhoef L, Harris J, Vennema H, Duizer E, van Duynhoven Y, Gray J, Iturriza M, Böttiger B, Falkenhorst G, Johnsen C, von Bonsdorff CH, Maunula L, Kuusi M, Pothier P, Galloway A, Schreier E, Höhne M, Koch J, Szűcs G, Reuter G, Krisztalovics K, Lynch M, McKeown P, Foley B, Coughlan S, Ruggeri F, Di Bartolo I, Vainio K, Isakbaeva E, Poljsak-Prijatelj M, Hovevar Grom A, Zimsek-Mijovski J, Bosch A, Buesa J, Sanchez Fauquier A, Hernández-Pezzi G, Hedlund KO, Koopmans M: Analysis of integrated virological and epidemiological reports of norovirus outbreaks collected within the Foodborne Viruses in Europe network from 1-7-2001 to 30-6-2006

Journal of Clinical Microbiology, 2008. 46, 2959-2965.

Impakt faktor: 3,945

Független idéző: 95 Független idéző: 26 Összesen: 121

1. Rydell GE, Nilsson J, Rodriguez-Diaz J, Ruvoen-Clouet N, Svensson L, Le Pendu J, Larson G.: Human noroviruses recognize sialyl Lewis x neoglycoprotein. *Glycobiology*, 2009;19(3):309-320.
2. Nordgren J, Matussek A, Mattsson A, Svensson L, Lindgren PE.: Prevalence of norovirus and factors influencing virus concentrations during one year in a full-scale wastewater treatment plant. *Water Res*, 2009;43(4):1117-1125.
3. Fernandez MAL, Truys AG, Guibert DH, Cerda GA, Gayá FS.: Cohort study of an outbreak of viral gastroenteritis in a nursing home for elderly, Majorca, Spain, February 2008. *Eurosurveillance*, 2009;13(40-51):645-651.
4. Kindberg E, Svensson L.: Genetic basis of host resistance to norovirus infection. *Int Virol*, 2009;4(4):369-382.
5. Morales-Rayas R, Wolfs PFG, Griffiths MW. Anion-exchange filtration and real-time PCR for the detection of a norovirus surrogate in food. *J Food Prot*, 2009;72(10):2178-2183.
6. Bok K, Abente EJ, Realpe-Quintero M, Mitra T, Sosnovtsev SV, Kapikian AZ, Green KY. Evolutionary dynamics of GII.4 noroviruses over a 34-year period. *J Virol*, 2009;83(22):11890-11901.

7. Rydell GE, Dahlin AB, Hook F, Larson G. QCM-D studies of human norovirus VLPs binding to glycosphingolipids in supported lipid bilayers reveal strain-specific characteristics. *Glycobiology*, 2009;19(11):1176-1184.
8. Dreyfuss MS: Is norovirus a foodborne or pandemic pathogen? An analysis of the transmission of norovirus-associated gastroenteritis and the roles of food and food handlers. *Foodborne Path and Dis*. 2009;8(10):1219-1228.
9. Barreira DMPG, Ferreira MSR, Fumian TM, Checon R, de Sadovsky ADI, Leite JPG, Miagostovich MP, Spano LC. Viral load and genotypes of noroviruses in symptomatic and asymptomatic children in Southeastern Brazil. *J Clin Virol*, 2010;47(1):60-64.
10. La Rosa G, Iaconelli M, Pourshaban M, Fratini M, Muscillo M. Molecular detection and genetic diversity of norovirus genogroup IV: a yearlong monitoring of sewage throughout Italy. *Arch Virol*, 2010;155(4):589-593.
11. La Rosa G, Iaconelli M, Pourshaban M, Muscillo M. Detection and molecular characterisation of noroviruses from five sewage treatment plants in central Italy. *Water Res*, 2010;44(6):1777-1784.
12. Zheng DP, Widdowson MA, Glass RI, Vinje J. Molecular epidemiology of genogroup II-genotype 4 noroviruses in the United States between 1994-2006. *J Clin Microbiol*, 2010;48(1):168-177.
13. Havelaar AH, Brul S, de Jong A, de Jong R, Zwietering MH, ter Kuile BH. Future challenges to microbial food safety. *Int J Food Microbiol*, 2010;139:suppl1.
14. Ajami N, Koo H, Darkoh C, Atmar RL, Okhuysen PC, Jiang ZD, Flores J, DuPont HL. Characterization of norovirus-associated traveler's diarrhea. *Clin Infect Dis*, 2010;51(2):123-130.
15. Apelt N, Hartberger C, Campe H, Loscher T. The prevalence of norovirus in returning international travelers with diarrhea. *BMC Infect Dis*, 2010;10:131.
16. Woods JW, Burkhardt W. Occurrence of norovirus and hepatitis A virus in US oysters. *Food Environ Virol*, 2010;2(3):176-182.
17. Rasanen S, Lappalainen S, Kaikkonen S, Hamalainen M, Salminen M, Vesikari T. Mixed viral infections causing gastroenteritis in children in a waterborne outbreak. *Epid Infect*, 2010;138(79):1227-1234.
18. Fleckenstein JM, Barrels SR, Drevets PD, Bronze MS, Drevets DA. Infectious agents of food- and water-borne illnesses. *Am J Med Science*, 2010;340(3):238-246.
19. Eden JS, Bull AB, Tu E, McIver CJ, Lyon MJ, Marshall JA, Smith DW, Musto J, Rawlinson WD, White PA. Norovirus GII.4 variant 2006b caused epidemics of acute gastroenteritis in Australia during 2007 and 2008. *J Clin Virol*, 2010;49(4):265-271.
20. No author name available. Protecting institutions from the emerging threat of norovirus outbreaks. *New Zealand Public Health Surveillance Report*, 2010;8(1):1-8.
21. Arvidsson A. 2010. Utbrott av livsmedelsburen smitta på äldreboenden i Sverige. Swedish University of Agricultural Sciences, Uppsala, Sweden
22. Thigeel H. Listeria control and safe food training for dietary managers. *Doktori-Tézis*, 2010. Colorado State University, Fort Collins, Colorado, USA. pp119
23. Terletskaja-Ladwig E, Eggers M, Enders M, Regnath T. Epidemiological aspects of gastrointestinal infections. *Deutsche Medizinische Wochenschrift*, 2011;136(3):69-75.
24. Zoni R, Zanelli R, Tibollo S, Colucci ME, Sansebastiano G. PCR, real-time PCR analysis on Norwalk virus in direct test on artificial-contaminated foodstuffs. *Quality Assurance and Safety of Crops and Foods*, 2010;2(2):78-83.
25. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010 Erasmus University, Rotterdam
26. Dalin E, Ansker J, Haggstrom P, Dahlberg B, Pott BM, Ericsson P, Lindgren PE. Analysis methodology of noroviruses in surface water. 2010. *Svenskt Vatten Utveckling*, Stockholm.
27. Hauri AM, Westbrock HJ, Claus H, Geis S, Giernat S, Forssbohm M, Uphoff H. Electronic outbreak surveillance in Germany: A first evaluation for nosocomial norovirus outbreaks. *PLOS One*, 2011;6(3):e17341.
28. Hidayah MSN, Zainazor CT, Pui CF, Noorlis A, Eliza MRN, Naziehah MD, Ghazali FM, Cheah YK, Nakaguchi Y, Nishibuchi M, Son R. Occurrence of norovirus GI in green and red onion. *Int Food Res J*, 2011;18, 2
29. Gustavsson L, Westin J, Andersson LM, Lindh M. Rectal swabs can be used for diagnosis of viral gastroenteritis with a multiple realtime PCR assay. *J Clin Virol*, 2011;51(4):275-278.
30. Shanker S, Choi JM, Sankaran B, Atmar RL, Estes MK, Prasad BVV. Structural analysis of histo-blood group antigen binding specificity in a norovirus GII.4 epidemic variant: implications for epochal evolution. *J Virol*, 2011;85(17):8635-8645.

31. Puustinen L, Blazevic V, Salminen M, Hamalainen M, Rasanen S, Vesikari T. Noroviruses as a major cause of acute gastroenteritis in children in Finland, 2009-2010. *Scand J Infect Dis*, 2011;43(10):804-808.
32. Phillips G, Tam CC, Rodrigues LC, Lopman B. risk factors for symptomatic and asymptomatic norovirus infection in the community. *Epidemiol Infect*, 2011;139(11):1676-1686.
33. Rydell GE, Kindberg E, Larson G, Svensson L. Susceptibility to winter vomiting disease: a sweet matter. *Rev Med Virol*, 2011;21(6):370-382.
34. Rasanen S, Lappalainen S, Salminen M, Huhti L, Vesikari T. Noroviruses in children seen in a hospital for acute gastroenteritis in Finland. *Eur J Ped*, 2011;170(11):1413-1418.
35. Mathijs E, Stals A, Denayer S, Baert L, Botteldoorn N, Vancoillie E, Daube G, Dierick K, Herman L, Thiry E, Uyttendaele M. Transmission routes of noroviruses, emerging human pathogens in food „NORISK”. Science for a sustainable development. Agro-food, Belgian Science Policy, 2011. Brussels, Belgium.
36. Kirecci E, Özer A. Norovirüsler, Saginlari ve Mücadele. *Van Tip Dergisi*, 2011;18(1):49-56.
37. Vildevall M. The norovirus puzzle: characterization of human and bovine norovirus susceptibility patterns. 2011. Linköping University, Sweden.
38. Sousa SFFF. Emergent viruses in the marine environment. *Doktori-Tézis*. 2011. Universidade de Aveiro
39. Hartnell R, Lowther J, Avant J, Dancer D, Lees D, Russel J. The development of LENTICULES™ as reference materials for noroviruses. *J Appl Microbiol*, 2012;112(2):338-345.
40. Richards GP. Critical review of norovirus surrogates in food safety research: rationale for considering volunteer studies. *Food Environm Virol*, 2012;4(1):6-13.
41. Matthews JE, Dickey BW, Miller RD, Felzer JR, Dawson BP, Lee AS, Rocks JJ, Kiel J, Montes JS, Moe CL, Eisenberg JNS, Leon JS. The epidemiology of published norovirus outbreaks: a review of risk factors associated with attack rate and genogroup. *Epidemiol Infect*, 2012;140(7):1161-1172.
42. Morillo SG, Luchs A, Cilli A, Tiementsky MCAT. Rapid detection of norovirus in naturally contaminated food: foodborne gastroenteritis outbreak on a cruise ship in Brazil, 2010. *Food Environm Virol*, 2012;4:124-129.
43. Lowther JA, Gustar NE, Powell AL, Hartnell RE, Lees D. Two-year systematic study to assess norovirus contamination in oysters from commercial harvesting area in the United Kingdom. *Appl Environ Microbiol*, 2012;78(16):5812-5817.
44. Ahmed SF, Klena JD, Mostafa M, Dogantemur J, Middleton T, Hanson J, Sebeny PJ. Viral gastroenteritis associated with genogroup II norovirus among U.S. Military personnel in turkey, 2009. *PLoS One*, 2012;7(5):e35791.
45. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, O'Flaherty V, Doré W. Characterization of norovirus contamination in an Irish shellfishery using real-time RT-qPCR and sequencing analysis. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):105-112.
46. Eden J-S. The evolutionary dynamics of norovirus. *PhD-Thesis*, University of New South Wales UNSW, Australia, 2012.
47. Chan-It W, Thongprachum A, Khamrin P, Kobayashi M, Okitsu S, Mizuguchi M, Ushijima H. Emergence of a new norovirus GII.6 variant in Japan, 2008-2009. *J Med Virol*, 2012;84(7):1089-1096.
48. Carlsson B. Human caliciviruses: a study of viral evolution, host genetics and disease susceptibility. *MD-Dissertation*, Linköping University. 2012. Sweden.
49. Nguyen LM, Middaugh JP. Suspected transmission of norovirus in eight long-term care facilities attributed to staff working at multiple institutions. *Epidemiol Infect*, 2012;140(9):1702-1709.
50. Lam TTY, Zhu H, Smith DK, Guan Y, Holmes EC, Pybus OG. The recombinant origin of emerging human norovirus GII.4/2008: intra-genotypic exchange of the capsid P2 domain. *J Gen Virol*, 2012;93:817-822.
51. Henigman U. Ugotavljanje patogenih bakterij in virusov v školjkah slovenskega morja in njihova genetska karakterizacija. *Doktori-Dissertáció*. 2012. Univerza v Ljubljani. Ljubljana, Slovenia
52. McAllister G, Holmes A, Garcia L, Cameron F, Cloy K, Danial J, Cepeda JA, Simmonds P, Templeton KE. Molecular epidemiology of norovirus in Edinburgh healthcare facilities, Scotland 2007-2011. *Epidemiol Infect*, 2012;140(12):2273-2281.
53. Verhaelen K, Bouwknegt M, Lodder-Verschuur F, Rutjes SA, de Roda Husman AM. Persistence of human norovirus GII.4 and GI.4, murine norovirus, and human adenovirus on soft berries as compared with PBS at commonly applied storage conditions. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):137-144.
54. Mathijs E, Stals A, Baert L, Botteldoorn N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A review of known and hypothetical transmission routes for noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012;4(4):131-152.

55. Stals A, Mathijs E, Baert L, Botteldoorn N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, Van Coillie E, Thiry E, Uyttendaele M. Molecular detection and genotyping of noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012;4(4):153-167.
56. Puustinen L, Blazevic V, Huhti L, Szakal ED, Halkosalo A, Salminen M, Vesikari T. Norovirus genotypes in endemic acute gastroenteritis of infants and children in Finland between 1994 and 2007. *Epid Infect*, 2012;140(2):268-275.
57. Bitler E. The associations between norovirus outbreak transmission mechanism and vehicles with attack rate, genogroup distribution, and GII.4 strain distribution: an outbreak meta-analysis. Master of Public Health in Epidemiology. 2012. Rollins School of Public Health of Emory University, USA
58. Rackoff LA, Bok K, Green KY, Kapikian AZ. Epidemiology and Evolution of Rotaviruses and Noroviruses from an Archival WHO Global Study in Children (1976-79) with Implications for Vaccine Design. *PLoS ONE* 8: (3) Paper e59394. (2013)
59. Ruvoën N, Le Pendu J. Genetic susceptibility to norovirus infection. *Pathologie Biologie* 61: (1) 28-35 (2013)
60. Rajko-Nenow P, Waters A, Keaveney S, Flannery J, Tuite G, Coughlan S, O'Flaherty V, Dore W. Norovirus Genotypes Present in Oysters and in Effluent from a Wastewater Treatment Plant during the Seasonal Peak of Infections in Ireland in 2010. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 79:(8) 2578-2587 (2013)
61. Pavoni E, Consoli M, Suffredini E, Arcangeli G, Serracca L, Battistini R, Rossini I, Croci L, Losio MN. Noroviruses in Seafood: A 9-Year Monitoring in Italy. *FOODBORNE PATHOGENS AND DISEASE* 10:(6) 533-539 (2013)
62. di Giannatale E, Alessiani A, Sauro F, Sbraccia F, Croce G, Nissim A, Carnevale A, Migliorati G. Epidemiological study of an outbreak of Norovirus in a rest home in Italy. *VETERINARIA ITALIANA* 49: (2) 175-180 (2013)
63. Muscillo, Fratini M, Graffeo R, Sanguinetti M, Martella V, Green KY, Libera SD, La Rosa G. GIV Noroviruses in Wastewaters and in Stool Specimens from Hospitalized Patients. *Food and Environmental Virology* 00: 00 (2013)
64. Xue L, Wu Q, Dong R, Kou X, Li Y, Zhang J, Guo W. Genetic Analysis of Noroviruses Associated with Sporadic Gastroenteritis During Winter in Guangzhou, China. *Foodborne Pathogens and Disease* 00: 00 (2013)
65. Shen Z, Qian F, Li Y, Hu Y, Yuan Z, Zhang J. Novel Norovirus GII.4 Variant, Shanghai, China, 2012. *Emerg Infect Dis* 19: (8) 1337-1339 (2013)
66. Nordgren J, Nitiema LW, Ouermi D, Simporé J, Svensson L. Host Genetic Factors Affect Susceptibility to Norovirus Infections in Burkina Faso. *PLoS One* 8: (7) Paper e69557. (2013)
67. Stals A, Uyttendaele M, Baert L, Van Coillie E. Norovirus transfer between foods and food contact materials. *Journal of Food Protection* 76: (7) 1202-1209 (2013)
68. Ruvoën-Clouet N, Belliot G, Le Pendu J. Noroviruses and histo-blood groups: The impact of common host genetic polymorphisms on virus transmission and evolution. *Reviews in Medical Virology* 23: (6) pp. 355-366. (2013)
69. Menon VK, Sarkar R, Moses PD, Agarwal I, Simon A, Kang G. Short Report: Norovirus Genogroup II Gastroenteritis in Hospitalized Children in South India. *AMERICAN JOURNAL OF TROPICAL MEDICINE AND HYGIENE* 89: (5) 1019-1022 (2013)
70. Vega E, Barclay L, Gregoricus N, Shirley SH, Lee D, Vinjé J. Genotypic and epidemiologic trends of norovirus outbreaks in the United States, 2009 to 2013. *Journal of Clinical Microbiology* 52: (1) 147-155 (2014)
71. Rubio-del-Campo A, Coll-Marqués JM, Yebra MJ, Buesa J, Pérez-Martínez G, Monedero V, Rodríguez-Díaz J. Noroviral P-particles as an in vitro model to assess the interactions of noroviruses with probiotics. *PLoS ONE* 9: (2) Paper e89586. (2014)
72. Kaufman SS, Green KY, Korba BE. Treatment of norovirus infections: Moving antivirals from the bench to the bedside. *Antiviral Research* 105: (1) pp. 80-91. (2014)
73. Arana A, Cilla G, Montes M, Gomariz M, Pérez-Trallero E. Genotypes, Recombinant Forms, and Variants of Norovirus GII.4 in Gipuzkoa (Basque Country, Spain), 2009–2012. *PLoS One* 9: (6) Paper e98875. (2014)
74. Lennon G, Reidy N, Collins PJ, Gunn L, Coyle PV, Cryan B, Fanning S, O'Shea H. A comparison of the efficiency of ELISA and selected primer sets to detect Norovirus isolates in southern Ireland over a four-year period (2002-2006): variation in detection rates and evidence for continuing predominance of NoV GII.4 genotype. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 159: (7) pp. 1697-1705. (2014)
75. Campos CJA, Lees DN. Environmental Transmission of Human Noroviruses in Shellfish Waters. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 80: (12) pp. 3552-3561. (2014)

76. Kaufman SS, Green KY, Korba BE. Treatment of norovirus infections: Moving antivirals from the bench to the bedside. *ANTIVIRAL RESEARCH* 105: pp. 80-91. (2014)
77. Lee MH, Seo DJ, Kang JH, Oh SH, Choi C. Expression of antiviral cytokines in Crandell-Reese feline kidney cells pretreated with Korean red ginseng extract or ginsenosides. *FOOD AND CHEMICAL TOXICOLOGY* 70: pp. 19-25. (2014)
78. Rocha-Pereira J; Jochmans D; Neyts J. Prophylactic treatment with the nucleoside analogue 2'-C-methylcytidine completely prevents transmission of norovirus. *J Antimicrobiol Chemother*, 2014; 10.1093/jac/dku363
79. Lee SC, Billmyre RB, Li A, Carson S, Sykes SM, Huh EY, Mieczkowski P, Ko DC, Cuomo CA, Heitman J. Analysis of a Food-Borne Fungal Pathogen Outbreak: Virulence and Genome of a *Mucor circinelloides* Isolate from Yogurt. *MBIO* 5(4):Paper e01390-14. (2014)
80. Barclay L, Park GW, Vega E, Hall A, Parashar U, Vinje J, Lopman B. Infection control for norovirus. *CLINICAL MICROBIOLOGY AND INFECTION* 20(8):731-740 (2014)
81. Prasad BVV, Shanker S, Hu LY, Choi JM, Crawford SE, Ramani S, Czako R, Atmar RL, Estes MK. Structural basis of glycan interaction in gastroenteric viral pathogens. *CURRENT OPINION IN VIROLOGY* 7:119-127 (2014)
82. Polo D, Feal X, Varela MF, Monteagudo A, Romalde JL. Depuration kinetics of murine norovirus in shellfish. *FOOD RESEARCH INTERNATIONAL* (ISSN: 0963-9969) 64:182-187. (2014)
83. Fajardo Á, Tort FL, Victoria M, Fumian TM, Miagostovich MP, Leite JPG, Cristina J, Colina R. Phylogenetic analyses of Norovirus strains detected in Uruguay reveal the circulation of the novel GII.P7/GII.6 recombinant variant. *Infec. Genet. Evol.* 28:328-332. (2014)
84. Ryu Seungbo, You Hyun Ju, Kim Ye Won, Lee Ariel, Ko Gwang Pyo, Lee Sung-Joon, Song Moon Jung. Inactivation of norovirus and surrogates by natural phytochemicals and bioactive substances. *MOLECULAR NUTRITION & FOOD RESEARCH* 59(1): 65-74. (2015)
85. Arthur Sabastine E, Gibson Kristen E. Comparison of Methods for Evaluating the Thermal Stability of Human Enteric Viruses. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7(1):14-26. (2015)
86. Zhirakovskaia Elena V, Tikunov Artem Yu, Bodnev Sergey A, Klemesheva Vera V, Netesov Sergey V, Tikunova Nina V. Molecular Epidemiology of Noroviruses Associated With Sporadic Gastroenteritis in Children in Novosibirsk, Russia, 2003-2012. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(5):740-753. (2015)
87. Rusinol Marta, Fernandez-Cassi Xavier, Timoneda Natalia, Carratala Anna, Francesc Abril Josep, Silvera Carolina, Jose Figueras Maria, Gelati Emiliano, Rodo Xavier, Kay David, Wyn-Jones Peter, Bofill-Mas Silvia, Girones Rosina. Evidence of viral dissemination and seasonality in a Mediterranean river catchment: Implications for water pollution management. *JOURNAL OF ENVIRONMENTAL MANAGEMENT* 159:58-67. (2015)
88. Samandoulgou Idrissa, Fliss Ismail, Jean Julie. Zeta Potential and Aggregation of Virus-Like Particle of Human Norovirus and Feline Calicivirus Under Different Physicochemical Conditions. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7(3):249-260. (2015)
89. Aliabadi Negar, Lopman Ben A, Parashar Umesh D, Hall Aron J. Progress toward norovirus vaccines: considerations for further development and implementation in potential target populations. *EXPERT REVIEW OF VACCINES* 14(9):1241-1253. (2015)
90. Manso CF, Romalde JL. Molecular epidemiology of norovirus from patients with acute gastroenteritis in northwestern Spain. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 143: (2) pp. 316-324. (2015)
91. Knight A, Haines J, Stals A, Li D, Uyttendaele M, Knight A, Jaykus L-A. A systematic review of human norovirus survival reveals a greater persistence of human norovirus RT-qPCR signals compared to those of cultivable surrogate viruses. *INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY* 216: pp. 40-49. (2016)
92. Takahashi M, Takahashi H, Kuda, Kimura B. Viability and heat resistance of murine norovirus on bread. *INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY* 216: pp. 127-131. (2016)
93. Cook N, Hernandez-Perez M, Iaconelli M, Diez-Valcarce M, Kovac K, Rodriguez-Lazaro D, Rzezutka A. Norovirus and hepatitis A virus. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL. *Omics, microbial modeling and technologies for foodborne pathogens*. DEStech Publications 2012. Chapter 10 pp. 269-294. ISBN: 978-1-60595-047-1 Lancaster, USA
94. Jones M, Karst SM. Noroviruses. In: *Foodborne Infections and Intoxications*. Elsevier Inc., 2013. pp. 261-277
95. Lopman BA, Vinjé J, Glass RI. Noroviruses, sapoviruses, and astroviruses. In: *Viral Infections of Humans: Epidemiology and Control*. 2014. Springer; pp. 479-499. ISBN: 978-1-4899-7448-8

46. **Reuter G**, Pankovics P, Szűcs Gy: A GII4 genotípusú norovírus genetikai evolúciója (drift) és pandémiás potenciálja – Hét hazai járványszezont felölelő tanulmány a calicivírus járványok epidemiológiájának molekuláris szintű megértéséhez *Infektológia és Klinikai Mikrobiológia*, 2008. 15, 43-47.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 1 Független idéző: 0 Összesen: 1

1. Nemes Z. Gastroenteritis from the aspect of infectologists. *Orvosi Hetilap* 150(8):353-361. (2009)

47. **Reuter G**, Boldizsár Á, Kiss I, Pankovics P: Candidate new species of *Kobuvirus* in porcine hosts

Emerging Infectious Diseases, 2008. 12, 1968-1970.

Impakt faktor: 6,449

Független idéző: 74 Független idéző: 11 Összesen: 85

1. Li LL, Victoria J, Kapoor A, Blinkova O, Wang CL, Babrzadeh F, Mason CJ, Pandey P, Triki H, Bahri O, Oderinde BS, Baba MM, Bukbuk DN, Besser JM, Bartkus JM, Delwart EL. A novel picornavirus associated with gastroenteritis. *J Virol*, 2009;83(22):12002-12006.

2. Khamrin P, Maneekarn N, Kongkaew A, Kongkaew S, Okitsu S, Ushijima H: Porcine kobuvirus in piglets, Thailand. *Emerg Infect Dis*, 2009;15(12):2075-2076.

3. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.

4. Khamrin P, Maneekarn N, Hidaka S, Kishikawa S, Ushijima K, Okitsu S, Ushijima H. Molecular detection of kobuvirus sequences in stool samples collected from healthy pigs in Japan. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):950-954.

5. Day JM, Ballard LL, Duke MV, Scheffler BE, Zsak L. Metagenomic analysis of the turkey gut RNA virus community. *Virol J*, 2010;7:313.

6. Houde A, Poitras E, Leblanc D, Ward P, Inglis GD, Boras VF, Loisy-Hamon F, Lebeau B. Aichi virus in Alberta, Canada: a one year examination of human diarrheic stool samples by RT-PCR. *Current Research, Technology and Education Topics in Applied Microbiology and Microbial Biotechnology*. Ed: Méndez-Vials A. 2010;:767-772.

7. Knowles NJ, Hovi T, Hyypia T, Andrew MQ, Lindberg AM, Pallansch MA, Palmenberg AC, Skern T, Stanway G, Yamashita T, Zell R. Taxonomy of the *Picornaviridae*: expanding the family beyond 12 genera. XVI Europic, Sept 2010, St Andrews, Scotland, Abstract Book H2, pp134.

8. Smura T, Savolainen-Kopra C, Roivainen M. Evolution of newly described enteroviruses. *Future Virology*, 2011;6(1):109-131.

9. Kitajima M, Haramoto E, Phanuwat C, Katayama H. Prevalence and genetic diversity of Aichi viruses in wastewater and river water in Japan. *Appl Environ Microbiol*, 2011;77(9):2184-2187.

10. Yu JM, Xu ZQ, Li BW, Zhang Q, Cui SX, Jin M, Duan ZJ. Analysis and characterization of the complete genome of a member of a new species of kobuvirus associated with swine. *Arch Virol*, 2011;156(5):747-751.

11. Jeoung HY, Lim JA, Jeong W, Oem JK, An DJ. Three cluster of bovine kobuvirus isolated in Korea, 2008-2010. *Virus Genes*, 2011;42(3):402-406.

12. An DJ, Jeoung HY, Jeong W, Lee HS, Park JY, Kim B. Porcine kobuvirus from pig stool in Korea. *Virus Genes*, 2011;42(2):208-211.

13. Park SJ, Kim HK, Song DS, Moon HJ, Park BK. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses in fecal samples collected from diarrheic cattle in Korea. *Infect Gen Evol*, 2011;11(5):1178-1182.

14. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. *Infect Gene Evol*, 2011;11(7):1811-1814.

15. Kapoor A, Simmonds P, Dubovi EJ, Qaisar N, Henriquez JA, Medina J, Shields S, Lipkin WI. Characterization of a homolog of human Aichivirus. *J Virol*, 2011;85(21):11520-11525.

16. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. *Virus Genes*, 2012;44(2):253-257.

17. Farkas T, Fey B, Hargitt E, Parcells M, Ladman B, Murgía M, Saif Y. Molecular detection of novel picornaviruses in chickens and turkeys. *Virus Genes*, 2012. 44(2):262-272.

18. Meng XJ. Emerging and re-emerging swine viruses. *Transboundary Emerg Dis*, 2012;59(Suppl1):85-102.
19. Wang C, Lan D, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine kobuvirus strain in China. *Arch Virol.*, 2012;157:573-578.
20. Truszczynski M, Pejsak Z. Diarrheal diseases in pigs caused by facultatively pathogenic viruses. *Med Weter*, 2011;68(1):9-14.
21. Jonsson N, Wahlström K, Svensson L, Serrander L, Lindberg AM. Aichi virus infection in elderly people in Sweden. *Arch Virol*, 2012;157(7):1365-1369.
22. Lee MH, Jeong HY, Lim JA, Song JY, Song DS, An DJ. Kobuvirus in South Korean black goats. *Virus Genes*, 2012;45(1):186-189.
23. Greninger AL, Knudsen GM, Betegon M, Burlingame AL, DeRisi JL. The 3A protein from multiple picornaviruses utilizes the Golgi adaptor protein ACBD3 to recruit PI4KIII beta. *J Virol*, 2012;86(7):3605-3616.
24. Lin Y, Xiao S, Zeng Y, Song T, Zeng S, Chen H, Fang L. Complete genome sequence of porcine kobuvirus strain WUH1. *J Virol*, 2012;86(12):7010.
25. Cao W, Zheng H, Zhang K, Jin Y, Lv L, Yang F, Liu X. Complete genome sequence of the porcine kobuvirus variant CH/HNXX-4-2012. *J Virol*, 2012;86(21):11947.
26. Di Martino B, Di Profio F, Di Felice E, Ceci C, Pistilli MG, Marsilio F. Molecular detection of bovine kobuviruses in Italy. *Arch Virol*, 2012;157(12):2393-2396.
27. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 158(3):549-558, 2012.
28. Wang C, Lan D, Hua X. Development and application of a PCR assay for detection of porcine kobuvirus. *Animal Quarantine of China*, 2012;2(4):29-32.
29. Chen RJ, Wu YM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang YS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and evolution analysis of the 3D gene of porcine kobuvirus in Fujian. *Fujian J Agricultural Sciences*, 2012;27(9):941-944.
30. Wang Q, Chang JT, Liu Y, Yu L. Prokaryotic expression and primary application of bovine kobuvirus. *Chinese J Prev Vet Med*, 2012;34(11):907-911.
31. Ran Red Chi, Yan Wenmao, Zhao Bao, Zhang Xuhui. *Acta Ecologiae Animalis Domestici*, 2012;33(5):117-119.
32. Fournie G, Kearsley-Fleet L, Otte J, Pfeiffer D. Trends in the emergence of swine pathogens. Building bridges, Supporting livelihoods, FAO, Regional Office for Asia and the Pacific, Bangkok, Thailand, 2012, ppl-36.
33. Terry FFN, Marine R, Wang CL, Simmonds P, Kapusinszky B, Bodhidatta L, Oderinde BS, Wommack KE, Delwart E. High Variety of Known and New RNA and DNA Viruses of Diverse Origins in Untreated Sewage. *J Virol*, 2012;86(22):12161-12175.
34. Dai Hong-bo, Li Song, Zhou Yuan-cheng, Zhu Ling, Xu Zhi-wen. Research Advances in the Characteristics and Detection of Kobuviruses. *Chinese Journal of Virology* **28**: (5) 591-594 (2012)
35. Shen SF, Tang SD, Sun QY. Introduction to porcine kobuvirus infection. *Progress in Veterinary Medicine* 33: (4) 00 (2012) doi: 10.3969/j.issn.1007-5038.2012.01.026
36. Yu JM, Li JS, Ao YY, Duan ZJ. Detection of novel viruses in porcine fecal samples from China. *Virol J*, 2013;10:39.
37. Sisay Z, Wang Q, Oka T, Saif L. Prevalence and molecular characterization of porcine enteric caliciviruses and first detection of porcine kobuviruses in US swine. *Arch Virol*, 2013
38. Carmona-Vicente N, Buesa J, Brown PA, Merga JY, Darby AC, Stavisky J, Sadler L, Gaskell RM, Dawson S, Radford AD. Phylogeny and prevalence of kobuviruses in dogs and cats in the UK. *Veterinary Microbiology* 164:(3-4) 246-252 (2013)
39. Verma H, Mor SK, Abdel-Glil M, Goyal SM. Identification and molecular characterization of porcine kobuvirus in U.S. swine. *Virus Genes* 46:(3) 551-553 (2013)
40. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45:1757-1762 DOI: 10.1007/s11250-013-0428-x
41. Shi D, Zhang S, Chen J, Shi H, Zhang X, Feng L. Molecular characterization of a porcine kobuvirus variant strain in China. *Arch Virol*, 2013,158(11):2379-2383.
42. Fichtner D, Philipps A, Groth M, Schmidt-Posthaus H, Granzow H, Dauber M, Platzer M, Bergmann SM, Schrudde D, Sauerbrei A, Zell R. Characterization of a novel picornavirus isolate from a diseased European eel (*Anguilla anguilla*). *J Virol* 2013; 10.1128/JVI.01094-13
43. Di Martino, Di Felice E, Ceci C, Di Profio F, Marsilio F. Canine kobuviruses in diarrhoeic dogs in Italy. *Vet Microbiol*, 2013;166(1-2):246-249. DOI: 10.1016/j.vetmic.2013.05.007

44. Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F, Di Martino B. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Res Vet Sci*, 2013;95(2):782-785. DOI: 10.1016/j.rvsc.2013.06.020
45. Chung JY, Kim SH, Kim YH, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Detection and genetic characterization of feline kobuvirus. *Virus Genes* 47:559-562 (2013) doi: 10.1007/s11262-013-0953-8
46. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
47. Fan S, Sun H, Ying Y, Gao X, Wang Z, Yu Y, Li Y, Wang T, Yu Z, Yang S, Zhao Y, Qin C, Gao Y, Xia X. Identification and characterization of porcine kobuvirus variant isolated from suckling piglet in Gansu province, china. *Viruses* 5: (10) 2548-2560 (2013)
48. Greninger A. Genomics and Proteomics of picornaviruses. PhD Thesis. 2013, University of San Francisco, USA.
49. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
50. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Robetto S, Di Felice E, Orusa R, Marsilio F. Molecular evidence of kobuviruses in free-ranging red foxes (*Vulpes vulpes*). *Archives of Virology* 159(7):1803-1806 (2014).
51. Chang J, Wang Q, Wang F, Jiang Z, Liu Y, Yu L. Prevalence and genetic diversity of bovine kobuvirus in China. *Archives of Virology* 159(6):1505-1510 (2014).
52. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014).
53. Chen L, Zhu L, Xu ZW, Guo WZ. Molecular genetics of Aichivirus C (porcine kobuvirus) in China. *British Journal of Virology* 1(1):36-41 (2014)
54. Sachsenröder J, Twardziok SO, Scheuch M, John R. The general composition of the faecal virome of pigs depends on age, but not on feeding with a probiotic bacterium. *PLoS ONE* 9: (2) Paper e88888. (2014)
55. Di Bartolo I, Tofani S, Angeloni G, Ponterio E, Ostanello F, Ruggeri FM. Detection and characterization of porcine caliciviruses in Italy. *Archives of Virology* 159(9):2479-2484 (2014)
56. Li C, Chen J, Shi H, Zhang X, Shi D, Han X, Chi Y, Feng L. Rapid detection of porcine kobuvirus in feces by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification. *Virology Journal* 11:73 (2014)
57. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular Characterization of the Full Kobuvirus Genome in a Cat. *Genome Announc* 2: (2) p. e00420-14. (2014)
58. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38(2):177-182 (2014)
59. Chuchaona W; Khamrin P; Maneekarn N. Molecular characterization of Aichi virus circulating in pediatric patients with diarrhea in Chiang Mai, Thailand. Graduate Reserch Conference, 2014, MMO20, pp1063-1069. Khon Kaen University, Thailand.
60. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Kalesaran AFC, Takanashi S, Shimizu H, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Molecular characterization and sequence analysis of the 2B region of Aichivirus C strains in Japan and Thailand. *Infection, Genetics and Evolution* 26:89-94 (2014)
61. Oem JK, Choi JW, Lee MH, Lee KK, Choi KS. Canine kobuvirus infections in Korean dogs. *Archives of Virology* 2014;159(10):2751-2755.
62. Oem JK, Lee MH, Lee KK, An DJ. Novel Kobuvirus species identified from black goat with diarrhea. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 172: (3-4) 563-567. (2014)
63. Zhang B, Tang C, Yue H, Ren YP, Song ZG. Viral metagenomics analysis demonstrates the diversity of viral flora in piglet diarrhoeic faeces in China. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 95: 1603-1611. (2014)
64. Li XQ, Zhou YC, Ji HW, Xu ZW, Zhu L. One-step reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification assay for sensitive and rapid detection of porcine kobuvirus. *JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS* 207:1-5 (2014)
65. Yang Z, Jin W, Zhao Z, Lin W, Zhang D, Yu E, Qin A, Yang H. Genetic characterization of porcine kobuvirus and detection of coinfecting pathogens in diarrheic pigs in Jiangsu Province, China. *Archives of Virology*, 2014;159(12):3407-3412.
66. Pejsak Z, Truszczyński M. Choroby swin o dużej dynamice szerzenia się oraz nowo odkrywane patogeny. *Zycie Weterynaryjne*, 2014;89(11):920-923.
67. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular evolution of kobuviruses in cats. *Arch Virol*, 2015;160(2):537-541.
68. Choi JW, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Genetic characteristics of the complete feline kobuvirus genome. *Virus Genes*, 2015;50(1):52-57.

69. Di Bartolo Ilaria, Angeloni Giorgia, Tofani Silvia, Monini Marina, Ruggeri Franco Maria. Infection of farmed pigs with porcine kobuviruses in Italy. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 160(6):1533-1536. (2015)
70. Jin WJ, Yang Z, Zhao ZP, Wang WY, Yang J, Qin AJ, Yang HC. Genetic characterization of porcine kobuvirus variants identified from healthy piglets in China. *Infection, Genetics and Evolution*, 2015;35:89-95.
71. Ni Y, He K, Mao A, Yu Z, Li B, Guo R, Lu L, Zhu H, Zhou J, Wen L, Zhang X, Wang X, Wang W. Genetic variation analysis of 3D gene and molecular detection of porcine kobuvirus in 2013-2014. *Agricultural Science and Technology*, 2015;16:3:443-446.
72. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.
73. Yang F, Liu X, Zhou Y, Lyu W, Xu S, Xu Z, Zhu L. Histopathology of Porcine kobuvirus in Chinese piglets. *VIROLOGICA SINICA* 30: (5) pp. 396-399. (2015)
74. Otamaru K, Naoi Y, Haga K, Omatsu T, Uto T, Koizumi M, Masuda T, Yamasato H, Takai H, Aoki H, Tsuchiaka S, Sano K, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Furuya T, Shirai J, Katayama K, Mizutani T, Nagai M. Detection of novel kobu-like viruses in Japanese black cattle in Japan. *J Veterinary Medical Science*, 2015; id: 15-0447 DOI: 10.1292/jvms.15-0447

- 48. Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, Reuter G:** A légúti óriássejtes vírus A és B típusának molekuláris kimutatása és epidemiológiája gyermekkori légúti fertőzésekben/Molecular detection and epidemiology of respiratory syncytial virus types A and B in childhood respiratory infections
Orvosi Hetilap, 2009. 150, 121-126.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Függő idéző: 1 Összesen: 3

1. Akhter J, Al Johani S. Epidemiology and diagnosis of human respiratory syncytial virus infections. Resch B. Human respiratory syncytial virus infection. 2011. chapter 8; pp161-176, InTech, Rijeka, Croatia, ISBN: 978-953-307-718-5
2. Yang X, Yang H, Lin R. Etiology of acute viral respiratory infections in children. *Chinese Journal of Infection and Chemotherapy* 13: (4) 275-278 (2013)

- 49. Reuter G, Boldizsár Á, Pankovics P:** Complete nucleotide and amino acid sequences and genetic organization of porcine kobuvirus, member of a new species in genus *Kobuvirus*, family *Picornaviridae*
Archives of Virology, 2009. 154, 101-108.

Impakt faktor: 1,909

Független idéző: 68 Függő idéző: 13 Összesen: 81

1. Greninger AL, Runckel C, Chui CY, Haggerty T, Parsonnet J, Ganem D, De Risi JL: The complete genome of klassevirus - a novel picornavirus in pediatric stool. *Virology Journal*, 2009;6:82.
2. Liu Y, Wimmer E, Paul AV: Cis-acting RNA elements in human and animal plus-strand RNA viruses. *Biochem Biophys-Acta Gene Reg Mechanisms*, 2009;1789:9-10:495-517.
3. Khamrin P, Maneekarn N, Kongkaew A, Kongkaew S, Okitsu S, Ushijima H: Porcine kobuvirus in piglets, Thailand. *Emerg Infect Dis*, 2009;15(12):2075-2076.
4. Alcalá A, Vizzi E, Rodriguez-Diaz J, Zambrano JL, Betancourt W, Liprandi F. Molecular detection and characterization of Aichi viruses in sewage-polluted waters of Venezuela. *Appl Environm Microbiol*, 2010;76(12):4113-4115.
5. Li LL, Victoria JG, Wang CL, Jones M, Fellers GM, Kunz TH, Delwart E. Bat Guano virome: Predominance of dietary viruses from insects and plants plus novel mammalian viruses. *J Virol*, 2010;84(14):6955-6965.
6. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.
7. Khamrin P, Maneekarn N, Hidaka S, Kishikawa S, Ushijima K, Okitsu S, Ushijima H. Molecular detection of kobuvirus sequences in stool samples collected from healthy pigs in Japan. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):950-954.

8. Knowles NJ, Hovi T, Hyypia T, Andrew MQ, Lindberg AM, Pallansch MA, Palmenberg AC, Skern T, Stanway G, Yamashita T, Zell R. Taxonomy of the *Picornaviridae*: expanding the family beyond 12 genera. XVI, Europic Sept 2010, St Andrews, Scotland, Abstract Book H2, pp134.
9. Woo PCY, Lau SKP, Huang Y, Lam CSF, Poon RWS, Tsoi HW, Lee P, Tse H, Chan ASL, Luk G, Chan KH, Yuen KY. Comparative analysis of six genome sequences of three novel picornaviruses, turdiviruses 1, 2 and 3, in dead wild birds, and proposal of two novel genera, Orthoturdivirus and Paraturdivirus, in the family Picornaviridae. *J Gen Virol*, 2010;91:2433-2448.
10. Yu JM, Xu ZQ, Li BW, Zhang Q, Cui SX, Jin M, Duan ZJ. Analysis and characterization of the complete genome of a member of a new species of kobuvirus associated with swine. *Arch Virol*, 2011;156(5):747-751.
11. Willcocks MM, Locker N, Gomwalk Z, Royall E, Bakhshesh M, Belsham GJ, Idamakanti N, Burroughs KD, Reddy PS, Hallenbeck PL, Roberts LO. Structural features of the Seneca Valley virus internal ribosomal entry site (IRES) element: a Picornavirus with a Pestivirus-like IRES. *J Virol*, 2011;85(9):4452-4461.
12. An DJ, Jeoung HY, Jeong W, Lee HS, Park JY, Kim B. Porcine kobuvirus from pig stool in Korea. *Virus Genes*, 2011;42(2):208-211.
13. Park SJ, Kim HK, Song DS, Moon HJ, Park BK. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses in fecal samples collected from diarrheic cattle in Korea. *Infect Genet Evol*, 2011;11(5):1178-1182.
14. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. *Infect Genet Evol*, 2011;11(7):1811-1814.
15. Kapoor A, Simmonds P, Dubovi EJ, Qaisar N, Henriquez JA, Medina J, Shields S, Lipkin WI. Characterization of a homolog of human Aichivirus. *J Virol*, 2011;85(21):11520-11525.
16. Li L, Pesavento PA, Shan T, Leutenegger CM, Wang C, Delwart E. Viruses in diarrhoeic dogs include novel kobuviruses and sapoviruses. *J Gen Virol*, 2011;92(11):2534-2541.
17. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. *Virus Genes*, 2012;44(2):253-257.
18. Wang C, Lan D, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine kobuvirus strain in China. *Arch Virol*, 2012;157(3):573-578.
19. Alexandersen S, Knowles NJ, Dekker A, Belsham GJ, Zhang Z, Koenen F. Picornaviruses. In: *Diseases of Swine* 10th ed. John Wiley and Sons, Hoboken, 2012 Chapter 42, 587-620.
20. Sweeney TR, Dhote V, Yu YP, Hellen CUT. A distinct class of internal ribosomal entry site in members of the Kobuvirus and proposed Salivirus and Paraturdivirus genera of the Picornaviridae. *J Virol*, 2012;86(3):1468-1486.
21. Truszczyński M, Pejsak Z. diarrheal diseases in pigs caused by facultatively pathogenic viruses. *Med Weter*, 2011;68(1):9-14.
22. Jonsson N, Wahlström K, Svensson L, Serrander L, Lindberg AM. Aichi virus infection in elderly people in Sweden. *Arch Virol*, 2012;157(7):1365-1369.
23. Lauber C, Gorbalenya AE. Toward genetics-based virus taxonomy: comparative analysis of a genetics-based classification and the taxonomy of picornaviruses. *J Virol*, 2012;86(7):3905-3915.
24. Di Martino B, Di Profio F, Di Felica E, Ceci C, Pistilli MG, Marsilio F. Molecular detection of bovine kobuviruses in Italy. *Arch Virol*, 2012;157(12):2393-2396.
25. Sauvage V, Gouilh MA, Cheval J, Muth E, Pariente K, Burguiere A, Caro V, Manuguerra JC, Eliot M. A member of a new Picornaviridae genus is shed in pig feces. *J Virol*, 2012;86(18):10036-10046.
26. Lin Y, Xiao S, Zeng Y, Song T, Zeng S, Chen H, Fang L. Complete genome sequence of porcine kobuvirus strain WU1. *J Virol*, 2012;86(12):7010.
27. Lauber C. On the evolution of genetic diversity in RNA virus species: uncovering barriers to genetic divergence and gene length in picorna- and nidoviruses. PhD-Thesis, 2012, Leiden University, The Netherlands.
28. Shen SF, Tang SD, Sun QY. Introduction to porcine kobuvirus infection. *Progress in Veterinary Medicine* 33: (4) 00 (2012) doi: 10.3969/j.issn.1007-5038.2012.01.026
29. Chen RJ, Wu YM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang YS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and evolution analysis of the 3D gene of porcine kobuvirus in Fujian. *Fujian J Agricultural Sciences*, 2012;27(9):941-944.
30. Dai Hong-bo, Li Song, Zhou Yuan-cheng, Zhu Ling, Xu Zhi-wen. Research Advances in the Characteristics and Detection of Kobuviruses. *Chinese Journal of Virology* 28: (5) 591-594 (2012)
31. Sisay Z, Wang Q, Oka T, Saif L. Prevalence and molecular characterization of porcine enteric caliciviruses and first detection of porcine kobuviruses in US swine. *Arch Virol*, 2013;158(7):1583-1588.

32. Verma H, Mor SK, Abdel-Glil M, Goyal SM. Identification and molecular characterization of porcine kobuvirus in U.S. swine. *Virus Genes* 46:(3) 551-553 (2013)
33. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45:1757-1762 DOI: 10.1007/s11250-013-0428-x
34. Shi D, Zhang S, Chen J, Shi H, Zhang X, Feng L. Molecular characterization of a porcine kobuvirus variant strain in China. *Arch Virol*, 2013;158(11):2379-2383.
35. Zhang Q, Hu R, Tang X, Wu C, He Q, Zhao Z, Chen H, Wu B. Occurrence and investigation of enteric viral infections in pigs with diarrhea in China. *Arch Virol* 158: (8) 1631-1636 (2013)
36. Di Martino, Di Felice E, Ceci C, Di Profio F, Marsilio F. Canine kobuviruses in diarrhoeic dogs in Italy. *Vet Microbiol*, 2013;166(1-2):246-249. DOI: 10.1016/j.vetmic.2013.05.007
37. Chung JY, Kim SH, Kim YH, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Detection and genetic characterization of feline kobuvirus. *Virus Genes* 47: 559-562 (2013) doi: 10.1007/s11262-013-0953-8
38. Smits SL, Raj VS, Oduber MD, Schapendonk CME, Bodewes R, Provacia L, Stittelaar KJ, Osterhaus ADME, Haagmans BL. Metagenomic analysis of the ferret fecal viral flora. *PLoS One* 8: (8) Paper e71595. (2013)
39. Chang JT; Chen YS; Chen BC; Chao D; Chang TH. Complete genome sequences of the first Aichi virus isolated in Taiwan. *Genome announcements*. 2013;1(1): doi: 10.1128/genomeA.00107-12
40. Di Martino B, Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F. Molecular detection of Aichi virus raw sewage in Italy. *Arch Virol*, 2013;158(9):2001-2005.
41. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
42. Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F, Di Martino B. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Res Vet Sci*, 2013;95(2):782-785. DOI: 10.1016/j.rvsc.2013.06.020
43. Fan S, Sun H, Ying Y, Gao X, Wang Z, Yu Y, Li Y, Wang T, Yu Z, Yang S, Zhao Y, Qin C, Gao Y, Xia X. Identification and characterization of porcine kobuvirus variant isolated from suckling piglet in Gansu province, china. *Viruses* 5: (10) 2548-2560 (2013)
44. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
45. Yamashita T. Kobuvirus. In: Tidona CA, Darai G (eds): *The Springer Index of Viruses*. 2011, Springer pp.1313-1317.
46. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Robetto S, Di Felice E, Orusa R, Marsilio F. Molecular evidence of kobuviruses in free-ranging red foxes (*Vulpes vulpes*). *Archives of Virology* 159(7):1803-1806 (2014)
47. Chang J, Wang Q, Wang F, Jiang Z, Liu Y, Yu L. Prevalence and genetic diversity of bovine kobuvirus in China. *Archives of Virology* 159(6):1505-1510 (2014).
48. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014).
49. Di Bartolo I, Tofani S, Angeloni G, Ponterio E, Ostanello F, Ruggeri FM. Detection and characterization of porcine caliciviruses in Italy. *Archives of Virology* 159(9):2479-2484 (2014)
50. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38(2):177-182 (2014)
51. Oem JK, Choi JW, Lee MH, Lee KK, Choi KS. Canine kobuvirus infections in Korean dogs. *Archives of Virology* 2014;159(10):2751-2755.
52. Wang XY, Liu N, Wang FM, Ning K, Li YB, Zhang DB. Genetic characterization of a novel duck-origin picornavirus with six 2A proteins. *Journal of General Virology* 95:1289-1296 (2014).
53. Yamashita T, Adachi H, Hirose E, Nakamura N, Ito M, Yasui Y, Kobayashi S, Minagawa H. Molecular detection and nucleotide sequence analysis of a new Aichi virus closely related to canine kobuvirus in sewage samples. *JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY* 63:715-720 (2014)
54. Bodewes R, Ruiz-Gonzalez A, Schapendonk CME, van den Brand JMA, Osterhaus ADME, Smits SL. Viral metagenomic analysis of feces of wild small carnivores. *VIROLOGY JOURNAL* 11: Paper 89. (2014)
55. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Kalesaran AFC, Takanashi S, Shimizu H, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Molecular characterization and sequence analysis of the 2B region of Aichivirus C strains in Japan and Thailand. *INFECTION GENETICS AND EVOLUTION* 26: pp. 89-94. (2014)

56. Decaro N, Martella V, Desario C, Lanave G, Circella E, Cavalli A, Elia G, Camero M, Buonavoglia C. Genomic Characterization of a Circovirus Associated with Fatal Hemorrhagic Enteritis in Dog, Italy. *PLoS ONE* 9: (8) Paper e105909. (2014)
57. Oem JK, Lee MH, Lee KK, An DJ. Novel Kobuvirus species identified from black goat with diarrhea. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 172:(3-4):563-567 (2014)
58. Li XQ, Zhou YC, Ji HW, Xu ZW, Zhu L. One-step reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification assay for sensitive and rapid detection of porcine kobuvirus. *JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS* 207:1-5 (2014)
59. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular evolution of kobuviruses in cats. *Arch Virol*, 2015;160(2):537-541.
60. Choi JW, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Genetic characteristics of the complete feline kobuvirus genome. *Virus Genes*, 2015;50(1):52-57.
61. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
62. Di Martino Barbara, Di Profio Federica, Melegari Irene, Marsilio Fulvio, Martella Vito. Detection of feline kobuviruses in diarrhoeic cats, Italy. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 176(1-2):186-189. (2015)
63. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Di Felice E, Robetto S, Guidetti C, Orusa R, Martella V, Marsilio F. Molecular detection of kobuviruses in European roe deer (*Capreolus capreolus*) in Italy. *Archives of Virology*, 2015;160(8):2083-2086.
64. Di Bartolo Ilaria, Angeloni Giorgia, Tofani Silvia, Monini Marina, Ruggeri Franco Maria. Infection of farmed pigs with porcine kobuviruses in Italy. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 160(6):1533-1536. (2015)
65. Jin WJ, Yang Z, Zhao ZP, Wang WY, Yang J, Qin AJ, Yang HC. Genetic characterization of porcine kobuvirus variants identified from healthy piglets in China. *Infection, Genetics and Evolution*, 2015;35:89-95.
66. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.
67. Yang F, Liu X, Zhou Y, Lyu W, Xu S, Xu Z, Zhu L. Histopathology of Porcine kobuvirus in Chinese piglets. *VIROLOGICA SINICA* 30: (5) pp. 396-399. (2015)
68. Otamaru K, Naoi Y, Haga K, Omatsu T, Uto T, Koizumi M, Masuda T, Yamasato H, Takai H, Aoki H, Tsuchiaka S, Sano K, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Furuya T, Shirai J, Katayama K, Mizutani T, Nagai M. Detection of novel kobu-like viruses in Japanese black cattle in Japan. *J Veterinary Medical Science*, 2015; id: 15-0447 DOI: 10.1292/jvms.15-0447

50. Reuter G, Fodor D, Forgách P, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus molekuláris epidemiológiája hazánkban: endémiás, élelmiszer közvetítette zoonózis

Orvosi Hetilap, 2009. 150(9), 415-421.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Független idéző: 0 Összesen: 2

1. Koutroumpi C, Sevastianos VA, Vryoni G, Tsakris A. Hepatitis E: An emerging infectious disease in Europe. *Archives of Hellenic Medicine* 30: (4) 436-448 (2013)

2. Koutroumpi C, Sevastianos V, Vryoni G, Tsakris A. Hepatitis E: What's new on epidemiology, a review of bibliography. *Acta Microbiologica Hellenica* 58: (1-2) pp. 7-22. (2013)

51. Reuter G. Új, gyorsdiagnosztikus vizsgálati módszer megjelenése és szerepe a norovírus-járványok diagnosztikájában

Epinfo, 2009. 6, 59-60.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

52. Reuter G, Fodor D, Forgách P, Kátai A, Szűcs Gy: Characterization and zoonotic potential of endemic hepatitis E virus (HEV) strains in humans and animals in Hungary

Journal of Clinical Virology, 2009. 44, 277-281.

Impakt faktor: 3,124

Független idéző: 86 Függő idéző: 4 Összesen: 90

1. Adlhoch C, Wolf A, Meisel H, Kaiser M, Ellerbrok H, Pauli G. High HEV presence in four different wild boar populations in East and West Germany. *Vet Microbiol*, 2009;139(3-4):270-278.
2. Teo CG. Much meat, much malady: changing perceptions of the epidemiology of hepatitis E. *Cin Microbiol Infect*, 2009;44(4):277-281.
3. Maione E. Epatite E: una zoonosi emergente. Identificazione e caratterizzazione del virus in allevamenti suinicoli del sud Italia. Témavezető(k): Prof.ssa Teresa Sarli. 245 p. 2009. UNIVERSITA' DEGLI STUDI DI NAPOLI, Italy
4. Takahashi M, Tamura K, Hoshuro Y, Nagashima S, Yazaki Y, Mizuo H, Iwamoto S, Okayama M, Nakamura Y, Kajii E, Okamoto H. A nationwide survey of hepatitis E virus infection in the general population of Japan. *J Med Virol*, 2010;82(2):271-281.
5. Song YJ, Jeong HJ, Kim YJ, Lee SW, Lee JB, Park SY, Song CS, Park HM, Choi IS. Analysis of complete genome sequences of swine hepatitis E virus and possible risk factors for transmission of HEV to human in Korea. *J Med Virol*, 2010;82(4):583-591.
6. Lupulovic D, Lazic S, Prodanov-Radulovic J, de Oya NJ, Escibano-romero E, Saiz JC, Petrovic T. First serological study of hepatitis E virus infection in backyard pigs from Serbia. *Food Environ Virol*, 2010;2(2):110-113.
7. Rutjes SA, Lodder-Verschoof F, Lodder WJ, van der Giessen J, Reesink H, Bouwknegt M, Husman AMD. Seroprevalence and molecular detection of hepatitis E virus in wild boar and red deer in The Netherlands. *J Virol Methods*, 2010;168(1-2):197-206.
8. Pavio N, Mansuy JM. Hepatitis E in high-income countries. *Curr Opin Infect Dis*, 2010;23(5):521-527.
9. Pavio N, Meng XJ, Renou C. Zoonotic hepatitis E: animal reservoirs and emerging risks. *Vet Res*, 2010;41(6):46.
10. Purcell RH, Emerson SU. Hidden Danger: The raw facts about hepatitis E virus. *J Infect Dis*, 2010;202(6):819-821.
11. Ben Ayed Y, Bahri O. Viral hepatitis E: What's the new? *Revue Tunisienne d'Infectiologie*, 2010;4(3):83-87.
12. Breum SQ, Hjulsgaard CK, de Deus N, Segalés J, Larsen LE. Hepatitis E virus is highly prevalent in the Danish pig population. *Vet Microbiol*, 2010;146(12):144-149.
13. Boadella M, Casas M, Martín M, Vicente J, Segalés J, de la Fuente J, Gortázar C. Increasing contact with hepatitis E virus in red deer, Spain. *Emerg Infect Dis*, 2010;16(12):1994-1996.
14. Doyle ME. White paper on effectiveness of existing interventions on virus inactivation in meat and poultry products. *FRI Food Safety Rev.*, 2010.1-35.
15. Echevarría JM, Fogeda M, Avellón A. diagnosis of acute hepatitis E by antibody and molecular testing: A study on 277 suspected cases. *J Clin Virol*, 2011;50(1):69-71.
16. Purdy MA, Khudyakov YE. Evolutionary history and population dynamics of hepatitis E virus. *PLoS ONE*, 2011;5(12):e14376.
17. Widen F, Sundqvist L, Matyi-Toth A, Metreveli G, Belak S, Hallgren G, Norder H. Molecular epidemiology of hepatitis E virus in humans, pigs and wild boars in Sweden. *Epidemiol Infect*, 2011;139(3):361-371.
18. Martin C, Pastoret PP, Brochier B, Humblet MF, Saegerman C. A survey of the transmission of infectious diseases/infections between wild and domestic ungulates in Europe. *Vet Res*, 2011;42, No.70.
19. Geng J, Wang L, Wang X, Fu H, Bu Q, Liu P, Zhu Y, Wang M, Sui Y, Zhuang H. Potential risk of zoonotic transmission from young swine to human: seroepidemiological and genetic characterization of hepatitis E virus in human and various animals in Beijing, China. *J Viral Hep*, 2011;18(10):E583-E590.
20. Okamoto H. Hepatitis E virus cell culture models. *Virus Res*, 2011;161(1):65-77.
21. Miyamura T. Hepatitis E virus infection in developed countries. *Virus Res*, 2011;161(1):40-46.
22. Meng XJ. From barnyard to food table: The omnipresence of hepatitis E virus and risk for zoonotic infection and food safety. *Virus Res*, 2011;161(1):23-30.
23. Purdy MA, Khudyakov YE. The molecular epidemiology of hepatitis E virus infection. *Virus Res*, 2011;161(1):31-39.
24. Bouquet J, Tessé S, Lunazzi A, Eliot M, Rose N, Nicand E, Pavio N. Close similarity between sequences of hepatitis E virus recovered from humans and swine, France, 2008-2009. *Emerg Infect Dis*, 2011;17(11):2018-2025.
25. Nelson KE, Kmush B, Labrique AB. The epidemiology of hepatitis E virus infections in developed countries and among immunocompromised patients. *Exp Rev Anti-Infect Ther*, 2011;9(2):1133-1148.
26. Nakano T, Takahashi K, Pybus OG, Hashimoto N, Kato H, Okano H, Kobayashi M, Fujita N, Shiraki K, Takei Y, Ayada M, Arai M, Okamoto H, Mishiro S. New findings regarding the epidemic

history and population dynamics of Japan-indigenous genotype 3 hepatitis E virus inferred by molecular evolution. *Liver Internat*, 2011;32(4):675-688.

27. Pettersson E. Hepatit E – en zoonos? Sveriges lantbruksuniversitet. PhD-Dissertation, Uppsala, Sweden, 2011.

28. Lupulovic D, Petrovic P, Lazic S, Prodanov-Radulovic J, Dosen R, Pusic I. Seroprevalenca hepatitis E virusne infekcije kod divljih svinja u Srbiji. *Archiv Vet Med*, 2011;4(1):19-29.

29. Bachlein C. Hepatitis E virus in German domestic pigs: occurrence and prevalence. Ph.D. 2011. Hannover, Germany, ISBN 978-3-86345-0, University of Veterinary Medicine, Hannover

30. Verma V. Molecular evaluation of water samples and water treatment protocols with special reference to hepatitis A and hepatitis E viruses. Univerity of Pune, India, 2011, PhD thesis <http://hdl.handle.net/10603/2610>

31. Rodriguez-Lázaro D, Cook N, Ruggeri FM, Sellwood J, Nasser A, Nascimento MSJ, D'Agustino M, Santos R, Saiz JC, Rzezutka A, Bosch A, Girones R, Carducci A, Muscillo M, Kovac K, Diez-Valcarce M, Vantarakis A, von Bonsdorff CH, Husman AMR, Hernandez M, van der Poel W. Virus hazards from food, water and other contaminated environments. *FEMS Microbiol Rev*, 2012; 36(4):786-814.

32. Mirazo S, Ramos N, Arbiza J. Molecular epidemiology of hepatitis E virus (HEV) in South America: current status. *Virus Res*, 2012; pp1-10.

33. Nakano T, Okano H, Kobayashi M, Ito K, Ohmon S, Nomura T, Kato H, Ayada M, Nakano Y, Akachi S, Sugimoto K, Fujita N, Shiraki K, Takei Y, Takahashi M, Okamoto H. Molecular epidemiology and genetic history of European-type genotype 3 hepatitis E virus indigenous in the central region of Japan. *Infect Genet Evol*, 2012;12(7):1524-1534.

34. Vasickova P, Kralik P, Lamka J, Zakovcik V, Bicek J, Cihlar D, Dvorak Z, Lukes D, Machaty J, Piskovsky R, Pavlik I. Prevalence of hepatitis E virus in population of wild animals and the risk factors of foodborne infection associated to venison. *Folia Veterinaria*, 2012;56SI:54-55.

35. Okamoto H. Culture systems for hepatitis E virus. *J Gastroenterol*, 2013;48(2):147-158.

36. Scotto G, Martinelli D, Giammarino A, Prato R, Fazio V. Prevalence of antibodies to hepatitis E virus in immigrants: a seroepidemiological survey in the district of Foggia (Apulia-Southern Italy). *J Med Virol*, 2013;85(2):261-265.

37. Kaba M, Moal V, Gérolami R, Colson P. Epidemiology of mammalian hepatitis e virus infection. *Intervirology* 56;(2):67-83 (2013)

38. Meng X-J. Zoonotic and foodborne transmission of hepatitis e virus. *Seminars in Liver Disease* 33: (1) 41-49 (2013)

39. Oliveira-Filho EF, König M, Thiel H-J. Genetic variability of HEV isolates: Inconsistencies of current classification. *Veterinary Microbiology* 165:(1-2) 148-154 (2013)

40. Wang S, Cheng X, Dai X, Dong C, Xu M, Liang J, Dong M, Purdy MA, Meng J. Rabbit and human hepatitis E virus strains belong to a single serotype. *Virus Res*, 2013;176(1-2):101-106. DOI: 10.1016/j.virusres.2013.05.013

41. Nakano T, Takahashi K, Arai M, Okano H, Kato H, Ayada M, Okamoto H, Mishihiro S. Identification of European-type hepatitis E virus subtype 3e isolates in Japanese wild boars: molecular tracing of HEV from swine to wild boars. *Infect Genet Evol*, 2013;18:287-298. DOI: 10.1016/j.meegid.2013.06.004

42. Lipej Z, Novosel D, Vojta L, Roic B, Simpraga M, Vojta A. Detection and characterisation of hepatitis E virus in naturally infected swine in Croatia. *Acta Vet Hung*, 2013;61(4):517-528.

43. Bouquet J. Genomics of a zoonotic RNA virus: the peculiar case of hepatitis E virus. 2013. Université Pierre et Marie Curie – Paris

44. Kantala T; Oristo S; Heinonen M; von Bonsdorff CH; Maunula L. A longitudinal study revealing hepatitis E virus infection and transmission at a swine test station. *Res Vet Sci*, 2013;95(3):1255-1261.

45. Yugo DM; Meng XJ. Hepatitis E virus: foodborne, waterborne and zoonotic transmission. *Int J Environ Res Public Health*, 2013;10:4507-4533. doi:10.3390/ijerph10104507

46. Scotto G, Bulla F, Campanale F, Tartaglia A, Fazio V. Hepatitis E. *Infezioni in Medicina* 21(3):175-188 (2013)

47. de Filho EFO. Molecular studies on hepatitis E viruses. 2013. Justus-Liebig-Universität Gießen, Institute of Virology, ISBN/ISSN: 978-3-8359-6097-8 Disszertáció/Egyetemi doktor/Tudományos

48. Scotto G, Martinelli D, Centra M, Querques M, Vittorio F, Delli Carri P, Tartaglia A, Campanale F, Buzlla F, Prato R, Fazio V. Epidemiological and clinical features of HEV infection: a survey in the district of Foggia (Apulia, Southern Italy). *Epidemiology and Infection* 142: 287-294 (2014)

49. Krain LJ, Nelson KE, Labrique AB. Host Immune Status and Response to Hepatitis E Virus Infection: 10.1128/CMR.00062-13 *Clin. Microbiol. Rev.* 27: (1) 139-165 (2014)

50. Takahashi M, Okamoto H. Features of hepatitis E virus infection in humans and animals in Japan. *Hepatology Research* 44:43-58 (2014)
51. Takahashia M, Nishizawa T, Nagashima S, Jirintai S, Kawakami M, Sonoda Y, Suzuki T, Yamamoto S, Shigemoto K, Ashida K, Sato Y, Okamoto H. Molecular characterization of a novel hepatitis E virus (HEV) strain obtained from a wild boar in Japan that is highly divergent from the previously recognized HEV strains. *Virus Res* 180: 59-69 (2014)
52. Larska M, Krzysiak MK, Jablonski A, Kesik J, Bednarski M, Rola J. Hepatitis E Virus Antibody Prevalence in Wildlife in Poland. *Zoonoses and Public Health* 62(2):105-110. (2014)
53. Echevarría JM. Autochthonous Hepatitis E Virus Infection in Europe: A Matter of Concern for Public Health? *Journal of Clinical and Translational Hepatology*, 2: (1) pp. 7-14. (2014)
54. Малинникова Елена Юрьевна. Клинико-эпидемиологическая характеристика гепатита Е в Российской Федерации. Тémavezetõ(k): профессор М.И. Михайлов; профессор Л.Ю. Ильченко. Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014. 330 p. 2014. Moszkva, [http://www.crie.ru/pdf/diss2\(malinnikova\).pdf](http://www.crie.ru/pdf/diss2(malinnikova).pdf)
55. Son NR, Seo DJ, Lee MH, Seo S, Wang X, Lee BH, Lee JS, Joo IS, Hwang IG, Choi C. Optimization of the elution buffer and concentration method for detecting hepatitis E virus in swine liver using a nested reverse transcription-polymerase chain reaction and real-time reverse transcription-polymerase chain reaction. *Journal of Virological Methods* 206: pp. 99-104. (2014)
56. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK
57. John R, Dremsek P, Reetz J, Heckel G, Hess M, Ulrich RG. Hepeviridae: An expanding family of vertebrate viruses. *Infection, Genetics and Evolution* 27:212-229. (2014)
58. Petrovic T, Lupulovic D, de Oya NJ, Vojvodic S, Blazquez AB, Escibano-Romero E, Martin-Acebes MA, Potkonjak A, Milosevic V, Lazic S, Saiz JC. Prevalence of hepatitis E virus (HEV) antibodies in Serbian blood donors. *JOURNAL OF INFECTION IN DEVELOPING COUNTRIES* 8: (10):1322-1327 (2014)
59. Echevarria JM. Light and Darkness: Prevalence of Hepatitis E Virus Infection among the General Population. *Scientifica* 2014: Paper 481016. (2014)
60. Zhang Xiao-Xuan, Qin Si-Yuan, Zhang Yuan, Meng Qing-Feng, Jiang Jing, Yang Gui-Lian, Zhao Quan, Zhu Xing-Quan. First Report of Hepatitis E Virus Infection in Sika Deer in China. *BIOMED RESEARCH INTERNATIONAL* Paper 502846. (2015)
61. Scotto Gaetano, Aucella Filippo, Grandaliano Giuseppe, Martinelli Domenico, Querques Mario, Gesuete Antonio, Infante Barbara, Carri Paolo Delli, Massa Salvatore, Salatino Giovanna, Bulla Fabio, Fazio Vincenzina. Hepatitis E in hemodialysis and kidney transplant patients in south-east Italy. *WORLD JOURNAL OF GASTROENTEROLOGY* 21(11):3266-3273. (2015)
62. Lin Jay, Karlsson Marie, Olofson Ann-Sophie, Belak Sandor, Malmsten Jonas, Dalin Anne-Marie, Widen Frederik, Norder Helene. High Prevalence of Hepatitis E Virus in Swedish Moose - A Phylogenetic Characterization and Comparison of the Virus from Different Regions. *PLOS ONE* 10(4) Paper e0122102. (2015)
63. Wilhelm Barbara, Muellner Petra, Pearl David L, Rajic Andrijana, Houde Alain, McEwen Scott A. Preliminary molecular epidemiological investigation of hepatitis E virus sequences from Quebec, Canada. *PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE* 118(4):359-369. (2015)
64. Martinelli N, Pavoni E, Filogari D, Ferrari N, Chiari M, Canelli E, Lombardi G. Hepatitis E virus in wild boar in the Central Northern part of Italy. *Transboundary and Emerg Dis*, 2015;62(2):217-222 DOI: 10.1111/tbed.12118
65. Lapa D, Capobianchi MR, Garbuglia AR. Hepatitis E Virus in Human: The Current Status in Europe. *JOURNAL OF ANTIVIRALS AND ANTIRETROVIRALS* 7(2):26-42. (2015)
66. Prpić J, Černi S, Škorić D, Keros T, Brnić D, Cvetnić Z, Jemeršić L. Distribution and Molecular Characterization of Hepatitis E virus in Domestic Animals and Wildlife in Croatia. *FOOD AND ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 2015;7(3):195-205.
67. Thiry D, Mauroy A, Pavio N, Purdy MA, Rose N, Thiry E, de Oliveira-Filho EF. Hepatitis E virus and related viruses in animals. *Transboundary and Emerging Diseases*. 2015; DOI: 10.1111/tbed.12351
68. Boadella M. Hepatitis E in wild ungulates: A review. *Small Ruminant Research*, 2015;128:64-71. DOI: 10.1016/j.smallrumres.2015.03.007
69. Pavoni E, Barbieri I, Bertasi B, Lombardi G, Cordioli P, Losio MN. Detection and molecular characterization of swine hepatitis E virus in Brescia province, Italy. *Italian Journal of Food Safety*, 2015;4(2) DOI: 10.4081/ijfs.2015.4587
70. Sayed IM, Vercauteren K, Abdewahab SF, Meulerman P. The emergence of hepatitis E virus in Europe. *Future Virology*, 2015;10(6):763-778.

71. Scotto S, Massa S, Bulla F, Martini S, Filippini A, Tartaglia A, Muzio LL, Fazio V. Hepatitis E virus co-infection in HIV-infected patients in Foggia and Naples in southern Italy. *Infectious Diseases*, 2015;47(10):707-713.
72. Černi S, Prpic, Jemersic L, Skoric D. The application of single strand conformation polymorphism (SSCP) analysis in determining Hepatitis E virus intra-host diversity. *Journal of Virological Methods*, 2015;221(1):46-50. doi:10.1016/j.jviromet.2015.04.020
73. Vina-Rodriguez A, Schlosser J, Becher D, Kaden V, Groschup MH, Eiden M. Hepatitis E virus genotype 3 diversity: phylogenetic analysis and presence of subtype 3b in wild boar in Europe. *Viruses*, 2015;7:2704-2726. doi:10.3390/v7052704
74. Kubankova M, Kralik P, Lamka J, Zakovcik V, Dolansky M, Vasickova P. Prevalence of hepatitis E virus in populations of wild animals in comparison with animals bred in game enclosures. *Food and Environmental Virology*, 2015;7(2):159-163. DOI: 10.1007/s12560-015-9189-1
75. Montagnaro S, De Martinis C, Sasso S, Ciarcia R, Damiano S, Auletta L, Iovane V, Zottola T, Pagnini U. Viral and Antibody Prevalence of Hepatitis E in European Wild Boars (*Sus scrofa*) and Hunters at Zoonotic Risk in the Latium Region. *Journal of Comparative Pathology*. 2015; 153(1):1-8.
76. Serracca L, Battistini R, Rossini I, Mignone W, Peletto S, Boin C, Pistone G, Ercolini R, Ercolini C. Molecular Investigation on the Presence of Hepatitis E Virus (HEV) in Wild Game in North-Western Italy. *Food and Environmental Virology*. 2015;7(8):206-212.
77. Lapa D, Capobianchi MR, Garbuglia AR. Epidemiology of hepatitis E virus in European countries. *INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES* 16: (10) pp. 25711-25743. (2015)
78. Labrique AB, Kuniholm MH, Nelson KE. The Global Impact of Hepatitis E: New Horizons for an Emerging Virus. In: *Emerging Infections* 9; Scheld WM, Grayson ML, Hughes JM. (eds) ASM Press, Washington, 2010;9(9):53-93.
79. Cencic A, Chingwaru W. Hepatitis E virus (HEV) – An emerging viral pathogen. In: Magni MV (ed) *Detection of bacteria, viruses, parasites and fungi. Bioterrorism prevention. NATO Science for Peace and Security Series A: Chemistry and Biology*, Springer, 2010, Part3, 261-273.
80. Skopic A, Sjogren MH. Acute viral hepatitis. Chapter 79, In: Hawkey CJ, Bosch J, Richter JE, Garcia-Tsau G, Chan FKL. *Textbook of Clinical Gastroenterology and Hepatology*, 2nd Ed., Wiley-Blackwell, Oxford, UK, 2012. ISBN: 9781405191821
81. Smith JL, Paoli G. Emerging Foodborne Pathogens. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL (szerk.): *OMICS, MICROBIAL MODELING AND TECHNOLOGIES FOR FOODBORNE PATHOGENS*. DEStech Publications, Inc., 2012. pp. 181-231. ISBN: 1605950475
82. Scotto G, Fazio V. Hepatitis E. In: *Practical management of chronic viral hepatitis*. Serviddio G. (ed.), InTech, Chapter 9, pp 199-222. DOI: 10.5772/55568, ISBN: 978-953-51-1109-2
83. Ruggeri FM, Di Bartolo I, Ostanello F, Trevisani M. Hepatitis E virus: An emerging zoonotic and foodborne pathogen. In: *Hepatitis E virus*. New York: Springer New York, 2013. pp. 1-88. ISBN: 978-1-4614-7521-7
84. Pavio, N, Bouquet, J. (2013) 24. ZOO NOTIC HEPATITIS E, In: *Viral Infections and Global Change* (ed S. K. Singh), John Wiley & Sons, Inc, Hoboken, pp 445-465, NJ. doi: 10.1002/9781118297469.ch24
85. Panda SK; Varma SPK. 31. Epidemiology, Experimental Models, and Prevention: Zoonotic Aspects of Hepatitis E. in *Viral Hepatitis, Fourth Edition* (eds H. C. Thomas, A. S.F. Lok, S. A. Locarnini and A. J. Zuckerman), John Wiley & Sons, Ltd, Oxford, UK, 2014 doi: 10.1002/9781118637272.ch31, ISBN: 9780470672952
86. Shankar P, Mishra J, Singh S. Hepatitis A and E in Potable Water: A Threat to Health. In: *Water health*. 2014. pp29-51. Springer India ISBN: 978-81-322-1028-3, DOI: 10.1007/978-81-322-1029-0_3

53. Reuter G, Pankovics P, Egyed L: Molecular detection of genotype 1 and 2 bovine noroviruses in Hungary

Veterinary Record, 2009. 165, 537-538.

Impakt faktor: 1,504

Független idéző: 12 Független idéző: 0 Összesen: 12

1. Yilmaz H, Turan N, Altan E, Bostan K, Yilmaz A, Helps A, Cho KO. First report on the phylogeny of bovine norovirus in Turkey. *Arch Virol*, 2011;156:146-147.
2. Wolf S, Reetz J, Otto P. Genetic characterization of a novel calicivirus from a chicken. *Arch Virol*, 2011;156(7):1143-1150.
3. Di Bartolo I, Ponterio E, Monini M, Ruggeri FM: A pilot survey of bovine norovirus in northern Italy. *Vet Rec*, 2011;169(3):

4. Otto PH, Clarke IN, Lambden PR, Salim O, Reetz J, Lieber-Tenorio EM. Infections of calves with bovine norovirus GIII.1 strain Jena virus: an experimental model to study the pathogenesis of norovirus infection. *J Virol*, 2011;85(22):12013-12021.
5. Mathijs E, Stals A, Baert L, Bottelrood N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A review of known and hypothetical transmission routes for noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012; 4(4):131-152.
6. Hassine-Zaafraane M, Kaplon J, Sdiri-Loulizi K, Aouni Z, Pothier P, Aouni M, Ambert-Balay K. Molecular prevalence of bovine noroviruses and neboviruses detected in central-eastern Tunisia. *Arch Virol*, 2012;157(8):1599-1604.
7. Cho YI. Ecology of calf diarrhea in cow-calf operations. PhD p. 2012. Iowa State University, USA, Paper 12642
8. Cho Y, Han JI, Wang C, Cooper V, Schwartz K, Engelken T, Yoon KJ. Case-control study of microbiological etiology associated with calf diarrhea. *Veterinary Microbiol*, 2013;166(3-4):375-385.
9. Mauroy A, Scipioni A, Mathijs E, Ziani D, Daube G, Thiry E. Genetic and evolutionary perspectives on genogroup III, genotype 2 bovine noroviruses. *Arch Virol* 2014;159(1):39-49.
10. Cho Y, Yoon K. An overview of calf diarrhea - infectious etiology, diagnosis, and intervention. *Journal of Veterinary Science* 15: (1) pp. 1-17. (2014)
11. Di Martino B, Di Profio F, Di Felice E, Melegari I, Ceci C, Mauroy A, Thiry E, Martella V, Marsilio F. Genetic heterogeneity of bovine noroviruses in Italy. *Archives of Virology* 2014;159(10):2717-2722.
12. Di Felice E, Mauroy A, Dal Pozzo F, Thiry D, Ceci C, Di Martino B, Marsilio F, Thiry E. Bovine noroviruses: A missing component of calf diarrhoea diagnosis. *The Veterinary Journal* 000: p. 000. (2016)

54. Reuter G, Egyed L. Bovine kobuvirus in Europe

Emerging Infectious Diseases, 2009. 15, 822-823.

Impakt faktor: 6,794

Független idéző: 28 Független idéző: 5 Összesen: 33

1. Mauroy A, Scipioni A, Mathijs E, Thys C, Thiry E. Molecular detection of kobuviruses and recombinant noroviruses in cattle in continental Europe. *Arch Virol*, 2009;154(11):1841-1845.
2. Li LL, Victoria J, Kapoor A, Blinkova O, Wang CL, Babrzadeh F, Mason CJ, Pandey P, Triki H, Bahri O, Oderinde BS, Baba MM, Bukbuk DN, Besser JM, Bartkus JM, Delwart EL. A novel picornavirus associated with gastroenteritis. *J Virol*, 2009;83(22):12002-12006.
3. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.
4. Khamrin P, Maneekarn N, Hidaka S, Kishikawa S, Ushijima K, Okitsu S, Ushijima H. Molecular detection of kobuvirus sequences in stool samples collected from healthy pigs in Japan. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):950-954.
5. An DJ, Jeoung HY, Jeong W, Lee H, Oem JK. Bovine kobuvirus from cattle in Korea. XVI, European Sept 2010, St Andrews, Scotland, Abstract Book H35, pp167.
6. Day JM, Ballard LL, Duke MV, Scheffler BE, Zsak L. Metagenomic analysis of the turkey gut RNA virus community. *Virol J*, 2010;7,313.
7. Hei-Man L. The detection of picornaviruses in bat in Hong Kong. PhD Thesis. University of Hong Kong, 2010.
8. Jeoung HY, Lim JA, Jeong W, Oem JK, An DJ. Three cluster of bovine kobuvirus isolated in Korea, 2008-2010. *Virus Genes*, 2011;42(3):402-406.
9. Park SJ, Kim HK, Song DS, Moon HJ, Park BK. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses in fecal samples collected from diarrheic cattle in Korea. *Infect Gen Evol*, 2011;11(5):1178-1182.
10. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. *Infect Gene Evol*, 2011;11(7):1811-1814.
11. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. *Virus Genes*, 2011;44(2):253-257.
12. Wang C, Lan D, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine kobuvirus strain in China. *Arch Virol*, 2012;157:3:573-578.

13. Sweeney TR, Dhote V, Yu YP, Hellen CUT. A distinct class of internal ribosomal entry site in members of the Kobuvirus and proposed Salivirus and Paraturdivirus genera of the Picornaviridae. *J Virol*, 2012;86(3):1468-1486.
14. Jonsson N, Wahlström K, Svensson L, Serrander L, Lindberg AM. Aichi virus infection in elderly people in Sweden. *Arch Virol*, 2012;157(7):1365-1369.
15. Di Martino B, Di Profio F, Di Felica E, Ceci C, Pistilli MG, Marsilio F. Molecular detection of bovine kobuviruses in Italy. *Arch Virol*, 2012;157(12):2393-2396.
16. 胡军勇 汤细彪 胡睿铭 刘望宏 倪德斌 吴斌: 猪库布病毒RT—PCR检测方法的建立及湖北省流行病学初步调查. *Journal of Huazhong Agricultural University*, 2012;31(4):485-489.
17. Ju HB, Yang GF, Wang J, Zhou J. 嶂病毒 (Kobuvirus) 研究进展 *Chinese J Prev Vet Med*, 2012;34(12):00.
18. Chen RJ, Wu XM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang XS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and evolution analysis of the 3D gene of porcine kobuvirus in Fujian. *Fujian Journal of Agricultural Sciences*, 2012;27(9):S852.
19. Dai Hong-bo, Li Song, Zhou Yuan-cheng, Zhu Ling, Xu Zhi-wen. Research Advances in the Characteristics and Detection of Kobuviruses. *Chinese Journal of Virology* 28:(5) 591-594 (2012)
20. Verma H, Mor SK, Abdel-Glil M, Goyal SM. Identification and molecular characterization of porcine kobuvirus in U.S. swine. *Virus Genes* 46:(3) 551-553 (2013)
21. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013; 45:1757-1762.
22. Chung JY, Kim SH, Kim YH, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Detection and genetic characterization of feline kobuvirus. *Virus Genes* 47:559-562 (2013)
23. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
24. Chang J, Wang Q, Wang F, Jiang Z, Liu Y, Yu L. Prevalence and genetic diversity of bovine kobuvirus in China. *Archives of Virology* 159(6):1505-1510 (2014).
25. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014).
26. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38(2):177-182 (2014)
27. Yamashita T, Adachi H, Hirose E, Nakamura N, Ito M, Yasui Y, Kobayashi S, Minagawa H. Molecular detection and nucleotide sequence analysis of a new Aichi virus closely related to canine kobuvirus in sewage samples. *JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY* 63: pp. 715-720. (2014)
28. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.

55. Reuter G, Boldizsár Á, Kiss I, Kecskeméti S, Pankovics P: Sertés kobuvírus: egy új vírusfaj leírása a *Picornaviridae* család *Kobuvirus* nemzetségében *Magyar Állatorvosok Lapja*, 2009. 131, 459-461.

Impakt faktor: 0,2

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

56. Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, Reuter G: Detection and molecular epidemiology of respiratory syncytial virus type A and B strains in childhood respiratory infections in Hungary *Clinical and Experimental Medical Journal*, 2009. 3, 87-97.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 1 Összesen: 1

57. Siebenga J, Vennema H, Zheng DP, Vinjé J, Lee B, Pang X-L, Ho E, Lim W, Choudekar A, Broor S, Helperin T, Banu N, Hewitt J, Greening G, Miao J, Duan Z-J, Lucero Y, O’Ryan M, Hoehne M, Schreier E, Ratcliff R, White P, Iritani N, Reuter G,

Koopmans M: Norovirus illness is a global problem: emergence and spread of norovirus GII.4 variants, 2001-2007

Journal of Infectious Diseases, 2009. 200, 802-812.

Impakt faktor: 5,865

Független idéző: 264 Fügő idéző: 54 Összesen: 318

1. Janz B. Gastroenteritiden: Eine epidemiologische Beobachtungsstudies im Zeitraum 2000-2008. PhD Dissertation, 2009
2. Grönroos H. Norovirus sairaalaympäristössä. Benyújtás éve: 2009. Védés éve: 2009. 23 p. 2009. University of Helsinki, Helsinki, Finland
3. Belliot G, Kamel AH, Estienney M, Ambert-Balay K, Pothier P. Evidence of emergence of new GII.4 variants from gastroenteritis outbreak survey in France during the 2007-to-2008 and 2008-to-2009 winter seasons. *J Clin Microbiol*, 2010;48(3):994-998.
4. Bailey D, Karakasiliotis I, Vahist S, Chung LMW, Reese J, McFadden N, Benson A, Yarovinsky F, Simmonds P, Goodfellow I. Functional analysis of RNA structures present at the 3' extremity of the murine norovirus genome: the variable polypyrimidine tract plays a role in viral virulence. *J Virol*, 2010;84(6):2859-2870.
5. Hoffmann D, Seebach J, Foley BT, Frosner G, Nadas K, Protzer U, Schatzl HM. Isolated norovirus GII.7 strain within an extended GII.4 outbreak. *J Med Virol*, 2010;82(6):1058-1064.
6. Su XW, Howell AB, D'Souza DH. The effect of cranberry juice and cranberry proanthocyanidins on the infectivity of human enteric viral surrogates. *Food Microbiol*, 2010;27(4):535-540.
7. Koppisetty CAK, Nasir W, Strino F, Rydell GE, Larson G, Nyholm PG. Computational studies on the interaction of ABO-active saccharides with the norovirus VA387 capsid protein can explain experimental binding data. *J Comp-Aided Mol Des*, 2010;24(5):423-431.
8. Ajami N, Koo H, Darkoh C, Atmar RL, Okhuysen PC, Jiang ZD, Flores J, DuPont HL. Characterization of norovirus-associated traveler's diarrhea. *Clin Infect Dis*, 2010;51(2):123-130.
9. Ferreira MSR, Victoria M, Carvalho-Costa FA, Vieira CB, Xavier MPTP, Fioretti JM, Andrade J, Volotao EM, Rocha M, Leite JPG, Miagostovich MP. Surveillance of norovirus infection in the State of Rio De Janeiro, Brazil 2005-2008. *J Med Virol*, 2010;82(8):1442-1448.
10. Motomura K, Yokoyama M, Ode H, Nakamura H, Mori H, Kanda T, Oka T, Katayama K, Noda M, Tanaka T, Takeda N, Sato H. Divergent evolution of norovirus GII/4 by genome recombination from May 2006 to February 2009 in Japan. *J Virol*, 2010;84(16):8085-8097.
11. Karst SM. Pathogenesis of noroviruses, emerging RNA viruses. *Viruses-Basel*, 2010;2(3):748-781.
12. Maalouf H, Zakhour M, Le Pendu J, Le Saux JC, Atmar RL, Le Guyader FS. Distribution in tissue and seasonal variation of norovirus genogroup I and II ligands in oysters. *Appl Environ Microbiol*, 2010;76(16):5621-5630.
13. Maalouf H, Pommepuy M, Le Guyader FS. Environmental conditions leading to shellfish contamination and related outbreaks. *Food Environ Virol*, 2010;2(3):136-145.
14. Atmar. Noroviruses: state of the art. *Food Environ Virol*, 2010;2(3):117-126.
15. Su XW, Zivanovic S, D'Souza DH. Inactivation of human enteric virus surrogates by high-intensity ultrasound. *Foodborne Path Dis*, 2010;7(9):1055-1061.
16. Bucardo F, Nordgren J, Carlsson B, Kindberg E, Paniagua M, Molby R, Svensson L. asymptomatic norovirus infections in Nicaraguan children and its association with viral properties and hist-blood group antigens. *Ped Infect Dis J*, 2010;29(10):934-939.
17. Zakhour M, Maalouf H, Di Bartolo I, Haugarreau L, Le Guyader FS, Ruvoen-Clouet N, Le Saux JC, Ruggeri FM, Pommepuy M, Le Pendu J. Bovine norovirus: carbohydrate ligand, environmental contamination, and potential cross-species transmission via oysters. *Appl Environ Microbiol*, 2010;76(19):6404-6411.
18. Su XW, Howell AB, D'Souza DH. Antiviral effects of cranberry juice and cranberry proanthocyanids on foodborne viral surrogates – A time dependence study in vitro. *Food Microbiol*, 2010;27(8):985-991.
19. Spackova M, Altmann D, Eckmanns T, Kock J, Krause G. High level of gastrointestinal nosocomial infections in the German surveillance system, 2002-2008. *Infect C Hosp Epidemiol*, 2010;31(12):1273-1278.
20. Rahman M, Hassan Z, Nahar Z, Faruque ASG, van Ranst M, Rahman SR, Azim T. Molecular detection of noroviruses in hospitalized patients in Bangladesh. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*, 2010;29(8):937-945.

21. Gutiérrez-Escolano AI, Velázquez FR, Escobar-Herrera J, Saucedo CL, Torres J, Estrada-García T. Human caliciviruses detected in Mexican children admitted to hospital during 1998-2000, with severe acute gastroenteritis not due to other enteropathogens. *J Med Virol*, 2010;82(4):632-637.
22. Mans J, de Villiers JC, du Plessis NM, Avenant T, Taylor MB. Emerging norovirus GII.42008 variant detected in hospitalised paediatric patients in South Africa. *J Clin Virol*, 2010;49(4):258-264.
23. Boore A, Herman KM, Perez AS, Chen CC, Cole DJ, Mahon BE, Griffin PM, Williams IT. Surveillance for foodborne disease outbreaks – United States, 2007. *MMWR*, 2010;59(31):973-979.
24. Su XW, Sangster MY, D'Souza DH. In vitro effects of pomegranate juice and pomegranate polyphenols on foodborne viral surrogates. *Foodborne Path Dis*, 2010;7(12):1473-1479.
25. Koo HL, Ajami N, Atmar RL, DuPont HL. Noroviruses: the leading cause of gastroenteritis worldwide. *Discovery Medicine*. 2010;10(50):61-70.
26. Anonymus. Surveillance for foodborne disease outbreaks - United States, 2007. Morbidity and Mortality Weekly Report 59: (31) 973-979 (2010)
27. Apelt N. Prevalenz von Norovirusinfektionen bei reiserückkehrern mit und ohne Durchfallerkrankungen. PhD-Dissertation, 2010.
28. Fukuda S, Shigemoto N, Tanizawa Y. Norovirus GII.4 subtypes in Hiroshima Prefecture, Japan. Hiroshima Prefectural Institute of Technology Institute of Public Health and Environment Research report 18:15-19 (2010)
29. Wang R, Peng L, Lin S, Wang W. Characterization of Molecular Epidemiology of Norovirus Infection in Infants. *Tianjin Pharmaceutical* 38: (11) 963-966 (2010)
30. Nurminen K, Blazevic V, Huhti L, RaSaNen S, Koho T, Hytonen VP, Vesikari T. Prevalence of norovirus GII-4 antibodies in Finnish children. *J Med Virol*, 2011;83(3):525-531.
31. Kittigul L, Pombubpa K, Sukothalux S, Rattanatham T, Utrarachkij F. Noroviruses in oysters from local markets and oyster farms in Southern Thailand. *Southeast Asian J Trop Med Pub Health*, 2011;42(1):105-113.
32. Verhoef L. Identifying international foodborne norovirus outbreak events. PhD Thesis. 2011. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
33. Liu PB, Macinga DR, Fernandez ML, Zapka C, Hsiao HM, Berger B, Arbogast JW, Moe CL. Comparison of the activity of alcohol-based handrubs against human noroviruses using the fingerpad method and quantitative real-time PCR. *Food Environ Virol*, 2011;3(1):35-42.
34. de Rougemont A, Ruvoen-Clouet N, Simon B, Estienne M, Elie-Caille C, Aho S, Pothier P, Le Pendu J, Boireau W, Belliot G. Qualitative and quantitative analysis of the binding of GII.4 norovirus variants onto human blood group antigens. *J Virol*, 2011;85(9):4057-4070.
35. Blaney DD, Daly ER, Kirkland KB, Tongren JE, Kelso PT, Talbot EA. Use of alcohol-based hand sanitizers as a risk factor for norovirus outbreaks in long-term care facilities in northern New England: December 2006 to March 2007. *Am J Infect Cont*, 2011;39(4):296-301.
36. Marshall JA, Bruggink LD. The dynamics of norovirus outbreak epidemics: recent insights. *Intern J Environm Res Pub Health*, 2011;8(4):1141-1149.
37. Maalouf H, Schaeffer J, Parnaudeau S, Le Pendu J, Atmar RL, Crawford SE, Le Guyader FS. Strain-dependent norovirus bioaccumulation in oysters. *Appl Environm Microbiol*, 2011;77(10):3189-3196.
38. Mattison K. Norovirus as a foodborne disease hazard. *Adv Food Nutr Res*, 2011;62:1-39.
39. Cheng VCC, Wong LMW, Tai JWM, Chan JFW, To KKW, Li IWS, Hung IFN, Chan KH, Ho PL, Yuen KY. Prevention of nosocomial transmission of norovirus by strategic infection control measures. *Infect Contr Hosp Epidemiol*, 2011;32(3):229-237.
40. Kirby A, Al-Eryani A, Al-Sonboli N, Hafiz T, Beyer M, AlAghbari N, Al-Moheri N, Dove W, Cunliffe NA, Cuevas LE. Rotavirus and norovirus infections in children in Sana's Yemen. *Trop Med Internat Health*, 2011;16(6):680-684.
41. Maunula L, von Bonsdorff CH. Human norovirus infection: surveillance and source tracking. *Future Virol*, 2011;6(4):431-438.
42. Su XW, D'Souza DH. Trisodium phosphate for foodborne virus reduction on produce. *Foodborne Path Dis*, 2011;8(6):713-717.
43. Higgins PDR, Johnson LA, Sauder K, Moons D, Blanco L, Taube S, Wobus CE. Transient or persistent norovirus infection does not alter the pathology of *Salmonella typhimurium* induced intestinal inflammation and fibrosis in mice. *Comp Immunol Microbiol Infect Dis*, 2011;34(3):247-257.
44. Nowak P, Topping JR, Fotheingham V, Gallimore CI, Gray JJ, Iturriza-Gomara M, Knight AI. Measurement of the virolysis of human GII.4 norovirus in response to disinfectants and sanitisers. *J Virol Methods*, 2011;174(1-2):7-11.

45. Zhang S, Chen TH, Wang J, Dong C, Pan J, Moe C, Chen W, Yang L, Wang X, Tang H, Li X, Liu P. Symptomatic and asymptomatic infections of rotavirus, norovirus, and adenovirus among hospitalized children in Xi'an, China. *J Med Virol*, 2011;83(8):1476-1484.
46. Kremer JR, Langlet J, Skraber S, Weicherding P, Weber B, Cauchie HM, de Landtsheer S, Muller CP, Hoffmann L, Mossong J. Genetic diversity of noroviruses from outbreaks, sporadic cases and wastewater in Luxembourg 2008-2009. *Clin Microbiol Infect*, 2011;17(8):1173-1176.
47. Cancio-Lonches C, Yocupicio-Monroy M, Sandoval-Jaime C, Galvan-Mendoza I, Urena L, Vashist S, Goodfellow I, Salas-Benito J, Gutierrez-Escolano AL. Nucleolin interacts with the feline calicivirus 3' untranslated region and the protease-polymarase NS6 and NS7 proteins, playing a role in virus replication. *J Virol*, 2011;85(16):8056-8068.
48. Tan M, Jiang X. Norovirus-host interaction: multi-selections by human histo-blood group antigens. *Trend sin Microbiol*, 2011;19(8):382-388.
49. Nagata S, Asahara T, Ohta T, Yamada T, Kondo S, Bian L, Wang CX, Yamashiro Y, Nomoto K. Effect of the continuous intake of probiotic-fermented milk containing *Lactobacillus casei* strain Shirota on fever in a mass outbreak of norovirus gastroenteritis and the faecal microflora in a health service facility for the aged. *British J Nutr*, 2011;106(4):549-556.
50. Boon D, Mahar JE, Abente EJ, Kirkwood CD, Purcell RH, Kapikian AZ, Green KY, Bok K. Comparative evolution of GII.3 and GII.4 norovirus over a 31-year period. *J Virol*, 2011;85(17):8656-8666.
51. Shanker S, Choi JM, Sankaran B, Atmar RL, Estes MK, Prasad BVV. Structural analysis of histo-blood group antigen binding specificity in a norovirus GII.4 epidemic variant: implications for epochal evolution. *J Virol*, 2011;85(17):8635-8645.
52. Park Y, Cho YH, Ko G. A duplex real-time RT-PCR assay for the simultaneous genogroup-specific detection of noroviruses in both clinical and environmental specimens. *Virus Genes*, 2011;43(2):192-200.
53. Lopman B. Air sickness: vomiting and environmental transmission of norovirus on aircraft. *Clin Infect Dis*, 2011;53(6):521-522.
54. Zeng M, Gong ZX, Zhang YX, Zhu QR, Wang XH. Prevalence and genetic diversity of norovirus in outpatient children with acute diarrhea in Shanghai, China. *J J Infect Dis*, 2011;64(5):417-422.
55. Abugalia M, Cuevas L, Kirby A, Dove W, Nakagomi O, Nakagomi T, Kara M, Gweder R, Smeo M, Cunliffe N. Clinical features and molecular epidemiology of rotavirus and norovirus infections in Libyan children. *J Med Virol*, 2011;83(10):1849-1856.
56. Puustinen L, Blazevic V, Salminen M, Hamalainen M, Rasanen S, Vesikari T. Noroviruses as a major casue of acute gastroenteritis in children in Finland, 2009-2010. *Scand J Infect Dis*, 2011;43(10):804-808.
57. Bucardo F, Lindgren PE, Svensson L, Nordgren J. Low prevalence of rotavirus and hgh prevalence of norovirus in hospital and community wastewater after introduction of rotavirus vaccine in Nicaragua. *PLoS One*, 2011;6(10):e25962.
58. Su XW, Sangster MY, D'Souza DH. Time-dependent effects of pomegranate jouce and pomegranate polyphenols on foodborne viral reduction. *Foodborne Path Dis*, 2011;8(11):1177-1183.
59. Mahar JE, Kirkwood CD. Characterization of norovirus strains in Australian children from 2006 to 2008: prevalence of recombinant strains. *J Med Virol*, 2011;83(12):2213-2219.
60. Rydell GE, Kindberg E, Larson G, Svensson L. Susceptibility to winter vomiting disease: a sweet matter. *Rev Med Virol*, 2011;21(6):370-382.
61. D'Souza DH, Su XW, Harte F. Comparison of reduction in foodborne viral surrogates by high pressure homogenizatuon. *J Food Prot*, 2011;74(11):1840-1846.
62. Bigoraj E, Chrobocinska M, Kwit E. Genetic diversity and recombination of noroviruses. *Med Weteryn*, 2011;67(13):802-807.
63. Zeng M, Xu XH, Zhu CM, Chen J, Zhu QR, Lin SX, Jie YY, Shu XL. Clinical and molecular epidemiology of norovirus infection in childhood diarrhea in China. *J Med Virol*, 2011;84(1):145-151.
64. Nowak P, Topping JR, Bellamy K, Fotheringham V, Gray JJ, Golding JP, Wiseman G, Knight AI. Virolysis of feline calicivirus and human GII.4 norovirus following chlorine exposure under standarized light soil disinfection conditions. *J Food Prot*, 2011;74(12):2113-2118.
65. Baert L, Mattison K, Loisy-Hamon F, Harlow J, Martyres A, Lebeau B, Stals A, van Coillie E, Herman L, Uyttenaele M. Review: norovirus prevalence in Belgian, Canadian and French fresh produce: A threat to human health? *Intern J Food Microbiol*, 2011;151(3):261-269.
66. Fioretti JM, Ferreira MSR, Victoria M, Vieira CB, Xavier MDTP, Leite JPG, Miagostovich MP. Genetic diversity of noroviruses in Brazil. *Mem Inst Osw Cruz*, 2011;106(8):942-947.

67. Fernandez MDB, Torres C, Martinez LC, Giordano MO, Masachessi G, Barril PA, Isa MB, Campos RH, Nates SV, Mbayed VA. Genetic and evolutionary characterization of norovirus from sewage and surface waters in Cordoba City, Argentina. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1631-1637.
68. MacCannell T, Umscheid CA, Agarwal RK, Lee I, Kuntz G, Stevenson KB. guideline for the prevention and control of norovirus gastroenteritis outbreaks in healthcare settings. *Infect Contr Hosp epidemiol*, 2011;32(10):939-969.
69. Rasanen S, Lappalainen S, Salminen M, Huhti L, Vesikari T. Noroviruses in children seen in a hospital for acute gastroenteritis in Finland. *Eur J Ped*, 2011;170(11):1413-1418.
70. Choi H, Choi YB, Hwang J-Y, Cheon D-S, Jeong HS, Choe YH, Yoo KH, Sung KW, Koo HH, Kim Y-J. Clinical manifestations of norovirus infection in korean pediatric cancer patients. *Korean Journal of Pediatric Infectious Diseases* 18: (1) 40-47 (2011)
71. Wang Q. Fate of viruses following preparation of fresh produce with kitchen utensils. Témavezető(k): Jennifer Cannon. Benyújtás éve: 2011. Védés éve: 2011. 111 p. 2011. MSc, University of Georgia, Athens, Georgia, USA
72. de Rougemont A. Rôle des antigènes tissulaires de groupes sanguins humains A, B, H et Lewis dans l'évolution des norovirus GII.4. Témavezető(k): Pierre Pothier. Benyújtás éve: 2011. 174 p. 2011. UNIVERSITÉ DE BOURGOGNE, France
73. Tamminen K, Huhti L, Koho T, Lappalainen S, Hytonen VP, Vesikari T, Blazevic V. A comparison of immunogenicity of norovirus GII.4 virus-like particles and P-particles. *Immunol*, 2012;135(1):89-99.
74. Koho T, Huhti L, Blazevic V, Nurminen K, Butcher SJ, Laurinmaki P, Kalkkinen N, Ronnholm G, Vesikari T, Hytonen VP, Kulomaa MS. Production and characterization of virus-like particles and the P domain protein of GII.4 norovirus. *J Virol Meth*, 2012;179(1):1-7.
75. Chang KO, Takahashi D, Prakash O, Kim Y. Characterization and inhibition of norovirus proteases of genogroups I and II using a fluorescence resonance energy transfer assay. *Virology*, 2012;423(2):125-133.
76. Thouillot F, Delhostal C, Edel C, Bettinger A, Pothier P, Ambert-Balay K, Meffire C, Alsbaï S. Gastroenteritis outbreaks in elderly homes in the east of France during winter 2009/10: aetiology research for a series of 37 outbreaks. *Eurosurv*. 2012;17(9):12-16.
77. Bigoraj E, Chrobocinska M, Kwit E. Norovirus contamination of bivalve molluscs as a cause of gastroenteritis. *Med Wet*, 2012;68:210-213.
78. Lam TTY, Zhu HC, Smith DK, Guan Y, Holmes EC, Pybus OG. The recombinant origin of emerging human norovirus GII.4/2008: intra-genotypic exchange of the capsid P2 domain. *J Gen Virol*, 2012;93:817-822.
79. Geginat G, Kaiser D, Schrempf S. Evaluation of third-generation ELISA and a rapid immunochromatographic assay for the detection of norovirus infection in fecal samples from inpatients of a German tertiary care hospital. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*, 2012;31(5):733-737.
80. Pinto P, Wang QH, Chen N, Dubovi EJ, Daniels JB, Millward LM, Bounavoglia C, Martella V, Saif LJ. Discovery and genomic characterization of norovirus from a gastroenteritis outbreak in domestic cats in the US. *PLoS One*, 2012;7(2):e32739.
81. Perez-Sautu U, Sano D, Guix S, Kasimir G, Pinto RM, Bosch A. human norovirus occurrence and diversity in the Llobregat river catchment, Spain. *Environ Microbiol*, 2012;14(2):494-502.
82. Richards GP. Critical review of norovirus surrogates in food safety research: rationale for considering volunteer studies. *Food Environm Virol*, 2012;4(1):6-13.
83. Ferreira MSR, Xavier MDTP, Tinga ACD, Rose TL, Fumian Tm, Fialho AM, de Assis RM, Costa FAC, de Oliveira SA, Leite JPG, Miagostovich MP. Assessment of gastroenteric viruses frequency in a children's day care center in Rio de Janeiro, Brazil: a fifteen year study (1994-2008). *PLoS One*, 2012;7(3):e33754.
84. Pombubpa K, Kittigul L. Assessment of a rapid immunochromatographic test for the diagnosis of norovirus gastroenteritis. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*, 2012;31(9):2379-2383.
85. Wick J. Norovirus: noxious in nursing facilities-almost unavoidable. *The Consultant Pharmacist*. 2012;27(2):98-104.
86. Parra GI, Bok K, Taylor R, Haynes JR, Sosnovtsev SV, Richardson C, Green KY. Immunogenicity and specificity of norovirus consensus GII.4 virus-like particles in monovalent and bivalent vaccine formulations. *Vaccine*, 2012;30(24):3580-3586.
87. Morillo SG, Luchs A, Cilli A, Tiementsky MCAT. Rapid detection of norovirus in naturally contaminated food: foodborne gastroenteritis outbreak on a cruise ship in Brazil, 2010. *Food Environm Virol*, 2012;4(3):124-128.
88. Ahmed SF, Klena JD, Mostafa M, Dogantemur J, Middleton T, Hanson J, Sebeny PJ. Viral gastroenteritis associated with genogroup II norovirus among U.S. Military personnel in turkey, 2009. *PLoS One*, 2012;7(5):e35791.

89. Mathijs E, Stals A, Baert L, Bottelroorn N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A review of known and hypothetical transmission routes for noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012;4(4):131-152.
90. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, O'Flaherty V, Doré W. Characterization of norovirus contamination in an Irish shellfishery using real-time RT-qPCR and sequencing analysis. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):105-112.
91. Eden J-S. The evolutionary dynamics of norovirus. PhD-Thesis, University of New South Wales UNSW, Australia, 2012
92. Gómez-Santiago F, Ribas-Aparico RM, Garcia-Lozano H. Molecular characterization of human calicivirus associated with acute diarrheal disease in mexican children. *Virol J*, 2012;9:54.
93. Su XW, D'Souza DH, Inactivation of human norovirus surrogates by...*Foodborne Pathogens and Dis*, 2012;9(9):829-834.
94. Shionoiri N, Sato T, Fujimori Y, Nakayama T, Nemoto M, Matsunaga T, Tanaka T. Investigation of the antiviral properties of copper iodide nanoparticles against feline calicivirus. *J Biosci Bioeng*, 2012;113(5):590-586.
95. Mesquita JR, Nascimento MSJ. Molecular epidemiology of canine norovirus in dogs from Portugal, 2007-2011. *BMC Vet Res*, 2012;8:107.
96. Japhet MO, Adesina OA, Famurewa O, Svensson L, Nordgren J. Molecular epidemiology of rotavirus and norovirus in Ile-Ile, Nigeria. *J Med Virol*, 2012;84(9):1489-1496.
97. Parra GI, Abente EJ, Sandoval-Jaime C, Sosnovtsev SV, Bok K, Green KY. Multiple Antigenic Sites Are Involved in Blocking the Interaction of GII.4 Norovirus Capsid with ABH Histo-Blood Group Antigens. *J Virol*, 2012;86(13):7414-7426.
98. Yassin MA, Kirby A, Mengistu AA, Arbide I, Dove W, Beyer M, Cunliffe NA, Cuevas LE. Unusual norovirus and rotavirus genotypes in Ethiopia. *PAEDIATRICS Int CHILD HEALTH*, 2012;32(1):51-55.
99. Park K, Yeo S, Jeong H, Baek K, Kim D, Shin M, Song J, Lee S, Choi Y, Park J, Cho S, Cheon D. Updates on the genetic variations of Norovirus in sporadic gastroenteritis in Chungnam Korea, 2009-2010. *Virol J*, 2012;9:Paper 29.
100. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, O'Flaherty V, Dore W. Characterisation of norovirus contamination in an Irish shellfishery using real-time RT-qPCR and sequencing analysis. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):105-112.
101. Fernandez MDB, Torres C, Poma HR, Riviello-Lopez G, Martinez LC, Cisterna DM, Rajal VB, Nates SV, Mbayed VA. Environmental surveillance of norovirus in Argentina revealed distinct viral diversity patterns, seasonality and spatio-temporal diffusion processes. *Sci Total Environ*, 2012;437:262-269.
102. McAllister G, Holmes A, Garcia L, Cameron F, Cloy K, Danial J, Cepeda JA, Simmonds P, Templeton KE. Molecular epidemiology of norovirus in Edinburgh healthcare facilities, Scotland 2007-2011. *Epidemiol Infect*, 2012;140(12):2273-2281.
103. Ferreira MSR, Garcia RCC, Xavier MPTP, Ribeiro RL, Assis RM, Mota MCMS, Leite JPG, Miagostovich MP, de Oliveira SA. Genotyping of gastroenteric viruses in hospitalised children: First report of norovirus GII.21 in Brazil. *Memorias do Instituto Oswaldo Cruz* 107: (8) 1064-1067 (2012)
104. Seo SY, Jung IA, Kim JH, Cho KS, Bin JH, Kim HH, Lee HJ, Lee W. Prevalence of viruses with diarrhea among hospitalized children west Gyeonggi Province *Korean Journal of Pediatric Infectious Diseases* 19: (1) 28-36 (2012)
105. Richards GP, Watson MA, Meade GK, Hovan GL, Kingsley DH. Resilience of Norovirus GII.4 to Freezing and Thawing: Implications for Virus Infectivity. *Food Environm Virol*, 2012;4(4):192-197.
106. Horm KM, Davidson PM, Harte FM, D'Souza DH. Survival and Inactivation of Human Norovirus Surrogates in Blueberry Juice by High-Pressure Homogenization. *Food Path Dis*, 2012;9(11):974-979.
107. Li XL, Li DD, Cheng WX, Xie GC, Gao XQ, Kong GP, Jin Y, Duan ZJ. Molecular and epidemiological study on among children under 5 years old in Nanjing. *Chinese Journal of Experimental and Clinical Virology* 26: (1) R512.5 (2012)
108. Cuelho AL. ANÁLISIS DE VIRUS ENTÉRICOS EN PLANTAS. 2012. Universidad de la República Facultad de Ciencias, Licenciatura en Ciencias Biológicas, Profundización en Microbiología
109. Carlsson B. Human Caliciviruses: a study of viral evolution, host genetics and disease susceptibility. Témavezetö(k): Svennsson Lennart. Benyújtás éve: 2012. Védés éve: 2012. 77 p. 2012. Linköping University, Faculty of Health Sciences, Linköping, Sweden
110. Cheng VCC. Proactive infection control measures. Benyújtás éve: 2012. Védés éve: 2012. 2012. The University of Hong Kong (Pokfulam, Hong Kong)

111. Tran TNH, Trainor E, Nakagomi T, Cunliffe NA, Nakagomi O. Molecular epidemiology of noroviruses associated with acute sporadic gastroenteritis in children: global distribution of genogroups, genotypes and GII.4 variants. *J Clin Virol*, 2013;56:185-189.
112. Zhou DQ, Ma LP, Zhao F, Yao L, Su LJ, Li XG. An efficient method of noroviruses recovery from oysters and clams. *JOURNAL OF OCEAN UNIVERSITY OF CHINA* 12: (1) 85-90 (2013)
113. Mans J, Netshikweta R, Magwalivha M, Van Zyl WB, Taylor MB. Diverse norovirus genotypes identified in sewage-polluted river water in South Africa. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 2013;141(2):303-313.
114. Donia D, Cenko F, Divizia M. Molecular characterization of norovirus GII strains identified in Albania. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 2013;85(4):731-736.
115. Aragao GC, Mascarenhas JDP, Kaiano JHL, de Lucena MSS, Siqueira JAM, Fumian TM, Hernandez JD, de Oliveira CS, Oliveira DD, Araujo ED, Soares LD, Linhares AC, Gabbay YB. Norovirus Diversity in Diarrheic Children from an African-Descendant Settlement in Belem, Northern Brazil. *PLoS ONE* 2013;8(2) Paper e56608.
116. Ruvoën N, Le Pendu J. Genetic susceptibility to norovirus infection. *Pathologie Biologie* 61: (1) 28-35 (2013)
117. Tamminen K, Huhti L, Vesikari T, Blazevic V. Pre-existing immunity to norovirus GII-4 virus-like particles does not impair de novo immune responses to norovirus GII-12 genotype. *Viral Immunology* 26: (2) 167-170 (2013)
118. Vongpunsawad S, Venkataram Prasad BV, Estes KM. Norwalk virus minor capsid protein VP2 associates within the VP1 shell domain. *Journal of Virology* 87:(9) 4818-4825 (2013)
119. Hassine-Zafrane M, Sdiri-Loulizi K, Kaplon J, Salem IB, Pothier P, Aouni M, Ambert-Balay K. Prevalence and genetic diversity of norovirus infection in Tunisian children (2007-2010). *Journal of Medical Virology* 85:(6) 1100-1110 (2013)
120. Thongprachum A, Khamrin P, Chan-It W, Malasao R, Chaimongkol N, Okitsu S, Mizuguchi M, Maneekarn N, Hayakawa S, Ushijima H. Emergence of Norovirus GII/4 2006a and 2006b variants in hospitalized children with acute gastroenteritis in Thailand. *Clinical Laboratory* 59:(3-4) 271-276 (2013)
121. Su X, D'Souza DH. Naturally Occurring Flavonoids Against Human Norovirus Surrogates. *Food and Environmental Virology* 5:(2) 97-102 (2013)
122. Sibanda T, Okoh AI. Real-time PCR quantitative assessment of hepatitis A virus, rotaviruses and enteroviruses in the Tyume River located in the Eastern Cape Province, South Africa. *WATER SA* 39(2): 295-304 (2013)
123. Trainor E, Lopman B, Iturriza-Gomara M, Dove W, Ngwira B, Nakagomi O, Nakagomi T, Parashar U, Cunliffe N. Detection and molecular characterisation of noroviruses in hospitalised children in Malawi, 1997-2007. *Journal of Medical Virology* 85: (7) 1299-1306 (2013)
124. Murray TY, Mans J, Taylor MB. Human calicivirus diversity in wastewater in south africa. *Journal of Applied Microbiology* 114: (6) 1843-1853 (2013)
125. Howell AB, D'Souza DH. The pomegranate: Effects on bacteria and viruses that influence human health. *Evidence-based Complementary and Alternative Medicine* 2013: Paper 606212. (2013)
126. Thebault A, Teunis PFM, Le Pendu J, Le Guyader FS, Denis J-B. Infectivity of GI and GII noroviruses established from oyster related outbreaks. *Epidemics* 5:(2) 98-110 (2013)
127. Muhsen K, Kassem E, Rubinstein U, Schachter Y, Kremer A, Goren S, Zilberstein I, Ephros M, Cohen D, Shulman LM. Incidence and characteristics of sporadic norovirus gastroenteritis associated with hospitalization of children less than 5 years of age in Israel. *Ped Infect Dis J* 32:(6) 688-690 (2013)
128. Kundu S, Lockwood J, Depledge DP, Chaudhry Y, Aston A, Rao K, Hartley JC, Goodfellow I, Breuer J. Next-Generation Whole Genome Sequencing Identifies the Direction of Norovirus Transmission in Linked Patients. *CLINICAL INFECTIOUS DISEASES* 57: (3) 407-414 (2013)
129. Knight A, Li D, Uyttendaele M, Jaykus LA. A critical review of methods for detecting human noroviruses and predicting their infectivity. *CRITICAL REVIEWS IN MICROBIOLOGY* 39: (3) 295-309 (2013)
130. Al-Rashidi A, Chehadeh W, Szucs GG, Albert MJ. Different norovirus genotypes in patients with gastroenteritis in Kuwait. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 2013;85(9):1611-1618.
131. Shen Z, Qian F, Li Y, Hu Y, Yuan Z, Zhang J. Novel Norovirus GII.4 Variant, Shanghai, China, 2012. *Emerg Infect Dis* 19: (8) 1337-1339 (2013)
132. Nordgren J, Nitiema LW, Ouermi D, Simporé J, Svensson L. Host Genetic Factors Affect Susceptibility to Norovirus Infections in Burkina Faso. *PLoS One* 8: (7) Paper e69557. (2013)
133. Gould LH, Walsh KA, Viera AR, Herman K, Williams IT, Hall AJ, Cole D. Surveillance for Foodborne Disease Outbreaks — United States, 1998–2008. *Morbidity and Mortality Weekly Report (MMWR)* 62: (SS02) 1-34 (2013)

134. Gould LH, Walsh KA, Vieira AR, Herman K, Williams IT, Hall AJ, Cole D. Surveillance for Foodborne Disease Outbreaks - United States, 1998-2008. *MMWR SURVEILLANCE SUMMARIES* 62: (2) 1-34 (2013)
135. Koo HL, Neill FH, Estes MK, Munoz FM, Cameron A, DuPont HL, Atmar RL. Noroviruses: The Most Common Pediatric Viral Enteric Pathogen at a Large University Hospital After Introduction of Rotavirus Vaccination. *J Ped Infect Dis* 2: (1) 57-60 (2013)
136. DiCaprio E, Ma Y, Hughes J, Li J. Epidemiology, Prevention, and Control of the Number One Food-Borne Illness: Human Norovirus. *Infectious Disease Clinics of North America* 27(3):651-674 (2013).
137. Ruvoen-Clouet N, Belliot G, Le Pendu J. Noroviruses and histo-blood groups: the impact of common host genetic polymorphisms on virus transmission and evolution. *Rev Med Virol* 23(6):355-366 (2013)
138. Mengelle C, Mansuy JM, Prere MF, Grouteau E, Claudet I, Kamar N, Huynh A, Plat G, Benard M, Marty N, Valentin A, Berry A, Izopet J. Simultaneous detection of gastrointestinal pathogens with a multiplex Luminex-based molecular assay in stool samples from diarrhoeic patients. *Clin Microbiol Infect* 19(10): E458-E465 (2013)
139. Ruvoen-Clouet N, Belliot G, Le Pendu J. Sensibilité génétique aux infections à norovirus et protection innée de population. *Virologie* 17: (4) 264-277 (2013)
140. Vicentini F, Denadai W, Gomes YM, Rose TL, Ferreira MSR, Le Moullac-Vaidye B, Le Pendu J, Leite JPG, Miagostovich MP, Spano LC. Molecular Characterization of Noroviruses and HBGAs from Infected Quilombola Children in Espírito Santo State, Brazil. *PLoS One* 8: (7) Paper e69348. (2013)
141. Inaida S, Shobugawa Y, Matsuno S, Saito R, Suzuki H. The South to North Variation of Norovirus Epidemics from 2006-07 to 2008-09 in Japan. *PLoS ONE* 8: (8) Paper e71696.. (2013)
142. Xue L, Wu Q, Dong R, Kou X, Li Y, Zhang J, Guo W. Genetic Analysis of Noroviruses Associated with Sporadic Gastroenteritis During Winter in Guangzhou, China. *Foodborne Pathogens and Disease* 10(10):888-895 (2013)
143. Ganapathy R. In vitro time and temperature dependence effects of three molecular weight (53, 421 and approximately 1150 kilodalton) chitosans against human noroviral surrogates. MSc p. 2013. Master's Thesis, University of Tennessee
144. Simmons K, Gambhir M, Leon J, Lopman B. Duration of immunity to norovirus gastroenteritis. *Emerg Infect Dis* 19: (8) 1260-1267 (2013)
145. Mya PVT, Lam HM, Thompson CN, Phuc HL, Pham Thi Ngoc Tuyet Ha Vinh Nguyen Van Minh Hoang Pham Van Minh Nguyen Thanh Vinh Cao Thu Thuy Tran Thi Thu Nga Nguyen Thi Thu Hau Nguyen Tran Chinh Tang Chi Thuong Ha Manh Tuand James I Campbell Archie C A Clements Jeremy Farrara Maciej F Bonia b Stephen. The dynamics of GII.4 Norovirus in Ho Chi Minh City, Vietnam. *Infection, Genetics and Evolution* 18: 335-343 (2013)
146. Tamminen K, Lappalainen S, Huhti L, Vesikari T, Blazevic V. Trivalent Combination Vaccine Induces Broad Heterologous Immune Responses to Norovirus and Rotavirus in Mice. *PLoS One* 8: (7) Paper e70409. (2013)
147. May J, Korba B, Medvedev A, Viswanathan P. Enzyme kinetics of the human norovirus protease control virus polyprotein processing order. *VIROLOGY* 444: (1-2) 218-224 (2013)
148. Silverman AI, Akroing MO, Amoah P, Drechsel P, Nelson KL. Quantification of human norovirus GII, human adenovirus, and fecal indicator organisms in wastewater used for irrigation in Accra, Ghana. *JOURNAL OF WATER AND HEALTH* 11: (3) 473-488 (2013)
149. Yamashiro Y, Nagata S. Application of Probiotics to Ameliorate Ill Conditions from, Preterm. *J Prob Health* 1: (3) Paper 1000112. (2013)
150. Ahmed SM, Lopman BA, Levy K. A Systematic Review and Meta-Analysis of the Global Seasonality of Norovirus. *PLoS ONE* 8: (10) Paper e75922. (2013)
151. Ong CW. Norovirus: A challenging pathogen. *Healthcare Infection* 18: (4) 133-142 (2013)
152. Ji L, Wu XF, Yao WT, Chen LP, Xu DS, Shen YH, Shen JY, Han JK. Rapid Emergence of Novel GII.4 Sub-Lineages Noroviruses Associated with Outbreaks in Huzhou, China, 2008-2012. *PLOS ONE* 8: (12) Paper e82627. (2013)
153. Nahar S, Afrad MH, Begum N, Al-Mamun F, Sarker AK, Das SK, Faruque ASG, Pourkarim MR, Choudhuri MSK, Azim T, Rahman M. High prevalence of noroviruses among hospitalized diarrheal patients in Bangladesh, 2011. *JOURNAL OF INFECTION IN DEVELOPING COUNTRIES* 7: (11) 892-896 (2013)
154. Gülen A Hacimustafaoglu M. ÇOCUKLARDA AKUT İNFEKSİYÖZ GASTROENTERİTLERE GENEL YAKLAŞIM. *Ankem derg* 27: (3) pp. 147-157. (2013)

155. Kantala T, Oristo S, Heinonen M, von Bonsdorff C-H, Maunula L. A longitudinal study revealing hepatitis E virus infection and transmission at a swine test station. *Research in Veterinary Science* 95: (3) pp. 1255-1261. (2013)
156. da Silva LD, Rodrigues EL, de Lucena MSS, de Lima ICG, Oliveira DS, Soares LS, Mascarenhas JDP, Linhares AC, Gabbay YB. Detection of the pandemic norovirus variant GII.4 Sydney 2012 in Rio Branco, state of Acre, northern Brazil. *Memorias do Instituto Oswaldo Cruz* 108: (8) pp. 1068-1070. (2013)
157. Jack S, Bell D, Hewitt J. Norovirus contamination of a drinking water supply at a hotel resort. *New Zealand Medical Journal* 126: (1387) pp. 98-107. (2013)
158. Parasidis TA, Alexandropoulou IG, Konstantinidis TG, Panopoulou M, Constantinidis TC. Epidemiological surveillance of enteric viruses in sewage samples in East Macedonia and Thrace region in Greece. *Journal of Applied Virology* 2: (4) pp. 9-18. (2013)
159. Chen CJJ, Lartey B, Agbemabiese C, Mahmud A, Armah G. The epidemiology of noroviruses in Ghana. *The Journal of Global Health* 2: p. 00. (2013)
160. Grote DH. Astrovirus and Norovirus Infection in a Paediatric Setting. *Benyújtás éve: 2013. 2013.* University of Sydney Children's Hospital at Westmead Clinical School Paediatrics and Child Health, University of Sydney, Australia
161. Sakic I, Sejdinoska S, Uzunovic S. Microbiological quality of meat and ready-to-eat food in Zenica-Doboj Canton in the period 2008-2010. *South Eastern Europe Health Sciences Journal* 3: (1) pp. 107-112. (2013)
162. Yoneda M, Okayama A, Kitahori Y. Epidemiological Characteristics of Norovirus Associated with Sporadic Gastroenteritis among Children from the 2006/2007 to 2011/2012 Season in Nara Prefecture, Japan. *Intervirology* 57(1):31-35 (2014)
163. Tsai CN, Lin CY, Lin CW, Shih KC, Chiu CH, Chen SY. Clinical Relevance and Genotypes of Circulating Noroviruses in Northern Taiwan, 2006-2011. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 86: (2) 335-346 (2014)
164. Lu L, Zhong F, Xu M, Su L, Cao LF, Dong N, Xu J. Molecular epidemiology of human calicivirus infections in children with acute diarrhea in Shanghai: a retrospective comparison between inpatients and outpatients treated between 2006 and 2011. *Archives of Virology* 159(7):1613-1621 (2014)
165. Tian G, Jin M, Li H, Li Q, Wang J, Duan ZJ. Clinical characteristics and genetic diversity of noroviruses in adults with acute gastroenteritis in Beijing, China in 2008–2009. *J Med Virol* 86:1235-1242 (2014)
166. Ruether IGA, Tsakogiannis D, Kyriakopoulou Z, Dimitriou TG, Pappmichail C, Gartzonika C, Leveidiotou-Stefanou S, Markoulatos P. Circulation of intergenotype recombinant noroviruses GII.9/GII.6 from 2006 to 2011 in central Greece. *Virus Genes* 48: (1) pp. 23-31. (2014)
167. Yu Y, Yan S, Li B, Pan Y, Wang Y. Genetic diversity and distribution of human norovirus in China (1999-2011). *BioMed Research International* 2014: Paper 196169. (2014)
168. Rodriguez-Manzano J, Hundesa A, Calgua B, Carratala A, Maluquer de Motes C, Rusiñol M, Moresco V, Ramos AP, Martínez-Marcia F, Calvo M, Monte Barardi CR, Girones R, Bofill-Mas S. Adenovirus and Norovirus Contaminants in Commercially Distributed Shellfish. *Food and Environmental Virology* 6: (1) pp. 31-41. (2014)
169. Bernard H, Höhne M, Niendorf S, Altmann D, Stark K. Epidemiology of norovirus gastroenteritis in Germany 2001-2009: Eight seasons of routine surveillance. *Epidemiology and Infection* 142(1):63-74. (2014)
170. Sabrià A, Pintó RM, Bosch A, Bartolomé R, Cornejo T, Torner N, Martínez A, de Simón M, Domínguez A, Guix S. Molecular and clinical epidemiology of norovirus outbreaks in Spain during the emergence of GII.4 2012 variant. *Journal of Clinical Virology* 60: (2) pp. 96-104. (2014)
171. Kamimoto M, Nakai Y, Tsuji T, Shimamoto T, Shimamoto T. Antiviral Effects of Persimmon Extract on Human Norovirus and Its Surrogate, Bacteriophage MS2. *Journal of Food Science* 79: (5) pp. M941-M946. (2014)
172. Manso CF, Romalde JL. Molecular epidemiology of norovirus from patients with acute gastroenteritis in northwestern Spain. *Epidemiology and Infection* 00: p. 00. (2014)
173. Uusi-Kerttula H, Tamminen K, Vesikari T, Blazevic V. Comparison of human saliva and synthetic histo-blood group antigens usage as ligands in norovirus-like particle binding and blocking assays. *Microbes and Infection* 16(6):472-480. (2014)
174. Barker S, Amoah P, Drechsel P. A probabilistic model of gastroenteritis risks associated with consumption of street food salads in Kumasi, Ghana: Evaluation of methods to estimate pathogen dose from water, produce or food quality. *Science of The Total Environment* 487: pp. 130-142. (2014)

175. Huhti L, Blazevic V, Puustinen L, Hemming M, Salminen M, Vesikari T. Genetic analyses of norovirus GII.4 variants in Finnish children from 1998 to 2013. *Infection, Genetics and Evolution* 26:65-71 (2014)
176. Ruvoen-Clouet N, Magalhaes A, Marcos-Silva L, Breiman A, Figueiredo C, David L, Le Pendu J. Increase in Genogroup II.4 Norovirus Host Spectrum by CagA-Positive *Helicobacter pylori* Infection. *JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES* 210: (2) pp. 183-191. (2014)
177. Kim JE, Lee SG, Cho HG, Han SH, Kang LH, Lee YM, Park CJ, Paik SY. Genetic analysis of the capsid region of norovirus GII.4 variants isolated in South Korea. *Journal of Microbiology* 52: (5) pp. 427-434. (2014)
178. Medici MC, Tummolo F, Martella V, Chezzi C, Arcangeletti MC, De Conto F, Calderaro A. Epidemiological and molecular features of norovirus infections in Italian children affected with acute gastroenteritis. *Epidemiology and Infection* 00: p. 00. (2014)
179. Huo Y, Cai A, Yang H, Zhou M, Yan J, Liu D, Shen S. Complete nucleotide sequence of a norovirus GII.4 genotype: evidence for the spread of the newly emerged pandemic Sydney 2012 strain to China. *Virus Genes* 48: (2) pp. 356-360. (2014)
180. Polkowska A, Rönnqvist M, Lepistö O, Roivainen M, Maunula L, Huusko S, Toikkanen S, rimhanen-Finne R. Outbreak of gastroenteritis caused by norovirus GII.4 Sydney variant after a wedding reception at a resort/activity centre, Finland, August 2012. *Epidemiology and Infection* 142(9):1877-1883 (2014)
181. Fioretti JM, Bello G, Rocha MS, Victoria M, Leite JPG, Miagostovich MP. Temporal Dynamics of Norovirus GII.4 Variants in Brazil between 2004 and 2012. *PLoS One* 9: (3) p. e92988. (2014)
182. Hirose K, Oguri M, Hamatake M, Ohmi H, Minagawa H. Evaluation of health conditions across Aichi Prefecture using specific health checkup data —Comparison of lifestyle-related diseases according to medical treatment — Report of Aichi Prefectural Institute of Public Health 64: pp. 8-14. (2014)
183. Park SY, Kim SH, Ju IS, Cho JI, Ha SD. Thermal Inactivation of Murine Norovirus-1 in Suspension and in Dried Mussels (*Mytilus edulis*). *Journal of Food Safety* 2014;34(3):193-198.
184. Arana A, Cilla G, Montes M, Gomariz M, Pérez-Trallero E. Genotypes, Recombinant Forms, and Variants of Norovirus GII.4 in Gipuzkoa (Basque Country, Spain), 2009–2012. *PLoS One* 9: (6) Paper e98875. (2014)
185. Rajko-Nenow P. Molecular characterisation of norovirus contamination in wastewater and oysters Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014. 195 p. 2014. National University of Ireland, Galway
186. Hellberg RS, Li F, Sampath R, Yasuda IJ, Carolan HE, Wolfe JM, Brown MK, Alexander RC, Williams-Hill DM, Martin WB. Rapid detection and differentiation of human noroviruses using RT-PCR coupled to electrospray ionization mass spectrometry. *Food Microbiology* 44: pp. 71-80. (2014)
187. Kim AN, Park SY, Bae SC, Oh MH, Ha SD. Survival of Norovirus Surrogate on Various Food-Contact Surfaces. *Food and Environmental Virology* 2014;6(3):182-188.
188. Bigoraj E, Kwit E, Chrobocinska M, Rzezutka A. Occurrence of Norovirus and Hepatitis A Virus in Wild Mussels Collected from the Baltic Sea. *Food and Environmental Virology* 2014;6(3):207-212.
189. Parra GI, Green KY. Sequential Gastroenteritis Episodes Caused by 2 Norovirus Genotypes. *Emerg Infect Dis* 20: (6) pp. 1016-1018. (2014)
190. Hall AJ, Wikswo ME, Pringle K, Gould H, Parashar UD. Vital Signs: Foodborne Norovirus Outbreaks — United States, 2009–2012. *Morbidity and Mortality Weekly Report (MMWR)* 63: (22) pp. 491-495. (2014)
191. Fu JG, Ai J, Qi X, Zhang J, Tang FY, Zhu YF. Emergence of two novel norovirus genotype II.4 variants associated with viral gastroenteritis in China. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY (ISSN: 0146-6615)* 86: (7) pp. 1226-1234. (2014)
192. Verhaelen K, Bouwknecht M, Rutjes S, Husman AMD, Duizer E. Wipes Coated with a Singlet-Oxygen-Producing Photosensitizer Are Effective against Human Influenza Virus but Not against Norovirus. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 80: (14) pp. 4391-4397. (2014)
193. Moyo S, Hanevik K, Blomberg B, Kommedal O, Vainio K, Maselle S, Langeland N. Genetic diversity of norovirus in hospitalised diarrhoeic children and asymptomatic controls in Dar es Salaam, Tanzania. *INFECTION GENETICS AND EVOLUTION (ISSN: 1567-1348)* 26: pp. 340-347. (2014)
194. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, McIntyre A, Dore W. Norovirus genotypes implicated in two oyster-related illness outbreaks in Ireland. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 142: (10) 2096-2104 (2014)
195. Prystajec N, Brinkman FSL, Auk B, Isaac-Renton JL, Tang P. Personalized genetic testing and norovirus susceptibility. *CANADIAN JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES & MEDICAL MICROBIOLOGY* 25(4): 222-224 (2014)

196. van Alphen LB, Dorleans F, Schultz AC, Fonager J, Ethelberg S, Dalgaard C, Adelhardt M, Engberg JH, Fischer TK, Lassen SG. The Application of New Molecular Methods in the Investigation of a Waterborne Outbreak of Norovirus in Denmark, 2012. *PLOS ONE* 9: (9) Paper e105053. (2014)
197. Mesquita JR, Nascimento MSJ. Norovirus GII.4 antibodies in the Portuguese population. *JOURNAL OF INFECTION IN DEVELOPING COUNTRIES* 8(9):1201-1204 (2014)
198. Cho HG, Lee SG, Kim JE, Yu KS, Lee DY, Park PH, Yoon MH, Jho EH, Kim J, Paik SY. Molecular epidemiology of norovirus GII.4 variants in children under 5 years with sporadic acute gastroenteritis in South Korea during 2006-2013. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 61(3):340-344 (2014)
199. Kiulia NM, Mans J, Mwenda JM, Taylor MB. Norovirus GII.17 Predominates in Selected Surface Water Sources in Kenya. *FOOD AND ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 6(4):221-231 (2014)
200. de Andrade JDR, Rocha MS, Carvalho-Costa FA, Fioretti JM, Xavier MDP, Nunes ZMA, Cardoso J, Fialho AM, Leite JPG, Miagostovich MP. Noroviruses associated with outbreaks of acute gastroenteritis in the State of Rio Grande do Sul, Brazil, 2004-2011. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 61(3):345-352 (2014)
201. Guo Z, Huang J, Shi G, Su C-H, Niu JJ. A food-borne outbreak of gastroenteritis caused by norovirus GII in a university located in Xiamen City, China. *Int. J. Infect. Dis.* 28: pp. 101-106. (2014)
202. Truong TC, Van Than T, Kim W. Evolutionary phylodynamics of Korean noroviruses reveals a novel gii.2/gii.10 recombination event. *PLoS ONE* 9: (12) Paper e113966. (2014)
203. Jia L-P, Qian Y, Zhang Y, Deng L, Liu L-Y, Zhu R-N, Zhao L-Q, Huang H, Zheng C-G, Dong H-J. Prevalence and genetic diversity of noroviruses in outpatient pediatric clinics in Beijing, China 2010-2012. *Infect. Genet. Evol.* 28: pp. 71-77. (2014)
204. Kingsley DH, Kuhn DD, Flick GJ, Oh J, Lawson LS, Meade GK, Giesecke CC. Desirability of oysters treated by high pressure processing at different temperatures and elevated pressures. *Am. J. Food Technol.* 9(4):209-216. (2014)
205. Xue Caoyi, Fu Yifei, Zhu Weiping, Fei Yi, Zhu Linying, Zhang Hong, Pan Lifeng, Xu Hongmei, Wang Yong, Wang Wenqin, Sun Qiao. An outbreak of acute norovirus gastroenteritis in a boarding school in Shanghai: a retrospective cohort study. *BMC PUBLIC HEALTH* 14: Paper 1092. (2014)
206. Dey SK, Nahar S, Akter T, Sultana H, Akter A, Sarkar OS, Ahmed MF, Talukder AA, Ahmed F. A retrospective analysis of viral gastroenteritis in Asia. *Journal of Pediatric Infectious Diseases* 9: (2) pp. 53-65. (2014)
207. Park SY, Ha S-D. Inactivation of murine norovirus-1 and hepatitis A virus in the Korean traditional preserved raw crab product Ganjanggejang by soy sauce during storage. *Food Control* 51: pp. 293-299. (2015)
208. Wollants E, De Coster S, Van Ranst M, Maes P. A decade of norovirus genetic diversity in Belgium. *Infection, Genetics and Evolution* 30:37-44. (2015)
209. Oka T, Wang Q, Katayama K, Saif LJ. Comprehensive review of human sapoviruses. *Clinical Microbiology Reviews* 28(1):32-53. (2015)
210. Holzknecht BJ, Franck KT, Nielsen RT, Böttiger B, Fischer TK, Fonager J. Sequence analysis of the capsid gene during a genotype II.4 dominated norovirus season in one university hospital: Identification of possible transmission routes. *PLoS ONE* 10: (1) Paper e0115331. (2015)
211. Park Ji-Sun, Lee Sung-Geun, Jin Ji-Young, Cho Han-Gil, Jheong Weon-Hwa, Paik Soon-Young. Complete Nucleotide Sequence Analysis of the Norovirus GII.4 Sydney Variant in South Korea. *Biomed Research International Paper* 374637. (2015)
212. Arthur Sabastine E, Gibson Kristen E. Comparison of Methods for Evaluating the Thermal Stability of Human Enteric Viruses. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7(1):14-26 (2015)
213. Park Shin Young, Bae San-Cheong, Ha Sang-Do. Heat Inactivation of a Norovirus Surrogate in Cell Culture Lysate, Abalone Meat, and Abalone Viscera. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7 (1):58-66 (2015)
214. Makaya Joseph M, Kaplon Jerome, Fremy Celine, Barro Nicolas, Aho Serge, Pothier Pierre, Belliot Gael, Traore Alfred S. Norovirus and Rotavirus Survival in Urine Collected from a Public Ecological Sanitation System in Ouagadougou, Burkina Faso. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7(1):41-48 (2015)
215. Sakon Naomi, Yamazaki Kenji, Nakata Keiko, Kanbayashi Daiki, Yoda Tomoko, Mantani Masanobu, Kase Tetsuo, Takahashi Kazuo, Komano Jun. Impact of Genotype-Specific Herd Immunity on the Circulatory Dynamism of Norovirus: A 10-Year Longitudinal Study of Viral Acute Gastroenteritis. *JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES* 211(6):879-888. (2015)
216. Park Shin Young, Ha Sang-Do. Ultraviolet-C Radiation on the Fresh Chicken Breast: Inactivation of Major Foodborne Viruses and Changes in Physicochemical and Sensory Qualities of Product. *FOOD AND BIOPROCESS TECHNOLOGY* 8(4):895-906. (2015)

217. Zhirakovskaia Elena V, Tikunov Artem Yu, Bodnev Sergey A, Klemesheva Vera V, Netesov Sergey V, Tikunova Nina V. Molecular Epidemiology of Noroviruses Associated With Sporadic Gastroenteritis in Children in Novosibirsk, Russia, 2003-2012. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(5):740-753. (2015)
218. Xue Liang, Wu Qingping, Kou Xiaoxia, Cai Weicheng, Zhang Jumei, Guo Weipeng. Genome characterization of a GII.6 norovirus strain identified in China. *INFECTION, GENETICS AND EVOLUTION* 31:110-117. (2015)
219. Relic Tijana, Begovic-Lazarevic Ivana, Pavlovic Nevenka, Ilic Nevenka, Kacarevic Hranislav, Jovanovic Dara, Kostic Gordana, Lazarevic Ivana. Characteristics of norovirus infection in Serbia. *VOJNOSANITETSKI PREGLED* 72(4):328-333. (2015)
220. Dai Ying-Chun, Zhang Xu-Fu, Xia Ming, Tan Ming, Quigley Christina, Lei Wen, Fang Hao, Zhong Weiming, Lee Bonita, Pang Xiaoli, Nie Jun, Jiang Xi. Antigenic Relatedness of Norovirus GII.4 Variants Determined by Human Challenge Sera. *PLOS ONE* 10(4):e0124945. (2015)
221. Lim Keah-Ying, Hamilton Andrew J, Jiang Sunny C. Assessment of public health risk associated with viral contamination in harvested urban stormwater for domestic applications. *SCIENCE OF THE TOTAL ENVIRONMENT* 523:95-108. (2015)
222. Karim Mohammad R, Fout G Shay, Johnson Clifford H, White Karen M, Parshionikar Sandhya U. Propidium monoazide reverse transcriptase PCR and RT-qPCR for detecting infectious enterovirus and norovirus. *JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS* 219:51-61. (2015)
223. Montazeri Naim, Maite Morgan, Liu Da, Cormier Jiemin, Landry Matthew, Shackleford John, Lampila Lucina E, Achberger Eric C, Janes Marlene E. Surveillance of Enteric Viruses and Microbial Indicators in the Eastern Oysters (*Crassostrea virginica*) and Harvest Waters along Louisiana Gulf Coast *JOURNAL OF FOOD SCIENCE* 80(5):M1075-M1082. (2015)
224. Liu Pengbo, Kim Myung, Schlesinger David, Kranz Christine, Ha Sangdo, Ha Jeehyoung, Slauch James, Baek Seungbum, Moe Christine. Immunomagnetic separation combined with RT-qPCR for determining the efficacy of disinfectants against human noroviruses. *JOURNAL OF INFECTION AND PUBLIC HEALTH* 8(2):145-154. (2015)
225. Malm Maria, Tamminen Kirsi, Lappalainen Suvi, Uusi-Kerttula Hanni, Vesikari Timo, Blazevic Vesna. Genotype Considerations for Virus-Like Particle-Based Bivalent Norovirus Vaccine Composition. *CLINICAL AND VACCINE IMMUNOLOGY* 22(6):656-663. (2015)
226. Wu Xiaofang, Han Jiankang, Chen Liping, Xu Deshun, Shen Yuehua, Zha Yunfeng, Zhu Xiaojuan, Ji Lei. Prevalence and genetic diversity of noroviruses in adults with acute gastroenteritis in Huzhou, China, 2013-2014. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 160(7):1705-1713. (2015)
227. Sa Ana Caroline C, Gomez Mariela M, Lima Ila Fernanda N, Quetz Josiane S, Havt Alexandre, Oria Reinaldo B, Lima Aldo A, Leite Jose Paulo G. Group a rotavirus and norovirus genotypes circulating in the northeastern Brazil in the post-monovalent vaccination era. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(9):1480-1490. (2015)
228. Vimont A. STRATÉGIES INNOVANTES D'INACTIVATION DES NOROVIRUS : OPTIMISATION DES PARAMÈTRES OPÉRATIONNELS ET COMPRÉHENSION DES MÉCANISMES D'ACTION. 196 p. PhD ,Megjelenés/Fokozatszerzés éve: 2015.,Nyelv: Francia és angol, Université Laval, Québec, Canada
229. Chen Shih-Yen, Feng Ye, Chao Hsun-Chin, Lai Ming-Wei, Huang Wen-Ling, Lin Chun-Yuan, Tsai Chi-Neu, Chen Chyi-Liang, Chiu Cheng-Hsun. Emergence in Taiwan of novel norovirus GII.4 variants causing acute gastroenteritis and intestinal haemorrhage in children. *JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY* 64:544-550. (2015)
230. Samandoulgou Idrissa, Fliss Ismail, Jean Julie. Zeta Potential and Aggregation of Virus-Like Particle of Human Norovirus and Feline Calicivirus Under Different Physicochemical Conditions. *FOOD ENVIRONMENTAL VIROLOGY* 7: (3) pp. 249-260. (2015)
231. Aliabadi Negar, Lopman Ben A, Parashar Umesh D, Hall Aron J. Progress toward norovirus vaccines: considerations for further development and implementation in potential target populations. *EXPERT REVIEW OF VACCINES* 14: (9) pp. 1241-1253. (2015)
232. Han Jiankang, Ji Lei, Shen Yuehua, Wu Xiaofang, Xu Deshun, Chen Liping. Emergence and predominance of norovirus GII.17 in Huzhou, China, 2014-2015. *VIROLOGY JOURNAL* 12: Paper 139. (2015)
233. Medici M C, Tummo F, Calderaro A, Chironna M, Giammanco G M, De Grazia S, Arcangeletti M C, De Conto F, Chezzi C, Martella V. Identification of the novel Kawasaki 2014 GII.17 human norovirus strain in Italy, 2015. *EUROSURVEILLANCE* 20: (35) pp. 2-6. (2015)
234. Miyoshi Tatsuya, Uchino Kiyoko, Yoshida Hisayoshi, Motomura Kazushi, Takeda Naokazu, Matsuura Yoshiharu, Tanaka Tomoyuki. Long-term viral shedding and viral genome mutation in norovirus infection. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87: (11) pp. 1872-1880. (2015)

235. Kobayashi Miho, Yoshizumi Shima, Kogawa Sayaka, Takahashi Tomoko, Ueki Yo, Shinohara Michiyo, Mizukoshi Fuminori, Tsukagoshi Hiroyuki, Sasaki Yoshiko, Suzuki Rieko, Shimizu Hideaki, Iwakiri Akira, Okabe Nobuhiko, Shirabe Komei, Shinomiya Hiroto, Kozawa Kunihisa, Kusunoki Hideki, Ryo Akihito, Kuroda Makoto, Katayama Kazuhiko, Kimura Hirokazu. Molecular Evolution of the Capsid Gene in Norovirus Genogroup I. *SCIENTIFIC REPORTS* 5: Paper 13806. (2015)
236. Liu Yanhui, Tam Yat Hung, Yuan Jun, Chen Fengling, Cai Wenfeng, Liu Jianping, Ma Xiaowei, Xie Chaojun, Zheng Chuangliang, Zhuo Li, Cao Xianbang, Tan Hailing, Li Baisheng, Xie Huaping, Liu Yufei, Ip Dennis. A Foodborne Outbreak of Gastroenteritis Caused by *Vibrio parahaemolyticus* and Norovirus through Non-Seafood Vehicle. *PLOS ONE* 10: (9) Paper e0137848. (2015)
237. Phumpholsup Tikumporn, Chieochansin Thaweesak, Vongpunsawad Sompong, Vuthitanachot Viboonsuk, Payungporn Sunchai, Poovorawan Yong. Human norovirus genogroup II recombinants in Thailand, 2009-2014. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 160: (10) pp. 2603-2609. (2015)
238. Mattioli Mia Catharine M, Davis Jennifer, Mrisho Mwifadhi, Boehm Alexandria B. Quantification of Human Norovirus GII on Hands of Mothers with Children under the Age of Five Years in Bagamoyo, Tanzania. *AMERICAN JOURNAL OF TROPICAL MEDICINE AND HYGIENE* (ISSN: 0002-9637) 93: (3) pp. 478-484. (2015)
239. Su W, Gao J, Zang Y, Wu H, Wang L, Hu H, Yu X, Kong W, Jiang C. Production, characterization and immunogenicity of P particles derived from norovirus GII.4 genotype 2004 variant. *ACTA VIROLOGICA* 59(1):33-39. (2015)
240. Lindsay Lisa, Wolter Joanne, De Coster Ilse, Van Damme Pierre, Verstraeten Thomas. A decade of norovirus disease risk among older adults in upper-middle and high income countries: a systematic review. *BMC INFECTIOUS DISEASES* 15: Paper 425. (2015)
241. Gao Zhiyong, Li Xitai, Yan Hanqiu, Li Weihong, Jia Lei, Hu Li, Hu Hong, Liu Baiwei, Li Jie, Wang Quanyi. Human calicivirus occurrence among outpatients with diarrhea in Beijing, China, between April 2011 and March 2013. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(12):2040-2047. (2015)
242. Bae San-Cheong, Park Shin Young, Choe Wonho, Ha Sang-Do. Inactivation of murine norovirus-1 and hepatitis A virus on fresh meats by atmospheric pressure plasma jets. *FOOD RESEARCH INTERNATIONAL* 76:342-347. (2015)
243. Ayukekbong James Ayukepi, Mesumbe Henry Nzike, Oyero Olufunmilayo G, Lindh Magnus, Bergstrom Tomas. Role of noroviruses as aetiological agents of diarrhoea in developing countries. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 96:1983-1999. (2015)
244. Zhuo R, Hasing ME, Panga X. A single nucleotide polymorphism at the taqman probe-binding site impedes real-time reverse transcription-PCR-based detection of norovirus GII.4 Sydney. *JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY* 53(10):3353-3354. (2015)
245. Medici MC, Tummolo F, De Grazia S, Calderaro A, De Conto F, Terio V, Chironna M, Bonura F, Pucci M, Bányai K, Martella V, Giammanco GM. Epidemiological dynamics of norovirus GII. 4 variant new orleans 2009. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 96: (9) pp. 2919-2927. (2015)
246. Gaither JB, Page R, Prather C, Paavola F, Garrett AL. Impact of a Hurricane Shelter Viral Gastroenteritis Outbreak on a Responding Medical Team. *Prehospital and Disaster Medicine* 30: (4) pp. 355-358. (2015)
247. Yu Y, Cai H, Hu L, Lei R, Pan Y, Yan S, Wang Y. Molecular epidemiology of oyster-related human noroviruses and their global genetic diversity and temporal-geographical distribution from 1983 to 2014. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 81(21):7615-7624. (2015)
248. Todd ECD, Greig JD. Viruses of foodborne origin: A review. *Virus Adaptation and Treatment* 7: pp. 25-45. (2015)
249. Cho H-G, Park P-H, Lee S-G, Kim J-E, Kim K-A, Lee H-K, Park E-M, Park M-K, Jung S-Y, Lee D-Y, Yoon M-H, Lee J-B, Paik S-Y. Emergence of Norovirus GII.4 variants in acute gastroenteritis outbreaks in South Korea between 2006 and 2013. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 72: pp. 11-15. (2015)
250. Samandoulgou I, Hammami R, Rayas RM, Fliss I, Jean J. Stability of secondary and tertiary structures of virus-like particles representing noroviruses: Effects of pH, ionic strength, and temperature and implications for adhesion to surfaces. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 81: (22) pp. 7680-7686. (2015)
251. Bavelaar HHJ, Rahamat-Langendoen J, Niesters HGM, Zoll J, Melchers WJG. Whole genome sequencing of fecal samples as a tool for the diagnosis and genetic characterization of norovirus. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 72: pp. 122-125. (2015)
252. Kumazaki M, Usuku S. Genetic Analysis of Norovirus GII.4 Variant Strains Detected in Outbreaks of Gastroenteritis in Yokohama, Japan, from the 2006-2007 to the 2013-2014 Seasons. *PLOS ONE* 10: (11) Paper e0142568. (2015)

253. Munjita SM. Current Status of Norovirus Infections in Children in Sub-Saharan Africa. *Journal of Tropical Medicine* 2015; pp. 1-7. (2015)
254. Hu Y, Yan H, Mammel M, Chen H. Sequence-independent amplification coupled with DNA microarray analysis for detection and genotyping of noroviruses. *AMB Express* 5: (69) pp. 1-9. (2015)
255. Kabue JP, Meader E, Hunter P, Potgieter N. Human Norovirus prevalence in Africa: a review of studies from 1990 to 2013. *TROPICAL MEDICINE & INTERNATIONAL HEALTH* 000: p. 000. (2016)
256. Knight A, Haines J, Stals A, Li D, Uyttendaele M, Knight A, Jaykus L-A. A systematic review of human norovirus survival reveals a greater persistence of human norovirus RT-qPCR signals compared to those of cultivable surrogate viruses. *INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY* 216: pp. 40-49. (2016)
257. Fumian TM, Leite JPG, Rocha MS, de Andrade JSR, Fioretti JM, Assis R, da Silva Assis MR, Fialho AM, Miagostovich MP. Performance of a one-step quantitative duplex RT-PCR for detection of rotavirus A and noroviruses GII during two periods of high viral circulation. *JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS* 000: p. 000. (2016)
258. Kang G, Estes MK, Atmar RL. Calicivirus Infections. In: *Tropical Infectious Diseases*. Elsevier, 2011. Chapter 62, pp. 411-415.
259. Franco MA, Greenberg HB. Rotaviruses, Noroviruses, and Other Gastrointestinal Viruses. In: *Goldman's Cecil Medicine: Twenty Fourth Edition*. (2) Elsevier 2011. pp. 2144-2147.
260. Hoffman A. Viral pathogens causing diarrhea since the decrease in rotavirus cases with increase in vaccine uptake? In: Myers AL (ed.) *Curbside consultation in pediatric infectious disease: 49 clinical questions*. SLACK Incorporated, Thorofare, NJ, USA, 2012, pp153-156. ISBN: 978-1-61711-001-6
261. Jones M, Karst SM. Noroviruses. In: *Foodborne Infections and Intoxications*. Elsevier Inc., 2013. pp. 261-277
262. Jones MK, Zhu S, Karst SM. 28. EMERGING HUMAN NOROVIRUS INFECTIONS. In: Singh SK (szerk.) : *Viral Infections and Global Change*. Hoboken: John Wiley & Sons, Inc, Hoboken, 2013. (ISBN 9781118297872) p. 28
263. Markland SM, D'Souza DH, Knier KE. 22. Cases of public emetic events caused by foodborne viruses and potential issues for fresh produce. In: Hoorfar J (szerk.) : *Global Safety of Fresh Produce: A Handbook of Best Practice, Innovative Commercial Solutions and Case Studies*. Woodhead Publishing Limited, 2014. (ISBN 9781782420279) p. 314
264. Ramani S, Atmar RL. Acute Gastroenteritis Viruses. In: *Mucosal Immunology: Fourth Edition*. Academic Press (1-2) 2015. pp. 1083-1103. ISBN: 978-0-12-415847-4

58. Verhoef LP, Kroneman A, van Duynhoven Y, Boshuizen H, van Pelt W, Koopmans M; Foodborne Viruses in Europe Network (The Netherlands, the UK, Finland, Denmark, Sweden, France, Spain, **Hungary: Reuter G, Slovenia, Italy, Germany, Ireland and Norway). Selection tool for foodborne norovirus outbreaks**
Emerging Infectious Diseases, 2009. 15, 31-38.

Impakt faktor: 6,794

Független idéző: 22 Függő idéző: 13 Összesen: 35

1. Gerner-Smidt P, Whichard JM. Foodborne disease trends and reports. *Foodborne Pathogens and Disease*, 2009;6(7):749-751.
2. Mesquita JR, Nascimento MSJ. A foodborne outbreak of norovirus gastroenteritis associated with a christmas dinner in Porto, Portugal, December 2008. *Eurosurveillance*, 2009;14(41)article 5.
3. Mattison K, Bidawid S. Analytical methods for food and environmental viruses. *Food Environ Virol*, 2009;1(3-4):107-122.
4. Armelagos GJ. The omnivore's dilemma. The evolution of the brain and the determinants of food choice. *J Anthropol Res*, 2010;66(2):161-186.
5. Havelaar AH, Brul S, de Jong A, de Jonge R, Zwietering MH, ter Kuile BH. Future challenges to microbial food safety. *Internat J Food Microbiol*, 2010;139:S79-94.
6. Siebenga J. A study of norovirus molecular epidemiology. Impact, prevalence, diversity and genetic adaptation. PhD Thesis. 2010. Erasmus University, Rotterdam, The Netherlands.
7. Downer SJ. Improvements in norovirus recovery from foods and food contact surfaces with alternative elution buffers and cationically charged magnetic beads. 2010. MSc-Thesis, University of Georgia.
8. Yang LC, Chiang PC, Huang TH, Chi SF, Chiu YP, Lin CS, Chou YF, Hsu SC, Zhang XS, Huang CG, Kao CY, Lin CM. Residents had an increasing risk of norovirus gastroenteritis infection than health care workers during an outbreak in a nursing home. *J Am Med Dir Ass*, 2011;11(8):592-597.

9. Wyn-Jones AP, Carducci A, Cook N, D'Agostine M, Divizia M, Fleischer J, Gantzer C, Gawler A, Girones R, Holler C, Husman AMD, Kay D, Kozyra R, Lopez-Pila J, Muscillo M, Nascimento MS, Szewzyk R, Wyer M. Surveillance of adenoviruses and noroviruses in European recreational waters. *Wat Res*, 2011;45(3):1025-1038.
10. Hauri AM, Westbrock HJ, Claus H, Geis S, Giernat S, Forssbohm M, Uphoff H. Electronic outbreak surveillance in Germany: A first evaluation for nosocomial norovirus outbreaks. *PLoS One*, 2011;6(3):e17341.
11. Radin D, D'Souza DH. Simple and rapid detection of human norovirus from produce using SYBR green I-based real-time RT-PCR. *Food Environ Virol*, 2011;3(3-4):121-129.
12. Matthews JE, Dickey BW, Miller RD, Felzer JR, Dawson BP, Lee AS, Rocks JJ, Kiel J, Montes JS, Moe CL, Eisenberg JNS, Leon JS. The epidemiology of published norovirus outbreaks: a review of risk factors associated with attack rate and genogroup. *Epidemiol Infect*, 2012;140(7):1161-1172.
13. Mattison K. Norovirus as a Foodborne Disease Hazard. *ADVANCES IN FOOD AND NUTRITION RESEARCH*, VOL 62 62: 1-39 (2011)
14. Mathijs E, Stals A, Baert L, Botteldoorn N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, Van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A Review of Known and Hypothetical Transmission Routes for Noroviruses. *FOOD AND ENVIRONMENTAL VIROLOGY*, 2012;4(4):131-152.
15. Feliciano L, Li JR, Lee J, Pascall MA. Efficacies of Sodium Hypochlorite and Quaternary Ammonium Sanitizers for Reduction of Norovirus and Selected Bacteria during Ware-Washing Operations. *PLOS ONE* 2012;7(12) e50273.
16. Fernandez MDB, Torres C, Poma HR, Riviello-Lopez G, Martinez LC, Cisterna DM, Rajal VB, Nates SV, Mbayed VA. Environmental surveillance of norovirus in Argentina revealed distinct viral diversity patterns, seasonality and spatio-temporal diffusion processes. *SCIENCE OF THE TOTAL ENVIRONMENT*, 2012;437:262-269.
17. Radin D. HUMAN NOROVIRUS TRANSMISSION DUE TO CONTAMINATED FRESH FRUIT AND VEGETABLES. *ARCHIVES OF BIOLOGICAL SCIENCES* 2012;64(4):1405-1411.
18. Bitler EJ, Matthews JE, Dickey BW, Eisenberg JNS, Leon JS. Norovirus outbreaks: a systematic review of commonly implicated transmission routes and vehicles. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 141: (8) 1563-1571 (2013)
19. My PVT, Lam HM, Thompson CN, Phuc HL, Tuyet PTN, Vinh H, Hoang NVM, Minh P, Vinh NT, Thuy CT, Nga TTT, Hau NTT, Chinh NT, Thuong TC, Tuan HM, Campbell JJ, Clements ACA, Farrar J, Boni MF, Baker S. The dynamics of GII.4 Norovirus in Ho Chi Minh City, Vietnam. *INFECTION GENETICS AND EVOLUTION* 18: 335-343 (2013)
20. Stals A, Uyttendaele M, Baert L, Van Coillie E. Norovirus Transfer between Foods and Food Contact Materials. *JOURNAL OF FOOD PROTECTION* 76: (7) 1202-1209 (2013)
21. Pringle Kimberly, Lopman Benjamin, Vega Everardo, Vinje Jan, Parashar Umesh D, Hall Aron J. Noroviruses: epidemiology, immunity and prospects for prevention. *FUTURE MICROBIOLOGY* 10 (1):53-67 (2015)
22. Greening GE, Wolf S. Calicivirus Environmental Contamination. In: Hansman GS, Jiang XJ, Green KY (szerk.): *CALICIVIRUSES: MOLECULAR AND CELLULAR VIROLOGY*. 2010. pp. 25-44

59. Pankovics P, Kugler Z, Káta A, Reuter G: Sapovírus (GI2) okozta gastroenteritis járvány első hazai igazolása – nemzetközi epidémia részjelensége?/First gastroenteritis outbreak caused by sapovirus in Hungary – part of an international epidemic?
Orvosi Hetilap, 2009. 150, 1223-1229.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 4 Független idéző: 0 Összesen: 4

1. Svraka S, Vennema H, van der Veer B, Hedlund KO, Thorhagen M, Siebenga J, Duizer E, Koopmans M. Epidemiology and genotype analysis of emerging sapovirus-associated infections across Europe. *J Clin Microbiol*, 2010;48(6):2191-2198.
2. Miyoshi M, Yoshizumi S, Kanda N, Karino T, Nagano H, Kudo S, Okano M, Ishida S. Different genotypic sapovirus detected in two simultaneous outbreaks of gastroenteritis among schoolchildren in the same school district in Hokkaido, Japan. *Jpn J Infect Dis*, 2010;63:75-78.
3. Chan-It W. Molecular epidemiology of viruses causing acute gastroenteritis in Japanese children. PhD-Thesis, University of Tokyo, 2011, Japan.
4. Jin Miao, Yu Jie-Mei, Li Hui-ying, Zhang Qing, Cui Shu-xian, Tang Jing-yu, Duan Zhao-jun. Genetic Diversity of Porcine Sapoviruses from Lulong County in China. *Chinese Journal of Virology* 26: (3) 255-259 (2010)

60. Reuter G, Boldizsár Á, Papp G, Pankovics P. Detection of Aichi virus shedding in a child with enteric and extraintestinal symptoms in Hungary
Archives of Virology, 2009. 154, 1529-1532.

Impakt faktor: 1,909

Független idéző: 38 Fügő idéző: 1 Összesen: 39

1. Ribes JM, Montava R, Tellez-Castillo CJ, Fernandez-Jimenez M, Buesa J. Seroprevalence of Aichi virus in a Spanish population from 2007 to 2008. *Clin Vaccine Immunol*, 2010;17(4):545-549.
2. Alcalá A, Vizzi E, Rodriguez-Diaz J, Zambrano JL, Betancourt W, Liprandi F. Molecular detection and characterization of Aichi viruses in sewage-polluted waters of Venezuela. *Appl Environm Microbiol*, 2010;76(12):4113-4115.
3. Sdiri-Loulizi K, Hassine M, Bour JB, Ambart-Balay K, Mastouri M, Aho LS, Gharbi-Khelifi H, Aouni Z, Sakly N, Chouchane S, Neji-Guediche M, Pothier P, Aouni M. Aichi virus IgG seroprevalence in Tunisia parallels genomic detection and clinical presentation in children with gastroenteritis. *Clin Vacc Immunol*, 2010;17(7):1111-1116.
4. Pham NTK, Trinh QD, Chan-It VV, Khamrin P, Shimizu H, Okitsu S, Miuguchi M, Ushijima H. A novel RT-multiplex PCR for detection of Aichi virus, human parechovirus, enteroviruses, and human bocavirus among infants and children with acute gastroenteritis. *J Virol Methods*, 2010;169(1):193-197.
5. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.
6. Houde A, Poitras E, Leblanc D, Ward P, Inglis GD, Boras VF, Loisy-Hamon F, Lebeau B. Aichi virus in Alberta, Canada: a one year examination of human diarrheic stool samples by RT-PCR. *Current Research, Technology and Education Topics in Applied Microbiology and Microbial Biotechnology*. Ed: Méndez-Vials A. 2010;:767-772.
7. Khamrin P, Okame M, Thongprachum A, Nantachit N, Nishimura S, Okitsu S, Maneekarn N, Ushijima H. A single-tube multiplex PCR for rapid detection in feces of 10 viruses causing diarrhea. *J Virol Meth*, 2011;173(2):390-393.
8. Verma H, Chitambar SD, Gopalkrishna V. Circulation of Aichi virus genotype B strains in children with acute gastroenteritis in India. *Epidemiol Infect*, 2011;139(11):1687-1691.
9. Pham NTK. Study on Aichi virus, parechovirus, and bocavirus detected in children with acute gastroenteritis in Japan, Bangladesh, Thailand, and Sri Lanka. PhD Dissertation, Japan, 2011.
10. Wu BS, Shen XN, Wang M, Yan YS. First detection and molecular epidemiology of Aichi virus in Fujian, China. *Chinese J Zoonoses*, 2011;27(2):101-103.
11. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. *Virus Genes*, 2012;44(2):253-257.
12. Jonsson N, Wahlström K, Svensson L, Serrander L, Lindberg AM. Aichi virus infection in elderly people in Sweden. *Arch Virol*, 2012;157(7):1365-1369.
13. Sasaki J, Ishikawa K, Arita M, Taniguchi K. ACBD3-mediated recruitment of PI4KB to picornavirus RNA replication sites. *EMBO JOURNAL* 2012;31(3):754-766.
14. Jokela P. Multiplex RT-PCR in the diagnosis of human picornaviruses and human respiratory viruses. PhD Dissertation, 2012, Finland.
15. Yang G, Feifei J, Wang B, Zhou J. Kobuvirus research progress. *Chinese Journal of Preventive Veterinary Medicine* 2012;34(12): Doi: 10.3969/j.issn.1008-0589.2012.12.19
16. Lin J, Ganesh A. Water quality indicators: bacteria, coliphages, enteric viruses. *Int J Environ Health Res*, 2013;23(6):484-506.
17. Chang JT, Chen YS, Chen BC, Chao D, Chang TH. Complete genome sequence of the first Aichi virus isolated in Taiwan. *Genome Announc*, 2013;1: e00107-12.
18. Nielsen ACY, Gyhrs ML, Nielsen LP, Pedersen C, Böttiger B. Gastroenteritis and the novel picornaviruses Aichi virus, cosavirus, saffold virus and salivirus in young children. *J Clin Virol*, 2013;57:239-242.
19. Kitajima M, Hata A, Yamashita Y, Haramoto E, Minagawa H, Katayama H. Development of a reverse transcription-quantitative PCR system for detection and genotyping of Aichi viruses in clinical and environmental samples. *Appl Environm Microbiol*, 2013;79(13):3952-3958.
20. Di Martino B, Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F. Molecular detection of Aichi virus raw sewage in Italy. *Arch Virol*, 2013;158(9):2001-2005.

21. Carmona-Vicente N, Buesa J, Brown PA, Merga JY, Darby AC, Stavisky J, Sadler L, Gaskell RM, Dawson S, Radford AD. Phylogeny and prevalence of kobuviruses in dogs and cats in the UK. *Veterinary Microbiology* 164:(3-4) 246-252 (2013)
22. Lodder WJ, Rutjes SA, Takumi K, de Roda Husman AM. Aichi virus in sewage and surface water, the Netherlands. *Emerg Infect Dis* 19: (8) 1222-1230 (2013)
23. Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F, Di Martion B. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Reserach Vet Sci* 95: (2) 782-785 (2013)
24. Di Martino B, Di Felice E, Ceci C, Di Profio F, Marsilio F. Canine kobuviruses in diarrhoeic dogs in Italy. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 166: (1-2) 246-249 (2013)
25. Xiang Y, Xue QH, Yin CS, Zhi HB. Development and Application of a Nested RT-PCR Assay for Detection of Porcine Kobuvirus. *Chinese Journal of Veterinary Drug* 47: (8) 00 (2013)
26. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
27. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Robetto S, Di Felice E, Orusa R, Marsilio F. Molecular evidence of kobuviruses in free-ranging red foxes (*Vulpes vulpes*). *Archives of Virology* 159(7):1803-1806 (2014).
28. Saikruang W, Khamrin P, Suantai B, Ushijima H, Maneekarn N. Molecular Detection and Characterization of Aichivirus A in Adult Patients With Diarrhea in Thailand. *J Med Virol* 86(6):983-987 (2014)
29. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular Characterization of the Full Kobuvirus Genome in a Cat. *Genome Announc* 2: (2) p. e00420-14. (2014)
30. Yamashita T, Adachi H, Hirose E, Nakamura N, Ito M, Yasui Y, Kobayashi S, Minagawa H. Molecular detection and nucleotide sequence analysis of a new Aichi virus closely related to canine kobuvirus in sewage samples. *J Med Microbiol* 63: (5) pp. 715-720. (2014)
31. Ishikawa-Sasaki K, Sasaki J, Taniguchi K. A complex comprising PI4KB, ACBD3, and Aichi virus proteins enhances PI4P synthesis and is critical for formation of the viral replication complex. *Journal of Virology* 88(12):6586-6598 (2014)
32. Chuchaona W; Khamrin P; Maneekarn N. Molecular characterization of Aichi virus circulating in pediatric patients with diarrhea in Chiang Mai, Thailand. Graduate Reserch Conference, 2014, MMO20, pp1063-1069. Khon Kaen University, Thailand.
33. Yip CCY, Lo KL, Que TL, Lee RA, Chan KH, Yuen KY, Woo PCY, Lau SKP. Epidemiology of human parechovirus, Aichi virus and salivirus in fecal samples from hospitalized children with gastroenteritis in Hong Kong. *VIROLOGY JOURNAL* 11:Paper 82. (2014)
34. Lodder WJ. The role of water in human picornavirus transmission. Doctoral Thesis, 2014 Utrecht University
35. Di Martino Barbara, Di Profio Federica, Melegari Irene, Marsilio Fulvio, Martella Vito. Detection of feline kobuviruses in diarrhoeic cats, Italy. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 176(1-2):186-189. (2015)
36. Kitajima M, Gerba CP. Aichi Virus 1: Environmental Occurrence and Behavior. *PATHOGENS* 4: (2) pp. 256-268. (2015)
37. Aspöck H, Auffarth GU, Bialasiewicz AA, Kaiser D, Paulsen F, Sel S, Steuhl KP, Walochnik J, Westkemper H. Okuläre Oberfläche – infektiös. In: Pleyer U (szerk.): Entzündliche Augenerkrankungen. Springer Berlin Heidelberg, 2014. pp. 71-116.
38. Yates MV. Emerging Viruses. In: *Microbiology of Waterborne Diseases: Microbiological Aspects and Risks: Second Edition*. Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780124158467) pp. 529-533.

- 61.** Forgách P, Nowotny N, Erdélyi K, **Reuter G**, Szűcs Gy, Bakonyi T. Detection of hepatitis E virus in samples of animal origin collected in Hungary
Veterinary Microbiology, 2010. 143, 106-116.

Impakt faktor: 3,256

Független idéző: 40 Független idéző: 2 Összesen: 42

1. Boadella M, Casas M, Martin M, Vicente J, Segalés J, de la Fuente J, Gortázar C. Increasing contact with hepatitis E virus in red deer, Spain. *Emerg Infect Dis*, 2010;16(12):1994-1996.
2. Doyle ME. White paper on effectiveness of existing interventions on virus inactivation in meat and poultry products. American Meat Institute Foundation, Wisconsin, FRI Food Safety Rev, 2010. 1-52.
3. Ayed YB, Bahri O. Viral hepatitis E: what's the new? *Revue Tunisienne d'Infectologie*, 2010;4(3):83-87.

4. Steyer A, Naglic T, Mocilnik T, Poljsak-Prijatelj M, Poljak M. Hepatitis E virus in domestic pigs and surface waters in Slovenia: prevalence and molecular characterization of a novel genotype 3 lineage. *Infect Genet Evol*, 2011;11(7):1732-1737.
5. Meng XJ. From barnyard to food table: The omnipresence of hepatitis E virus and risk for zoonotic infection and food safety. *Virus Res*, 2011;161(1):23-30.
6. Purdy MA, Khudyakov YE. The molecular epidemiology of hepatitis E virus infection. *Virus Res*, 2011;161(1):31-39.
7. Bouquet J, Tessé S, Lunazzi A, Eliot M, Rose N, Nicand E, Pavio N. Close similarity between sequences of hepatitis E virus recovered from humans and swine, France, 2008-2009. *Emerg Infect Dis*, 2011;17(11):2018-2025.
8. Bachlein C. Hepatitis E virus in German domestic pigs: occurrence and prevalence. Ph.D. 2011. Hannover, Germany, ISBN 978-3-86345-0, University of Veterinary Medicine, Hannover
9. Zhang X, Luo HL, Zhang WB, Deng SZ. Establishment and Application of RT-nPCR Detection of Swine Hepatitis E Virus. *ACTA AGRICULTURAE UNIVERSITATIS JIANGXIENSIS(NATURAL SCIENCES EDITION)* 33: (1) S858.28 (2011)
10. Boadella M, Ruiz-Fons JF, Vicente J, Martin M, Segales J, Gortazar C. Seroprevalence evolution of selected pathogens in Iberian wild boar. *Transbound Emerg Dis*, 2012; 59(5):395-404.
11. Kosinova E, Bendova J, Vasickova P, Smitalova R, Prodelalova J. The prevalence of hepatitis E virus in piglets on Czech pig production farms and phylogenetic analysis of recovered isolates. *Veterinari Medicina*, 2012;57(3):115-120.
12. Zwettler D, Fink M, Revilla-Fernandez S, Steinring A, Winter P, Köfer J. First detection of hepatitis E virus in austrian pigs by RT-qPCR. *Berl Münch Tierärztl Wochenschr*, 2012;125:281-289.
13. Yang W. Hepatitis E: An Animal-borne Communicable Disease (ABCD, Zoonosis). *Journal of Hebei Normal University of Science & Technology* 26: (4) 00 (2012)
14. El-Tras WF, Tayel AA, El-Kady NN. Seroprevalence of Hepatitis E Virus in Humans and Geographically Matched Food Animals in Egypt. *Zoonoses and Public Health* 60: (3) 244-251 (2013)
15. Lipej Z, Novosel D, Vojta L, Roic B, Simpraga M, Vojta A. Detection and characterisation of hepatitis E virus in naturally infected swine in Croatia. *Acta Vet Hung*, 2013;61(4):517-528.
16. Lupulović D. Razvoj i primena različitih laboratorijskih metoda za dijagnostikovanje infekcije izazvane hepatitis E virusom kod svinja i ljudi. 2013. Ujvidék
17. Sarno E, Santoro AML, Costanzo N. Prevalence of swine Hepatitis E virus in Europe and its role as emerging zoonosis and food-borne pathogen. *Italian J Food Safety* 2: (1) Paper e13. (2013)
18. Nakano T, Takahashi K, Arai M, Okano H, Kato H, Ayada M, Okamoto H, Mishiro S. Identification of European-type hepatitis E virus subtype 3e isolates in Japanese wild boars: Molecular tracing of HEV from swine to wild boars. *Infection Genetics and Evolution* 18: 287-298 (2013)
19. Kantala T, Oristo S, Heinonen M; von Bonsdorff CH; Maunula L. A longitudinal study revealing hepatitis E virus infection and transmission at a swine test station. *Res Vet Sci*, 2013;95(3):1255-1261.
20. Yugo DM; Meng XJ. Hepatitis E virus: foodborne, waterborne and zoonotic transmission. *Int J Environ Res Public Health*, 2013;10:4507-4533. doi:10.3390/ijerph10104507
21. Ruggeri FM, Di Bartolo I, Ponterio E, Angeloni G, Trevisani M, Ostanello F. Zoonotic transmission of hepatitis E virus in industrialized countries. *NEW MICROBIOLOGICA* 36: (4) 331-344 (2013)
22. Takahashi M, Nishizawa T, Nagashima S, Jirintai S, Kawakami M, Sonoda Y, Suzuki T, Yamamoto S, Shigemoto K, Ashida K, Sato Y, Okamoto H. Molecular characterization of a novel hepatitis E virus (HEV) strain obtained from a wild boar in Japan that is highly divergent from the previously recognized HEV strains. *Virus Research* 180: pp. 59-69. (2014)
23. Johne R, Dremsek P, Reetz J, Heckel G, Hess M, Ulrich RG. Hepeviridae: An expanding family of vertebrate viruses. *Infection, Genetics and Evolution* 27:212-229. (2014)
24. Larska M, Krzysiak MK, Jablonski A, Kesik J, Bednarski M, Rola J. Hepatitis E Virus Antibody Prevalence in Wildlife in Poland. *Zoonoses and Public Health* 62(2):105-110. (2014)
25. Aniță A, Gorgan L, Aniță D, Oşlobanu L, Pavio N, Savuța G. Evidence of hepatitis E infection in swine and humans in the East Region of Romania. *Int. J. Infect. Dis.* 29:439-444. (2014)
26. Ben-Ayed Yousr, Hannachi Hela, Ben-Alaya-Bouafif Nissaf, Gouider Emna, Triki Henda, Bahri Olfa. Hepatitis E Virus Seroprevalence Among Hemodialysis and Hemophiliac Patients in Tunisia (North Africa). *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(3):441-445 (2015)
27. Thiry D, Mauroy A, Pavio N, Purdy MA, Rose N, Thiry E, de Oliveira-Filho EF. Hepatitis E virus and related viruses in animals. *Transboundary and Emerging Diseases*. 2015; DOI: 10.1111/tbed.12351
28. Boadella M. Hepatitis E in wild ungulates: A review. *Small Ruminant Research*, 2015;128:64-71. DOI: 10.1016/j.smallrumres.2015.03.007

29. Di Bartolo I, Ponterio E, Angeloni G, Morandi F, Ostanello F, Nicoloso S, Ruggeri FM. Presence of Hepatitis E Virus in a RED Deer (*Cervus elaphus*) Population in Central Italy. *Transboundary and emerging diseases*. 2015; DOI: 10.1111/tbed.12353
30. Montagnaro S, De Martinis C, Sasso S, Ciarcia R, Damiano S, Auletta L, Iovane V, Zottola T, Pagnini U. Viral and Antibody Prevalence of Hepatitis E in European Wild Boars (*Sus scrofa*) and Hunters at Zoonotic Risk in the Latium Region. *Journal of Comparative Pathology*. 2015;153(1):1-8.
31. Serracca L, Battistini R, Rossini I, Mignone W, Peletto S, Boin C, Pistone G, Ercolini R, Ercolini C. Molecular Investigation on the Presence of Hepatitis E Virus (HEV) in Wild Game in North-Western Italy. *Food and Environmental Virology*. 2015;7(3):206-212.
32. Gutiérrez-Vergara C, Quintero J, Duarte JF, Suescún JP, López-Herrera A. Detection of hepatitis E virus genome in pig livers in Antioquia, Colombia. *Genetics and molecular research: GMR* 14(1): 2890-2899. (2015)
33. Gutiérrez-Vergara Cristian Camilo, Rodríguez Berardo, Parra-Suescún Jaime, Correa-Londoño Guillermo, López-López Lucelly, López-Herrera Albeiro, Gutiérrez-Builes Lina. Determination of total (IgG/IgM) and specific (IgM) antibodies to Hepatitis E Virus and molecular detection of the virus in feces of humans with or without occupational exposure to pigs in 10 municipalities of Antioquia, Colombia. *Iatreia* 28(3):248-258. (2015)
34. Xia J, Zeng H, Liu L, Zhang Y, Liu P, Geng J, Wang L, Wang L, Zhuang H. Swine and rabbits are the main reservoirs of hepatitis E virus in China: detection of HEV RNA in feces of farmed and wild animals. *ARCHIVES OF VIROLOGY* 160: (11) pp. 2791-2798. (2015)
35. Ruiz-Fons F. A Review of the Current Status of Relevant Zoonotic Pathogens in Wild Swine (*Sus scrofa*) Populations: Changes Modulating the Risk of Transmission to Humans. *TRANSBOUNDARY AND EMERGING DISEASES* 000: p. 000. (2015) DOI: 10.1111/tbed.12369
36. Widén F, Meredith A, Weissenböck H, Ruiz-Fons F, Duff JP. Other Virus Infections. Hepatitis E In: Widén DG, Meredith A, Duff JP. *Infectious diseases of wild mammals and birds in Europe*. Wiley-Blackwell, Chichester, UK, 2012. pp 249-261 ISBN: 978-1-4051-9905-6
37. Purcell RH, Emerson SU. Hepatitis E vaccines. In: *Vaccines: Sixth Edition*. 2012. pp. 1085-1089.
38. Ruggeri FM, Di Bartolo I, Ostanello F, Trevisani M. Hepatitis E virus: An Emerging Zoonotic and Foodborne Pathogen. In: *Hepatitis E virus*. New York: Springer New York, 2013. p. 90
39. Panda SK, Varma SPK. Epidemiology, Experimental Models, and Prevention: Zoonotic Aspects of Hepatitis E. In: H C Thomas, A S F Lok, S A Locarnini, A J Zuckerman (szerk.): *Viral Hepatitis*, Fourth Edition. Oxford: Wiley, 2013. Chapter 31
40. Dalton Biol HR, Izopet J, Banks M, Bendall R, Kamar N. Hepatitis E: the commonest viral zoonosis worldwide? In: *Zoonoses – Infections Affecting Humans and Animals; Focus on Public Health Aspects*, ed: Sing A, pp915-935, 2015 Springer Netherlands, ISBN: 978-94-017-9456-5

62. Reuter G, Zimšek-Mijovski J, Poljšak-Prijatelj M, Di Bartolo I, Ruggeri FM, Kantala T, Maunula L, Kiss I, Kecskeméti S, Halaihel N, Buesa J, Johnsen C, Hjulager CK, Larsen LE, Koopmans M, Böttiger B. Incidence, diversity and molecular epidemiology of sapoviruses in swine across Europe
Journal of Clinical Microbiology, 2010. 48, 363-368.

Impakt faktor: 4,22

Független idéző: 25 Független idéző: 8 Összesen: 33

1. L'Homme Y, Brassard J, Ouadani M, Gagné M-J. Characterization of novel porcine sapoviruses. *Arch Virol*, 2010;155(6):839-846.
2. Day JM, Ballard LL, Duke MV, Scheffler BE, Zsak L. Metagenomic analysis of the turkey gut RNA virus community. *Virol J*, 2010;7, 313.
3. Song YJ, Yu JN, Nam HM, Bak HR, Lee JB, Park SY, Song CS, Seo KH, Choi IS. Identification of genetic diversity of porcine norovirus and sapovirus in Korea. *Virus Genes*, 2011;42(3):394-401.
4. Wolf S, Reetz J, Otto P. Genetic characterization of a novel calicivirus from a chicken. *Arch Virol*, 2011;156(7):1143-1150.
5. Sdiri-Loulizi K, Hassine M, Gharbi-Khelifi H, Aouni Z, Chouchane S, Sakly N, Neji-Guediche M, Pothier P, Ambert-Balay K, Aouni M. Molecular detection of genogroup I sapovirus in tunisian children suffering from acute gastroenteritis. *Virus Genes*, 2011;43(1):6-12.
6. Dufkova L, Kulich P, Prodelalova J. Molecular characterization of a porcine sapovirus strain isolated from a piglet with diarrhoea: a case report. *Vet Med*, 2011;56(8):409-415.
7. Meng XJ. Emerging and re-emerging swine viruses. *Transboundary Emerg Dis*, 2012;59(S1):85-102.
8. Neill JD. Caliciviruses. eLS. 2011 DOI: 10.1002/9780470015902.a0001013.pub3

9. Bailey KE, Browning GF. Viral enteritis in domestic animals. *Microbiology Australia*, 2012;33(2):53-55.
10. Ryu MS, Jung EH, Cho KO, Kang SY. Expression of porcine sapovirus VP1 gene and VP1 specific monoclonal antibody production. *Hybridoma*, 2012;31(3):155-162.
11. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 2012;158(3):549-558.
12. Fournie G, Kearsley-Fleet L, Otte J, Pfeiffer D. Trends in the emergence of swine pathogens. Building bridges, Supporting livelihoods, FAO, Regional Office for Asia and the Pacific, Bangkok, Thailand, 2012, pp1-36.
13. 翁善钢Weng. Emerging swine viruses. *Guangdong Journal of Animal and Veterinary Science*, 2012;37(4):1-4. http://www.gdaav.org/images/attachFile/1359442462_ji.pdf
14. Mauroy A, van der Poel WHM, der Honing RHV, Thys C, Thiry E. Development and application of a SYBR green RT-PCR for first line screening and quantification of porcine sapovirus infection. *BMC Vet Res*, 2013;8:193
15. Sisay Z, Wang Q, Oka T, Saif L. Prevalence and molecular characterization of porcine enteric caliciviruses and first detection of porcine kobuviruses in US swine. *Arch Virol*, 2013;158(7):1583-1588.
16. Scheuer KA, Oka T, Hoet AE, Gebreyes WA, Molla BZ, Saif LJ, Wang QH. Prevalence of Porcine Noroviruses, Molecular Characterization of Emerging Porcine Sapoviruses from Finisher Swine in the United States, and Unified Classification Scheme for Sapoviruses. *JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY* 51(7) 2344-2353 (2013)
17. das Mercedes Hernandez J, Stangarlin DC, Siqueira JAM, de Souza Oliveira D, Portal TM, Barry AF, Dias FA, de Matos JCS, D'Arc Pereira Mascarenhas J, Gabbay YB. Genetic diversity of porcine sapoviruses in pigs from the Amazon region of Brazil. *Archives of Virology* 159:927-933 (2013)
18. Cook N, Richards GP. An introduction to food- and waterborne viral disease. *Viruses in Food and Water: Risks, Surveill. and Control* pp. 3-18. (2013)
19. Liu ZK, Li JY, Pan H. Seroprevalence and molecular detection of porcine sapovirus in symptomatic suckling piglets in Guangdong Province, China. *Tropical Animal Health and Production* 46(3):583-587 (2014)
20. Baratelli M, Córdoba L, Pérez LJ, Maldonado J, fraile L, Núñez JI, Montoya M. Genetic characterization of influenza A viruses circulating in pigs and isolated in north-east Spain during the period 2006-2007. *Research in Veterinary Science* 96(2):380-388 (2014)
21. Liu W, Yang B, Wang E, Liu J, Lan X. Complete sequence and phylogenetic analysis of a porcine sapovirus strain isolated from western China. *Virus Genes* 49(1):100-105 (2014)
22. Pejsak Z, Truszczyński M. Choroby swin o dużej dynamice szerzenia się oraz nowo odkrywane patogeny. *Zycie Weterynaryjne*, 2014;89(11):920-923.
23. Hosmillo M, Sorgeloos F, Hiraide R, Lu J, Goodfellow I, Cho K-O. Porcine sapovirus replication is restricted by the type I interferon response in cell culture. *J. Gen. Virol.* 96(1):74-84. (2015)
24. Hwang Hyo-Jeong, Min Hye Jung, Yun Hyosuk, Pelton Jeffery G, Wemmer David E, Cho Kyoung-Oh, Kim Jeong-Sun, Lee Chul Won. Solution structure of the porcine sapovirus VPg core reveals a stable three-helical bundle with a conserved surface patch. *BIOCHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS* 459(4):610-616. (2015)
25. Valente CS, Alfieri AF, Barry AF, Leme RA, Lorenzetti E, Alfieri AA. Age distribution of porcine sapovirus asymptomatic infection and molecular evidence of genogroups GIII and GIX? circulation in distinct Brazilian pig production systems. *TROPICAL ANIMAL HEALTH AND PRODUCTION* 000: p. 000. (2016)

63. Reuter G, Kecskeméti S, Pankovics P. Evolution of porcine kobuvirus infection, Hungary
Emerging Infectious Diseases, 2010. 16, 696-698.

Impakt faktor: 6,859

Független idéző: 33 Függő idéző: 2 Összesen: 35

1. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.
2. Khamrin P, Maneekarn N, Hidaka S, Kishikawa S, Ushijima K, Okitsu S, Ushijima H. Molecular detection of kobuvirus sequences in stool samples collected from healthy pigs in Japan. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):950-954.

3. Park PS, Kim HK, Song DS, Moon HJ, Park BK. Molecular detection and genetic characterization of kobuvirus in fecal samples collected from diarrheic cattle in Korea. *Infect Gen Evol*, 2011;11(5):1178-1182.
4. Wang CS, Lan DL, Hua XG. Porcine kobuvirus from pig stool specimens in Shanghai, China. *Virus Genes*, 2011;43:3:350-352.
5. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. *Infect Gen Evol*, 2011;11(7):1811-1814.
6. Man LH. The detection of picornaviruses in bat in Hong Kong. PhD Thesis. University of Hong Kong, 2010.
7. Wang C, Lan D, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine kobuvirus strain in China. *Arch Virol.*, 2012;157(3):573-578.
8. Lin Y, Xiao S, Zeng Y, Song T, Zeng S, Chen H, Fang L. Complete genome sequence of porcine kobuvirus strain WUH1. *J Virol*, 2012;86(12):7010.
9. Hu JY; Tang XB; Hu RM, Liu WH; Ni DB; Wu B: Porcine kobuvirus RT-PCR detection assay establishment and application in primary epidemiology investigation in Hubei Province. *Journal of Huazhong Agricultural University*, 2012;31(4):485-489.
10. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 2012;158(3):549-558.
11. Wang C, Lan D, Hua X. Development and application of a PCR assay for detection of porcine kobuvirus. *China J Animal Quarantine*, 2012;2(4):29-32.
12. Knox CM, Luke GA, Dewar J, de Felipe P, Williams BJ. Rotaviruses and emerging picornaviruses as aetiological agents of acute gastroenteritis. *South Afr J Epidemiol Infect*, 2012;27(4):141-148.
13. Shen SF, Tang SD, Sun QY. Introduction to porcine kobuvirus infection. *Progress in Veterinary Medicine* 33: (4) 00 (2012)
14. Chen RJ, Wu XM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang XS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and Evolution Analysis of the 3D Gene of Porcine Kobuvirus in Fujian. *Fujian Journal of Agricultural Sciences* 27: (9) S852 (2012)
15. Brnic D, Prpic J, Keros T, Roic B, Staresina V, Jemersic L. Porcine astrovirus viraemia and high genetic variability in pigs on large holding sin Croatia. *Infect Genet Evol*, 2013;14(1):258-264.
16. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45:1757-1762.
17. Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F, Di Martino B. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Res Vet Sci*, 2013;95(2):782-785.
18. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
19. Fan S, Sun H, Ying Y, Gao X, Wang Z, Yu Y, Li Y, Wang T, Yu Z, Yang S, Zhao Y, Qin C, Gao Y, Xia X. Identification and characterization of porcine kobuvirus variant isolated from suckling piglet in Gansu province, china. *Viruses* 5: (10) 2548-2560 (2013)
20. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
21. Bullman S, Kearney K, O'Mahony M, Kelly L, Whyte P, Fanning S, Morgan JG. Identification and genetic characterisation of a novel picornavirus from chickens. *J Gen Virol* 95(5):1094-1103 (2014)
22. Chen L, Zhu L, Xu ZW, Guo WZ. Molecular genetics of Aichivirus C (porcine kobuvirus) in China. *British Journal of Virology* 1(1):36-41 (2014)
23. Li C, Chen J, Shi H, Zhang X, Shi D, Han X, Chi Y, Feng L. Rapid detection of porcine kobuvirus in feces by reverse transcription loop-mediated isothermal amplification. *Virology Journal* 11:73. (2014)
24. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Kalesaran AFC, Takanashi S, Shimizu H, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Molecular characterization and sequence analysis of the 2B region of Aichivirus C strains in Japan and Thailand. *Infection, Genetics and Evolution* 26:89-94 (2014)
25. Gao JY, Huang W, Wang ZX, Pang P, Wen YL, XIE LF. Etiologic diagnosis of viral diarrhea in newborn piglets from partial Sichuan Area. *Chinese Journal of Veterinary Medicine* 50: (1) p. 9. (2014)

26. Li X; Zhou Y; Xu Z; Zhu L. One-step reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification assay for sensitive and rapid detection of porcine kobuvirus. *Journal of Virological Methods*, 2014;207:1-5.
27. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular evolution of kobuviruses in cats. *Arch Virol*, 2015;160(2):537-541.
28. Sävneby, Anna. Reverse genetic studies of *Enterovirus* replication. Doctoral Thesis, 2015. Linnaeus University
29. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Di Felice E, Robetto S, Guidetti C, Orusa R, Martella V, Marsilio F. Molecular detection of kobuviruses in European roe deer (*Capreolus capreolus*) in Italy. *Archives of Virology*, 2015;160(8):2083-2086.
30. Di Bartolo I, Angeloni G, Tofani S, Monini M, Ruggeri FM. Infection of farmed pigs with porcine kobuviruses in Italy, *Archives of Virology*, 2015;160(6):1533-1536.
31. Jin WJ, Yang Z, Zhao ZP, Wang WY, Yang J, Qin AJ, Yang HC. Genetic characterization of porcine kobuvirus variants identified from healthy piglets in China. *Infection, Genetics and Evolution*, 2015;35:89-95.
32. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.
33. Yang F, Liu X, Zhou Y, Lyu W, Xu S, Xu Z, Zhu L. Histopathology of Porcine kobuvirus in Chinese piglets. *VIROLOGICA SINICA* 30(5): 396-399. (2015)

- 64. Boros Á, Új M, Pankovics P, Reuter G.** Detection and characterization of human parechoviruses in archived cell cultures in Hungary
Journal of Clinical Virology, 2010. 47, 379-381.

Impakt faktor: 4,023

Független idéző: 9 Független idéző: 1 Összesen: 10

1. Zhong HQ, Lin Y, Sun JE, Su, LY, Cao LF, Yang Y, Xu J. Prevalence and genotypes of human parechovirus in stool samples from hospitalized children in Shanghai, China, 2008 and 2009. *J Med Virol*, 2011;83(8):1428-1434.
2. Romero JR, Selvarangan R. The human parechoviruses: An overview. *Adv Ped*, 2011;58(1):65-85.
3. Walters B, Penaranda S, Nix WA, Oberste MS, Todd KM, Katz BZ, Zheng X. Detection of human parechovirus (HPeV)-3 in spinal fluid specimens from pediatric patients in the Chicago area. *J Clin Virol*, 2011;52(3):187-191.
4. Kolehmainen P, Oikarinen S, Koskiniemi M, Simell O, Ilonen J, Knip M, Hyoty H, Tauriainen S. Human parechoviruses are frequently detected in stool of healthy Finnish children. *J Clin Virol*, 2012;54(2):156-161.
5. Benschop K, Wildenbeest J, Pajkrt D, Wolthers K. Human parechoviruses, new players in the pathogenesis of viral meningitis. 2012;12:145-162.
6. Guo Y, Duan Y, Qian Y. Changes in Human Parechovirus Profiles in Hospitalized Children with Acute Gastroenteritis after a Three-Year Interval in Lanzhou, China. *PLoS One* 2013;8(7) e68321.
7. Guo Qian Yuan. Human parechovirus type 3 research. *Chinese Journal of Pediatrics* 51: (2) 00 (2013)
8. Kolehmainen P. Epidemiology and clinical association of human parechovirus and Ljungan virus. Doctoral dissertation, University of Helsinki, Finland, 2014
9. Willemijn J Lodder. The role of water in human picornavirus transmission. PhD-thesis, Utrecht University, the Netherlands, 200 p. 2014. ISBN: 978-94-6259-166-0

- 65. Reuter G, Boros Á, Pankovics P, Egyed L.** Kobuvirus in domestic sheep, Hungary
Emerging Infectious Diseases, 2010. 16, 869-870.

Impakt faktor: 6,859

Független idéző: 41 Független idéző: 5 Összesen: 46

1. Park SJ, Kim HK, Moon HJ, Song DS, Rho SM, Han JY, Nguyen VG, Park BK. Molecular detection of porcine kobuviruses in pigs in Korea and their association with diarrhea. *Arch Virol*, 2010;155(11):1803-1811.
2. An DJ, Jeoung HY, Jeong W, Lee H, Oem JK. Bovine kobuvirus from cattle in Korea. XVI, Europic Sept 2010, St Andrews, Scotland, Abstract Book H35, pp167.

3. Khamrin P, Maneekarn N, Hidaka S, Kishikawa S, Ushijima K, Okitsu S, Ushijima H. Molecular detection of kobuvirus sequences in stool samples collected from healthy pigs in Japan. *Infect Gen Evol*, 2010;10(7):950-954.
4. Jeoung HY, Lim JA, Jeong W, Oem JK, An DJ. Three cluster of bovine kobuvirus isolated in Korea, 2008-2010. *Virus Genes*, 2011;42(3):402-406.
5. Park PS, Kim HK, Song DS, Moon HJ, Park BK. Molecular detection and genetic characterization of kobuvirus in fecal samples collected from diarrheic cattle in Korea. *Infect Gen Evol*, 2011;11(5):1178-1182.
6. Li L, Pesavento PA, Shan T, Leutenegger CM, Wang C, Delwart E. Viruses in diarrhoeic dogs include novel kobuviruses and sapoviruses. *J Gen Virol*, 2011;92(11):2534-2541.
7. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. *Infect Gene Evol*, 2011;11(7):1811-1814.
8. An DJ, Jeong HY, Jeong W, Lee HS, Park JY, Kim B. Porcine kobuvirus from pig stool in Korea. *Virus Genes*, 2011;42(2):208-211.
9. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. *Virus Genes*, 2012;44(2):253-257.
10. Wang C, Lan D, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine kobuvirus strain in China. *Arch Virol*, 2012;157(3):573-578.
11. Sweeney TR, Trevor R, Dhote V, Yu YP, Hellen CUT. A distinct class of internal ribosomal entry site in members of the Kobuvirus and proposed Salivirus and Paraturdivirus genera of the Picornaviridae. *J Virol*, 2012;86(3):1468-1486.
12. Lee MH, Jeong HY, Lim JA, Song JY, Song DS, An DJ. Kobuvirus in South Korean black goats. *Virus Genes*, 2012;45(1):186-189.
13. Lin Y, Xiao S, Zeng Y, Song T, Zeng S, Chen H, Fang L. Complete genome sequence of porcine kobuvirus strain WUH1. *J Virol*, 2012;86(12):7010.
14. Di Martino B, Di Profio F, Di Felice E, Ceci C, Pistilli MG, Marsilio F. Molecular detection of bovine kobuviruses in Italy. *Arch Virol*, 2012;157(12):2393-2396.
15. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol*, 2012;158(3):549-558.
16. Chen RJ, Wu XM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang XS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and evolution analysis of the 3D gene of porcine kobuvirus in Fujian. *Fujian J Agricultural Sci*, 2012;27(9):S852.
17. Wang Q, Chang JT, Liu Y, Yu L. Prokaryotic expression and primary application of VP3 of bovine kobuvirus. *Chinese J Prev Vet Med* 34:(11) 00 (2012)
18. Fei G, Bin JY, Zhou W. Kobuvirus research. *Chinese Journal of Preventive Veterinary Medicine* 34:(12) 00 (2012)
19. Carmona-Vicente N, Buesa J, Brown PA, Merga JY, Darby AC, Stavisky J, Sadler L, Gaskell RM, Dawson S, Radford AD. Phylogeny and prevalence of kobuviruses in dogs and cats in the UK. *Veterinary Microbiology* 164:(3-4) 246-252 (2013)
20. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45:1757-1762.
21. Chung JY, Kim SH, Kim YH, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Detection and genetic characterization of feline kobuvirus. *Virus Genes* 47:559-562 (2013)
22. Smits SL, Raj VS, Oduber MD, Schapendonk CME, Bodewes R, Provacia L, Stittelaar KJ, Osterhaus ADME, Haagmans BL. Metagenomic analysis of the ferret fecal viral flora. *PLoS One* 8: (8) Paper e71595. (2013)
23. Di Martino B, Di Felice E, Ceci C, Di Profio F, Marsilio F. Canine kobuviruses in diarrhoeic dogs in Italy. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 166: (1-2) 246-249 (2013)
24. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
25. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
26. Chang J, Wang Q, Wang F, Jiang Z, Liu Y, Yu L. Prevalence and genetic diversity of bovine kobuvirus in China. *Archives of Virology* 159(6):1505-1510 (2014) 10.1007/s00705-013-1961-7

27. Yamashita T. Kobuvirus. In: Tidona CA, Darai G (eds): The Springer Index of Viruses. 2011, Springer pp.1313-1317.
28. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014). 10.1007/s13337-014-0200-5
29. Chen L, Zhu L, Xu ZW, Guo WZ. Molecular genetics of Aichivirus C (porcine kobuvirus) in China. *British Journal of Virology* 1(1):36-41 (2014)
30. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38(2):177-182 (2014)
31. Wang E, Yang B, Liu W, Liu J, Ma X, Lan X. Complete sequencing and phylogenetic analysis of porcine kobuvirus in domestic pigs in Northwest China. *Archives of Virology* 159(9):2533-2535 (2014)
32. Oem JK, Choi JW, Lee MH, Lee KK, Choi KS. Canine kobuvirus infections in Korean dogs. *Archives of Virology* 2014;159(10):2751-2755.
33. Oem JK, Lee MH, Lee KK, An DJ. Novel Kobuvirus species identified from black goat with diarrhea. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 172: (3-4) 563-567 (2014)
34. Choi S, Lim SI, Kim YK, Cho YY, Song JY, An DJ. Phylogenetic Analysis of Astrovirus and Kobuvirus in Korean Dogs. *JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE* 76(8):1141-1145. (2014)
35. Yang Z, Jin W, Zhao Z, Lin W, Zhang D, Yu E, Qin A, Yang H. Genetic characterization of porcine kobuvirus and detection of coinfecting pathogens in diarrheic pigs in Jiangsu Province, China. *Archives of Virology*, 2014;159(12):3407-3412.
36. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular evolution of kobuviruses in cats. *Arch Virol*, 2015;160(2):537-541.
37. Choi JW, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Genetic characteristics of the complete feline kobuvirus genome. *Virus Genes*, 2015;50(1):55-57.
38. Ximena A Olarte-Castillo, Felix Heeger, Camila J Mazzoni, Alex D Greenwood, Robert Fyumagwa, Patricia D Moehlman, Heribert Hofer, Marion L East. Molecular characterization of canine kobuvirus in wild carnivores and the domestic dog in Africa. *Virology* 477:89-97. (2015)
39. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
40. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.
41. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Enteric viral infections in lambs or kids. *Veterinary Microbiology*, 2015;181(1-2):154-160.

- 66.** Verhoef L, Vennema H, van Pelt W, Lees D, Boshuizen H, Henshilwood K, Koopmans M, collaborators: Böttiger B, Mølbak K, Johnsen C, von Bonsdorff KH, Maunula L, Kuusi M, Pothier P, Balay K, Kaplon J, Belliot G, Le Guyader S, Schreier E, Stark K, Koch J, Höhne M, Szücs G, **Reuter G**, Krisztalovics K, Lynch M, Foley B, McKeown P, Coughlan S, Duizer E, Kroneman A, van Duynhoven Y, Vainio K, Nygard K, Kapperud G, Poljsak-Prijatelj M, Barlic-Maganja D, Hovevar Grom A, Ruggeri F, Di Bartolo I, Bosch A, Dominguez A, Buesa J, Sanchez Fauquier A, Hernández-Pezzi G, Hedlund KO, Andersson Y, Thorhagen M, Lysén M, Hjertqvist M, Brown D, Adak B, Gray J, Harris J, Iturriza M. Use of norovirus genotype profiles to differentiate origins of foodborne outbreaks

Emerging Infectious Diseases, 2010. 16, 617-624.

Impakt faktor: 6,859

Független idéző: 39 Függő idéző: 13 Összesen: 52

1. Vinjé J. A norovirus vaccine on the Horizon? *J Infect Dis*, 2010;202(11):1623-1625.
2. Mattison K, Harlow J, Morton V, Cook A, Pollari F, Bidawid S, Farber JM. Enteric viruses in ready-to-eat packaged leafy greens. *Emerg Infect Dis*, 2010;16(11):1815-1817.
3. Schultz AC, Vega E, Dalsgaard A, Christensen LS, Norrung B, Hoorfar J, Vinjé J. Development and evaluation of novel one-step TaqMan realtime RT-PCR assays for the detection and direct genotyping of genogroup I and II noroviruses. *J Clin Virol*, 2011;50(3):230-234.
4. Mattison K. Norovirus as a foodborne disease hazard. *Adv Food Nut Res*, 2011;62:1-39.
5. Hartnell R, Lowther J, Avant J, Dancer D, Lees D, Russell J. The development of lenticules™ as reference materials for noroviruses. *J Appl Microbiol*, 2012;112(2):338-345.
6. Sharps CP, Kotwal G, Cannon JL. Human norovirus transfer to stainless steel and small fruits during handling. *J Food Prot*, 2012;75(8):1437-1446.

7. Lowther JA, Gustav NE, Powell AL, Hartnell RE, Lees DN. Two-year systematic study to assess norovirus contamination in oysters from commercial harvest areas in the United Kingdom. *Appl Environ Microbiol*, 2012;78(16):5812-5817.
8. Kittigul L, Panjangampattana A, Pombubpa K, Taweekate Y, Pungchitton S, Diraphat P, Siripanichgon K. Detection and genetic characterization of norovirus in environmental water samples in Thailand. *Southeast Asian J Trop Med Publ Health*, 2012;43(2):323-332.
9. Mathijs E, Stals A, Baert L, Bottelroon N, Denayer S, Mauroy A, Scipioni A, Daube G, Dierick K, Herman L, van Coillie E, Uyttendaele M, Thiry E. A review of known and hypothetical transmission routes for noroviruses. *Food Environ Virol*, 2012;4(4):131-152.
10. McIntyre L, Galanis E, Mattison K, Mykytczuk O, Buenaventura E, Wong J, Prystajek N, Mark R, Stone J, Moreau D, Youssef A. Multiple clusters of norovirus among shellfish consumers linked to symptomatic oyster harvesters. *J Food Prot*, 2012;75(9):1715-1720.
11. Verhaelen K, Bouwknecht M, Lodder-Verschuur F, Rutjes SA, de Roda Husman AM. Persistence of human norovirus GI.4 and GII.4, murine norovirus, and human adenovirus on soft berries as compared with PBS at commonly applied storage conditions. *Int J Food Microbiol*, 2012;160(2):137-144.
12. Wick JY. Norovirus: noxious in nursing facilities-almost unavoidable. *J Consultant Pharmacist*, 2012;27(2):98-104.
13. Rajko-Nenow P, Keaveney S, Flannery J, O'Flaherty V, Dore W. Characterisation of norovirus contamination in an Irish shellfishery using real-time RT-qPCR and sequencing analysis. *INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY* 2012;160(2):105-112.
14. Lopman B, Gastanaduy P, Park GW, Hall AJ, Parashar UD, Vinje J. Environmental transmission of norovirus gastroenteritis. *CURRENT OPINION IN VIROLOGY* 2012;2(1): 96-102.
15. Nicolau AI, Barker GC, Aprodu I, Wagner M. Relating the biotracing concept to practices in food safety. *FOOD CONTROL* 2013;29(1):221-225.
16. Bellou M, Kokkinos P, Vantarakis A. Shellfish-Borne Viral Outbreaks: A Systematic Review. *Food and Environmental Virology* 5: (1) 13-23 (2013)
17. Rajko-Nenow P, Waters A, Keaveney S, Flannery J, Tuite G, Coughlan S, O'Flaherty V, Doré W. Norovirus genotypes present in oysters and in effluent from a wastewater treatment plant during the seasonal peak of infections in Ireland in 2010. *Applied and Environmental Microbiology* 79: (8) 2578-2587 (2013)
18. Mans J, Netshikweta R, Magwalivha M, Van Zyl WB, Taylor MB. Diverse norovirus genotypes identified in sewage-polluted river water in South Africa. *Epidemiology and Infection* 141(2):303-313 (2013)
19. Bitler EJ, Matthews JE, Dickey BW, Eisenberg JNS, Leon JS. Norovirus outbreaks: a systematic review of commonly implicated transmission routes and vehicles. *EPIDEMIOLOGY AND INFECTION* 141: (8) 1563-1571 (2013)
20. Stals A, Uyttendaele M, Baert L, Van Coillie E. Norovirus transfer between foods and food contact materials. *Journal of Food Protection* 76: (7) 1202-1209 (2013)
21. Vega E, Barclay L, Gregoricus N, Shirley SH, Lee D, Vinje J. Genotypic and epidemiologic trends of norovirus outbreaks in the United States, 2009 to 2013. *Journal of Clinical Microbiology* 52: (1) pp. 147-155. (2014)
22. Lee CS, Lee C, Marion J, Wang Q, Saif L, Lee J. Occurrence of human enteric viruses at freshwater beaches during swimming season and its link to water inflow. *Science of the Total Environment* 472: pp. 757-766. (2014)
23. Polo D, Álvarez C, Díez J, Darriba S, Longa T, Romalde JL. Viral elimination during commercial depuration of shellfish. *Food Control* 43: pp. 206-212. (2014)
24. Patel JC, Taylor SM, Juliao PC, Parobek CM, Janko M, Gonzalez LD, Ortiz L, Padilla N, Tshefu AK, Emch M, Udhayakumar V, Lindblade K, Meshnick SR. Genetic Evidence of Importation of Drug-Resistant *Plasmodium falciparum* to Guatemala from the Democratic Republic of the Congo. *EMERGING INFECTIOUS DISEASES* 20(6):932-940. (2014)
25. Verhaelen K, Bouwknecht M, Rutjes S, Husman AM, Duizer E. Wipes Coated with a Singlet-Oxygen-Producing Photosensitizer Are Effective against Human Influenza Virus but Not against Norovirus. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 80(14):4391-4397. (2014)
26. Barclay L, Park GW, Vega E, Hall A, Parashar U, Vinje J, Lopman B. Infection control for norovirus. *CLINICAL MICROBIOLOGY AND INFECTION* 20(8):731-740. (2014)
27. Kao S-C, Liao W-C, Chen C-H, Wang J-Y, Chang Y-C. Phylogenetic analysis of noroviruses genogroup I found in oyster. *Taiwanese J. Agric. Chem. Food Sci.* 52(1):1-7. (2014)
28. Kirby AE, Shi J, Montes J, Lichtenstein M, Moe CL. Disease course and viral shedding in experimental Norwalk virus and Snow Mountain virus infection. *J. Med. Virol.* 86(12):2055-2064 (2014).

29. Polo D, Varela MF, Romalde JL. Detection and quantification of hepatitis A virus and norovirus in Spanish authorized shellfish harvesting areas. *Int. J. Food Microbiol.* 193: 43-50. (2015)
 30. Montazeri Naim, Maite Morgan, Liu Da, Cormier Jiemin, Landry Matthew, Shackleford John, Lampila Lucina E, Achberger Eric C, Janes Marlene E. Surveillance of Enteric Viruses and Microbial Indicators in the Eastern Oysters (*Crassostrea virginica*) and Harvest Waters along Louisiana Gulf Coast. *JOURNAL OF FOOD SCIENCE* 80(5):M1075-M1082. (2015)
 31. Cook N, Hernandez-Perez M, Iaconelli M, Diez-Valcarce M, Kovac K, Rodriguez-Lazaro D, Rzezutka A. Norovirus and Hepatitis A Virus. In: Yan X, Juneja VK, Fratamico PM, Smith JL (szerk.): *OMICS, MICROBIAL MODELING AND TECHNOLOGIES FOR FOODBORNE PATHOGENS*. 2012. pp. 269-294
 32. Scannell AGM. Overview of Foodborne Pathogens. In: *Handbook of Food Safety Engineering*. Wiley-Blackwell, 2012. pp. 18-56
 33. Jones M, Karst SM. Noroviruses. In: *Foodborne Infections and Intoxications*. Elsevier Inc., 2013. pp. 261-277
 34. Cook N, Richards GP. An introduction to food- and waterborne viral disease. *Viruses in Food and Water: Risks, Surveill. and Control* pp. 3-18. (2013)
 35. Taylor MB. Tracing the sources of outbreaks of food- and waterborne viral disease and outbreak investigation using molecular methods. In: *Viruses in Food and Water: Risks, Surveillance and Control*. Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780857094308) pp. 139-158.
 36. Griffith C. Advances in understanding the impact of personal hygiene and human behaviour on food safety. In: *Advances in Microbial Food Safety*. (1) Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780857094384) pp. 401-416.
 37. Barker GC. Biotracing in food safety. In: *Advances in Microbial Food Safety*. (1) Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780857094384) pp. 433-444.
 38. Lopman BA, Vinjé J, Glass RI. Noroviruses, sapoviruses, and astroviruses. In: *Viral Infections of Humans: Epidemiology and Control*. 2014. pp. 479-499. ISBN: 978-1-4899-7448-8
 39. Moore Matthew D, Goulter Rebecca M, Jaykus Lee-Ann. Human Norovirus as a Foodborne Pathogen: Challenges and Developments. *ANNUAL REVIEW OF FOOD SCIENCE AND TECHNOLOGY* 6: pp. 411-433. (2015) (ISBN 978-0-8243-4906-6)
- 67. Forgách P, Boncz A, Erdélyi K, Lőrincz M, Molnár B, Zentai J, Szűcs Gy, Reuter G, Bakonyi T. A hepatitis E vírus – irodalmi áttekintés és hazai helyzet állatorvos szemmel/Hepatitis E virus – literature review and situation in Hungary from veterinary point of view**
Magyar Állatorvosok Lapja, 2010.
Impakt faktor: 0,3
Független idéző: 0 Független idéző: 1 Összesen: 1
- 68. Drobeniuc J, Meng J, Reuter G, Green-Monfort T, Khudyakova N, Dimitrova Z, Kamili S, Teo C-G. Serologic assays specific to IgM antibodies against hepatitis E virus: pan-genotypic evaluation of performances**
Clinical Infectious Diseases, 2010. 51(3), e24-27.
Impakt faktor: 8,186
Független idéző: 85 Független idéző: 11 Összesen: 96
1. Vasickova P, Slany M, Chalupa P, Holub M, Svoboda R, Pavlik I. Detection and phylogenetic analysis of human hepatitis E virus strains, Czech Republic. *Emerg Infect Dis*, 2011;17(5):917-919.
 2. Torresi J, Johnson D. Hepatitis A and E infection in international travellers. *Curr Infect Dis Rep*, 2011;13(3):248-255.
 3. Kaba M, Richet H, Ravaux I, Moreau J, Poizot-Martin I, Motte A, Nicolino-Brunet C, Dugnat-George F, Ménard A, Dhiver C, Brouqui P, Colson P. Hepatitis E virus infection in patients infected with the human immunodeficiency virus. *J Med Virol*, 2011;83(10):1704-1716.
 4. van Wagner LB, Levitsky J. Viral hepatitis in solid organ transplant recipients. In: *Viral hepatitis – Selected issues of pathogenesis and diagnostics*. Ed.: Mukomolov SL. InTech, 2011; 93-126. ISBN 978-953-307-760-4.
 5. Gupta P, Jagya N, Pabhu SB, Durgapal H, Acharya SK, Panda SK. Immunohistochemistry for the diagnosis of hepatitis E virus infection. *J Viral Hep*, 2012; 19(2):E177-E183.

6. Nelson KE, Kmush B, Labrique AB. The epidemiology of hepatitis E virus infections in developed countries and among immunocompromised patients. *Exp Rev Anti-Infect Ther*, 2011;9(12):1133-1148.
7. Teshale EH, Hu DJ. Hepatitis E: epidemiology and prevention. *World J Hepatol*, 2011;3(12):285-291.
8. Abravanel F, Sandres-Saune K, Lhomme S, Dubois M, Mansuy JM, Izopet J. Genotype 3 diversity and quantification of hepatitis E virus RNA. *J Clin Microbiol*, 2012;50(3):897-902.
9. Rodríguez-Frias F, Jardi R, Buti y M. Hepatitis E: virología molecular, epidemiología y patogénesis. Publicado en *Enfem Infecc Microbiol Clin*, 2012;30(10):624-634.
10. Abravanel F, Mansuy JM, Huynh A, Kamar N, Alric L, Peron JM, Récher C, Izopet J. Low risk of hepatitis E virus reactivation after haemopoietic stem cell transplantation. *J Clin Virol*, 2012;54(2):152-155.
11. Kamar N, Legrand-Abravanel F, Izopet J, Rostaing L. Hepatitis E virus: what transplant physicians should know. *Am J Transplant*, 2012;12(9):2281-2287.
12. Holmberg SD. Hepatitis E in the United States. Hepatitis E in the United States. An NIH Research Workshop. Bethesda, USA, March 26, 2012.
13. Wedemeyer H, Pischke S, Manns MP. Pathogenesis and treatment of hepatitis E virus infection. *Gastroenterology*, 2012;142(6):1388-1397.
14. Kamar N, Bendall R, Legrand-Abravanel F, Xia NS, Ijaz S, Izopet J, Dalton HR. Hepatitis E. *Lancet*, 2012;379(9835):2477-2488.
15. van Welzen BJ, Lunel FM, Meindertsma F, Hoepelman AIM, Arends JE. Hepatitis E virus as a causative agent of unexplained liver enzyme elevations in HIV-infected patients. *JAIDS*, 2012;60(2):e65-e67.
16. Labrique AB, Sikder SS, Krain LJ, West KP, Rashid PCM, Nelson KE. Hepatitis E, a vaccine-preventable cause of maternal death. *Emerg Infect Dis*, 2012;18(9):1401-1404.
17. Levitsky J. Viral hepatitis in non-hepatic solid organ transplant recipients. 2012. Chicago, USA
18. Anonymus. Hepatitis E Virus (HEV) and Blood Transfusion Safety. In: BLOOD PRODUCTS ADVISORY COMMITTEE. Rockville, Amerikai Egyesült Államok: 2012.09.20 -2012.09.22. (2012). 1-24.
19. Meldal BHM, Sarkodie F, Owusu-Ofori S, Allain J-P. Hepatitis E virus infection in Ghanaian blood donors – the importance of immunoassay selection and confirmation. *Vox Sanguinis*, 2013;104:30-36.
20. Aggarwal R. Diagnosis of hepatitis E. *Nat Rev Gastroenterol Hepatol*, 2013;10:24-33.
21. Scobie L, Dalton HR. Hepatitis E: source and route of infection, clinical manifestation and new developments. *J Viral Hep*, 2013;20(1):1-11.
22. Kumar S, Subhadra S, Singh B, Panda BK. Hepatitis E virus: the current scenario. *Int J Infect Dis*, 2013;17(4):228-233.
23. Kaba, M, Moal V, Gérolami R, Colson P. Epidemiology of mammalian hepatitis E virus infection. *Intervirology*, 2013;56:67-83.
24. Béguin EP. Hepatitis E virus: molecular mechanisms and opportunities for diagnostics. Master thesis, 2013. University of Utrecht
25. Rapicetta M, Monarca R, Kondili LA, Chionne P, Madonna E, Madeddu G, Soddu A, Candido A, Carbonara S, Mura MS, Starnini G, Babudieri S. Hepatitis E virus and hepatitis A exposures in an apparently healthy high-risk population in Italy. *Infection*, 2012;41(1):69-76.
26. Dalton HR, Hunter JG, Bendall R. Autochthonous hepatitis e in developed countries and HEV/HIV coinfection. *Seminars in Liver Disease* 33: (1) 50-61 (2013)
27. Kamar N, Rostaing L, Izopet J. Hepatitis e virus infection in immunosuppressed patients: Natural history and therapy. *Seminars in Liver Disease* 33: (1) 62-70 (2013)
28. Aggarwal RA. Hepatitis E: Clinical presentation in disease-endemic areas and diagnosis. *Seminars in Liver Disease* 33: (1) 30-40 (2013)
29. Levitsky J, Doucette K. Viral hepatitis in solid organ transplantation. *American Journal of Transplantation* 13: (SUPPL.4) 147-168 (2013)
30. Kamar N, Izopet J, Rostaing L. Hepatitis e virus infection. *Current Opinion in Gastroenterology* 29:(3) 271-278 (2013)
31. Echevarría JM, González JE, Lewis-Ximenez LL, Dos Santos DRL, Munné MS, Pinto MA, Pujol FH, Rodríguez-Lay LA. Hepatitis E virus infection in Latin America: A review. *Journal of Medical Virology* 85:(6) 1037-1045 (2013)
32. Baylis SA, Blümel J, Mizusawa S, Matsubayashi K, Sakata H, Okada Y, Nübling CM, Hanschmann K-MO. World health organization international standard to harmonize assays for detection of hepatitis E virus RNA. *Emerging Infectious Diseases* 19: (5) 729-735 (2013)
33. Abravanel F, Lhomme S, Dubois M, Peron JM, Alric L, Kamar N, Izopet J. Hepatitis E virus. *Médecine et Maladies Infectieuses*. 2013;43(7):263-270.

34. Abravanel F, Chapuy-Regaud S, Lhomme S, Dubois M, Peron J-M, Alric L, Rostaing L, Kamar N, Izopet J. Performance of two commercial assays for detecting hepatitis E virus RNA in acute or chronic infections. *Journal of Clinical Microbiology* 51:(6) 1913-1916 (2013)
35. Kamar N, Izopet J, Dalton HR. Chronic Hepatitis E Virus Infection and Treatment. *Journal of Clinical and Experimental Hepatology* 3: (2) 134-140 (2013)
36. Velosa M, Figueiredo A, Glória H, Morbey A, Mateus E, Neves Z, Araújo A, Carvalho A, Oliveira J, Barroso E. Fulminant hepatitis E in a pregnant woman. *GE Jornal Português de Gastreenterologia* 20: (5) 210-214 (2013)
37. Pas SD, Streefkerk RHRA, Pronk M, de Man RA, Beersema MF, Osterhaus ADME, van der Eijk AA. Diagnostic performance of selected commercial HEV IgM and IgG ELISAs for immunocompromised and immunocompetent patients. *J Clin Virol* 58: (4) 629-634 (2013)
38. Aggarwal R. Hepatitis E: The endemic perspective. *Clinical Liver Disease* 2:(6):240-244 (2013)
39. Abravanel F, Chapuy-Regaud S, Lhomme S, Miedougé M, Peron J-M, Alric L, Rostaing L, Kamar N, Izopet J. Performance of anti-HEV assays for diagnosing acute hepatitis E in immunocompromised patients. *Journal of Clinical Virology* 58: (4) 624-628. (2013)
40. Potemkin IA, Kyuregyan KK, Isaeva OV, Belyakova VV, Maiorova OA, Shchibrik EV, Polyakov AD, Malinnikova EY, Mikhailov MI. PREVALENCE OF HEPATITIS MARKERS IN BLOOD DONORS IN VARIOUS REGIONS OF THE RUSSIAN FEDERATION. *GEMATOLOGIYA I TRANSFUZIOLOGIYA* (ISSN: 0234-5730) 58: (4) pp. 26-28. (2013)
41. Abravanel F, Lhomme S, Chapuy-Regaud S, Mansuy JM, Muscari F, Sallusto F, Rostaing L, Kamar N, Izopet J. Hepatitis E virus reinfections in solid-organ-transplant recipients can evolve to chronic infections. *J Infect Dis* 209(12):1900-1906 (2014)
42. Wu WC, Su CW, Yang JY, Lin SF, Chen JY, Wu JC. Application of serologic assays for diagnosing acute hepatitis E in national surveillance of a nonendemic area. *Journal of Medical Virology* 86: (4) 720-728 (2014)
43. Debing Y, Neyts J. Antiviral strategies for hepatitis E virus. *Antiviral Res* 102: 106-118 (2014)
44. Kamar N, Dalton HR, Abravanel F, Izopet J. Hepatitis E Virus Infection. *Clin Microbiol Rev* 27: 116-138 (2014)
45. Arends JE, Ghisetti V, Irving W, Dalton HR, Izopet J, Hoepelman AIM, Salmon D. Hepatitis E: An emerging infection in high income countries. *J Clin Virol* 59: (2) 81-88 (2014)
46. Krain LJ, Nelson KE, Labrique AB. Host Immune Status and Response to Hepatitis E Virus Infection: 10.1128/CMR.00062-13 *Clin. Microbiol. Rev.* 27: (1) 139-165 (2014)
47. Hyams C, Mabayoje DA, Copping R, Maranao D, Patel M, Labbett W, Haque T, Webster DP. Serological cross reactivity to CMV and EBV causes problems in the diagnosis of acute hepatitis E virus infection. *J Med Virol* 86: (3) 478-483 (2014)
48. Peláez D, Hoyos MC, Rendón JC, Mantilla C, Ospina MC, Cortés-Mancera F, Pérez OL, Contreras L, Estepa Y, Arbeláez MP, Navas MC. Infección por el virus de la hepatitis E en pacientes con diagnóstico clínico de hepatitis viral en Colombia. *Biomédica* 34: (3) p. 00. (2014)
49. Dalton HR, Pas SD, Madden RG, van der Eijk AA. Hepatitis E Virus: Current Concepts and Future Perspectives. *Current Infectious Disease Reports* 16(4):399 (2014)
50. Ditah I, Ditah F, Devaki P, Ditah C, Kamath PS, Charlton M. Current epidemiology of hepatitis E virus infection in the United States: Low seroprevalence in the National Health and Nutrition Evaluation Survey. *Hepatology* 60(3):815-822 (2014)
51. Riveiro-Barciela M, Buti M, Homs M, Campos-Varela I, Cantarell C, Crespo M, Castells L, Tabernero D, Quer J, Esteban R, Rodriguez-Frias F. Cirrhosis, Liver Transplantation and HIV Infection Are Risk Factors Associated with Hepatitis E Virus Infection. *PLOS ONE* 9: (7) Paper e103028. (2014)
52. Ramez B. Inzidenz, Seroprävalenz, Antikörperverlauf und klinische Epidemiologie der Hepatitis-E-Virus-Infektion bei Patienten nach Lebertransplantation. *Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014.* 101 p. 2014. Medizinischen Fakultät Charité – Universitätsmedizin Berlin
53. Малинникова Елена Юрьевна. Клинико-эпидемиологическая характеристика гепатита Е в Российской Федерации.. *Témavezető(k):* профессор М.И. Михайлов; профессор Л.Ю. Ильченко. *Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2014.* 330 p. 2014. Москва – 2014
54. Dreier J, Juhl D. Autochthonous Hepatitis E Virus Infections: A New Transfusion-Associated Risk? *TRANSFUSION MEDICINE AND HEMOTHERAPY* (ISSN: 1660-3796) 41: (1) pp. 29-39. (2014)
55. Soriano V, Barreiro P. Hepatitis E: An emerging viral disease. *MEDICINA CLINICA* (ISSN: 0025-7753) 143: (1) pp. 22-24. (2014)
56. Siripanyaphinyo U, Boon-Long J, Louisirirothanakul S, Takeda N, Chanmanee T, Srimee B, Namsai A, Pounsawat P, Khupulsap K. Occurrence of Hepatitis E Virus Infection in Acute Hepatitis in Thailand. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 86(10):1730-1735 (2014)
57. Levick C. Hepatitis E virus. *South Sudan Medical Journal*, 2014;7(2):36-39.

58. Behrendt P, Steinmann E, Manns MP, Wedemeyer H. The impact of hepatitis E in the liver transplant setting. *Journal of Hepatology*, 2014;61(6):1418-1429.
59. Đaković Rode O, Jemeršić L, Brnić D, Pandak N, Mikulić R, Begovac J, Vince A. Hepatitis E in patients with hepatic disorders and HIV-infected patients in Croatia: is one diagnostic method enough for hepatitis E diagnosis? *Eur. J. Clin. Microbiol. Infect. Dis.* 33(12): 2231-2236. (2014)
60. Kmush BL, Nelson KE, Labrique AB. Risk factors for hepatitis E virus infection and disease. *Expert Rev. Anti-Infect. Ther.* 13(1): 41-53. (2015)
61. Pavri Tanya M, Herbst David A, Reddy K Rajender. Chronic Hepatitis E Virus Infection Challenges in Diagnosis and Recognition in the United States. *JOURNAL OF CLINICAL GASTROENTEROLOGY* 49(1): 86-88 (2015)
62. Marano Giuseppe, Vaglio Stefania, Pupella Simonetta, Facco Giuseppina, Bianchi Maria, Calizzani Gabriele, Candura Fabio, Catalano Liviana, Farina Blandina, Lanzoni Monica, Piccinini Vanessa, Liunbruno Giancarlo M, Grazzini Giuliano. Hepatitis E: an old infection with new implications. *BLOOD TRANSFUSION* 13(1):6-17. (2015)
63. Anonymous. Hepatitis-E-Virus Releases of the Working Group on Blood of the Federal Ministry for Health. *BUNDESGESUNDHEITSBLATT - GESUNDHEITSFORSCHUNG - GESUNDHEITSSCHUTZ* 58(2):198-218. (2015)
64. Scotto Gaetano, Aucella Filippo, Grandaliano Giuseppe, Martinelli Domenico, Querques Mario, Gesuete Antonio, Infante Barbara, Carri Paolo Delli, Massa Salvatore, Salatino Giovanna, Bulla Fabio, Fazio Vincenzina. Hepatitis E in hemodialysis and kidney transplant patients in south-east Italy. *WORLD JOURNAL OF GASTROENTEROLOGY* 21(11):3266-3273. (2015)
65. Avellon A, Morago L, Garcia-Galera M del C, Munoz M, Echevarría J-M. Comparative sensitivity of commercial tests for hepatitis E genotype 3 virus antibody detection. *J. Med. Virol.* 2015; 87(11):1934-1939.
66. Haffar S, Blazerbach F, Garg S, Lake JR, Freeman ML. Frequency and prognosis of acute pancreatitis associated acute hepatitis E: A systematic review. *Pancreatology*, 2015;15(4):321-326.
67. Manka P, Bechmann LP, Coombes JD, Thodou V, Schlattjan M, Kahraman A, Syn WK, Saner F, Gerken G, Baba H, Verheyen J, Timm J, Canbay A. Hepatitis E virus infection as a possible cause of acute liver failure in Europe. *Clinical Gastroenterology and Hepatology*, 2015;13(10):1836-1842.
68. Klein Fritz, Neuhaus Ruth, Hofmann Joerg, Rudolph Birgit, Neuhaus Peter, Bahra Marcus. Successful Treatment of Chronic Hepatitis E After an Orthotopic Liver Transplant With Ribavirin Monotherapy. *EXPERIMENTAL AND CLINICAL TRANSPLANTATION* 13(3):283-286. (2015)
69. Di Minno G, Perno GF, Tiede A, Navarro D, Canaro M, Guertler L, Ironside JW. Current concepts in the prevention of pathogen transmission via blood/plasma-derived products for bleeding disorders. *BLOOD REVIEWS* 000: p. 000. (2015)
70. Sayed IM, Vercauteren K, Abdelwahab SF, Meuleman P. The emergence of hepatitis E virus in Europe. *FUTURE VIROLOGY* 10: (6) pp. 763-778. (2015)
71. Cristian Camilo Gutiérrez- Vergara, Berardo Rodríguez, Jaime Parra- Suescún, Guillermo Correa-Londoño, Lucelly López- López, Albeiro López- Herrera, Lina Gutiérrez- Builes. Determinación de anticuerpos totales (IgG/IgM) y específicos (IgM) para el virus de la hepatitis E y detección molecular del virus en heces de humanos con o sin exposición ocupacional a porcinos en 10 municipios de Antioquia. *Iatreia Revista Médica Universidad de Antioquia* 28: (3) p. 000. (2015)
72. Mitteilungen des Arbeitskreises Blut des Bundesministeriums für Gesundheit. Hepatitis-E-Virus. *Bundesgesundheitsblatt - Gesundheitsforschung - Gesundheitsschutz* 58: (2) pp. 198-218. (2015)
73. Debinck Y. Towards the development of potent and selective inhibitors of hepatitis A and E virus. Témavezető(k): Johan Neyts. Benyújtás éve: 2014. Védés éve: 2015. Megjelenés/Fokozatszerezés éve: 2015., PhD, KU Leuven, Leuven, Belgium
74. Mokhammed AM, Potemkin IA, Karlson AA, Isaeva OV, Kyuregyan KK, Kozlov VG, Zhavoronok SV, Mikhaylov MI. THE CIRCULATION OF THE HEPATITIS E VIRUS IN RABBITS IN AREAS WITH VARYING DEGREES OF ENDEMICITY FOR HEPATITIS E. *Modern problems of science and education* 2: p. 000. (2015)
75. Abravanel F, Lhomme S, Chapuy-Regaud S, Reron JM, Alric L, Rostaing L, Kamar N, Izopet J. Performance of a new rapid test for detecting anti-hepatitis E virus immunoglobulin M in immunocompetent and immunocompromised patients. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 70: pp. 101-104. (2015)
76. Seitz R, the German Advisory Committee Blood. Hepatitis E Virus. *TRANSFUSION MEDICINE AND HEMOTHERAPY* 42:247-265. (2015)
77. Nouhin J, Barennes H, Madec Y, Prak S, Hou SV, Kerleguer A, Kim S, Pean P, Rouet F. Low frequency of acute hepatitis E virus (HEV) infections but high past HEV exposure in subjects from

- Cambodia with mild liver enzyme elevations, unexplained fever or immunodeficiency due to HIV-1 infection. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 71:22-27. (2015)
78. Nouhin Janin, Barennes Hubert, Madec Yoann, Prak Sophearot, Hou Serey Vannak, Kerleguer Alexandra, Kim Saorin, Pean Polidy, Rouet Francois. Low frequency of acute hepatitis E virus (HEV) infections but high past HEV exposure in subjects from Cambodia with mild liver enzyme elevations, unexplained fever or immunodeficiency due to HIV-1 infection. *JOURNAL OF CLINICAL VIROLOGY* 71:22-27. (2015)
79. Scotto Gaetano, Grisorio Benvenuto, Filippini Pietro, Ferrara Sergio, Massa Salvatore, Bulla Fabio, Martini Salvatore, Filippini Alberico, Tartaglia Alessandra, Lo Muzio Lorenzo, Fazio Vincenzina. Hepatitis E virus co-infection in HIV-infected patients in Foggia and Naples in southern Italy. *Infectious Diseases* 47: (10) pp. 707-713. (2015)
80. Magnusson J, Norder H, Riise G C, Andersson L -M, Brittain-Long R, Westin J. Incidence of Hepatitis E Antibodies in Swedish Lung Transplant Recipients. *TRANSPLANTATION PROCEEDINGS* 47: (6) pp. 1972-1976. (2015)
81. De Paschale M, Ceriani C, Romano L, Cerulli T, Cagnin D, Cavallari S, Ndayake J, Zaongo D, diombo K, Priuli G, Vigano P, Clerici P. Epidemiology of HEV infection during pregnancy in Benin. *TROPICAL MEDICINE & INTERNATIONAL HEALTH* 000: p. 000. (2016)
82. Bazerbachi F, Haffar S, Garg SK, Lake JR. Extra-hepatic manifestations associated with hepatitis E virus infection: a comprehensive review of the literature. *Gastroenterology Report* 000: p. 000. (2015)
83. Lapa D, Capobianchi MR, Garbuglia AR. Epidemiology of Hepatitis E Virus in European Countries. *INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES* 16: (10) pp. 25711-25743. (2015)
84. Walsh SR. Hepatitis E Virus. In: Mandell, Douglas, and Bennett's Principles and Practice of Infectious Diseases. Elsevier Ltd., (2) 2014. pp. 2131-2141e3.
85. Dalton Biol HR, Izopet J, Banks M, Bendall R, Kamar N. Hepatitis E: the commonest viral zoonosis worldwide? In: Zoonoses – Infections Affecting Humans and Animals; Focus on Public Health Aspects, ed: Sing A, pp915-935, 2015 Springer Netherlands, ISBN: 978-94-017-9456-5

69. Reuter G. A XXI. század első influenza pandémiája – virológiai háttér

Magyar Epidemiológia, 2010. 7(2-3), 69-81.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Független idéző: 0 Összesen: 0

70. Reuter G, Pankovics P, Boros Á. Identification of a novel species of astrovirus in domestic pig in Hungary

Archives of Virology, 2011. 156, 125-128.

Impakt faktor: 2,111

Független idéző: 32 Független idéző: 5 Összesen: 37

1. Zhu AL, Zhao W, Yin H, Shan TL, Zhu CX, Yang X, Hua XG, Cui L. Isolation and characterization of canine astrovirus in China. *Arch Virol*, 2011;156(9):1671-1675.
2. Phan TG, Kapusinszky B, Wang C, Rose RK, Lipton HL, Delwart EL. The fecal viral flora of wild rodents. *PLoS Pathogens*, 2011;7(9):e1002218.
3. Lan D, Ji W, Shan T, Cui L, Yang Z, Yuan C, Hua X. Molecular characterization of a porcine astrovirus strain in China. *Arch Virol*, 2011;156(10):1869-1875.
4. Laurin M-A, Dastor M, L'Homme Y. Detection and genetic characterization of a novel pig astrovirus: relationship to other astroviruses. *Arch Virol*, 2011;156(11):2095-2099.
5. de Benedictis P, Schultz-Cherry S, Burnham A, Cattoli G. Astrovirus infections in humans and animals – molecular biology, genetic diversity, and interspecies transmission. *Infect Genet Evol*, 2011;11(7):1529-1544.
6. Shan T, Li L, Simmonds P, Wang C, Moeser A, Delwart E. The fecal virome of pigs on a high-density farm. *J Virol*, 2011;85(22):11697-11708.
7. Farkas T, Fey B, Hargitt E, Parcells M, Ladman B, Murgia M, Saif Y. Molecular detection of novel picornaviruses in chickens and turkeys. *Virus Genes*, 2012;44(2):262-272.
8. Trusczyński M, Pejsak Z. Diarrheal diseases in pigs caused by facultatively pathogenic viruses. *Med Weter*, 2011;68(1):9-14.
9. Oprešnić T, Xiao CT, Halbur PG. Prevalence of porcine astrovirus and Torque teno sus virus in fecal samples from pigs with diarrhea collected in the United States. 2012;

10. Mor SK, Chander Y, Marthaler D, Patnayak DP, Goyal SM: Detection and molecular characterization of porcine astrovirus strains associated with swine diarrhea. *J Vet Diag Invest*, 2012;24(6):1064-1067.
11. De Battisti C, Salviato A, Jonassen CM, Toffan A, Capua I, Cattoli G. Genetic characterization of astroviruses detected in guinea fowl (*Numida meleagris*) reveals a distinct genotype and suggests cross-species transmission between turkey and guinea fowl. *Arch Virol*, 2012;157:1329-1337.
12. Cuelho AL. ANÁLISIS DE VIRUS ENTÉRICOS EN PLANTAS. 2012. Universidad de la República Facultad de Ciencias, Licenciatura en Ciencias Biológicas, Profundización en Microbiología, Uruguay
13. Lee MH, Jeoung HY, Park HR, Lim JA, Song JY, An DJ. Phylogenetic analysis of porcine astrovirus in domestic pigs and wild boars in South Korea. *Virus Genes*, 2013;46(1):175-181.
14. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 2013;158(3):549-558.
15. Shan T, Wang C, Tong W, Zheng H, Hua X, Yang S, Guo Y, Zhang W, Tong G. Complete genome of a novel porcine astrovirus. *J Virol*, 2012;86(24):13820-13821.
16. Delwart E. Animal virus discovery: improving animal health, understanding zoonoses, and opportunities for vaccine development *Current Opinion in Virology* 2012;2(3):344-352.
17. Yokoyama CC, Loh J, Zhao GY, Stappenbeck TS, Wang D, Huang HV, Virgin HW, Thackray LB. Adaptive Immunity Restricts Replication of Novel Murine Astroviruses. *J Virol*, 2012;86(22):12262-12270.
18. Susana Guix, Albert Bosch, Rosa M Pintó. Astrovirus Taxonomy. In: Stacey Schultz-Cherry (szerk.): *Astrovirus Research: Essential Ideas, Everyday Impacts, Future Directions*. New York: Springer, 2012. pp. 97-118.
19. Lan JN, Guo X, Liu L, Zhang MX, Lu BX, Liao CQ, Huang FB, Huang WJ. Isolation, identification and pathogenicity of porcine astroviruses. *China Animal Husbandry Vet Med*, 2012;39:7
20. Brnic D, Prpic J, Keros T, Roic B, Staesina V, Jemersic L. Porcine astrovirus viraemia and high genetic variability in pigs on large holding in Croatia. *Infect Genet Evol*, 2013;14:258-264.
21. Yu JM, Li JS, Ao YY, Duan ZJ. Detection of novel viruses in porcine fecal samples from China. *Virol J*, 2013;10:39.
22. Ithete NL. Investigation of small mammal-borne viruses with zoonotic potential in South Africa. Témavezető(k): Prof Wolfgang Preiser. 220 p. 2013. Faculty of Medicine and Health Sciences at Stellenbosch University
23. Xiao CT, Gimenez-Lirola LG, Gerber PF, Jiang YH, Halbur PG, Opreiessnig T. Identification and characterization of novel porcine astroviruses (PAstVs) with high prevalence and frequent co-infection of individual pigs with multiple PAstV types. *J Gen Virol*, 2012;94(3):570-582.
24. Machnowska P, Ellerbroek L, John R. Detection and characterization of potentially zoonotic viruses in faeces of pigs at slaughter in Germany. *Vet Microbiol* 168: (1) 60-68 (2014)
25. Bosch A, Pintó RM, Guix S. Human astroviruses. *Clinical Microbiology Reviews*. 2014;27:1048-1074.
26. Sharp CP, Gregory WF, Mason C, deC Bronsvooort BM, Beard PM. High prevalence and diversity of bovine astroviruses in the faeces of healthy and diarrhoeic calves in South West Scotland. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 2015;178(1-2):70-76.
27. Lee S, Jang G, Lee C. Complete genome sequence of a porcine astrovirus from South Korea. *Archives of Virology*, 2015;160(7):1819-1821.
28. Monini M, di Bartolo I, Ianiro G, Angeloni G, Magisrali CF, Ostanello F, Ruggeri FM. Detection and molecular characterization of zoonotic viruses in swine fecal samples in Italian pig herds. *Archives of Virology*, 2015;160(10):2547-2556.
29. Li J, Li M, Zheng L, Duan Z. Identification and genetic characterization of two porcine astroviruses from domestic piglets in China. *Arch Virol*, 2015;160(12):3079-3084. 10.1007/s00705-015-2569-x
30. Zhou W, Ullman K, Chowdry V, Reining M, Benyeda Z, Baule C, Jürermalm M, Wallgren P, Schwarz L, Zhou E, Pedrero SP, Hennig-Pauka I, Segales J, Liu L. Molecular investigations on the prevalence and viral load of enteric viruses in pigs from five European countries. *Vet Microbiol*, 2016;185(15):75-81.
31. Guix S, Bosch A, Pintó RM. Astrovirus taxonomy. In: *Astrovirus Research: Essential Ideas, Everyday Impacts, Future Directions*. Springer Science+Business Media, 2012. pp. 97-118. ISBN:1461447356
32. D'Souza DH. Update on foodborne viruses: Types, concentration and sampling methods. In: *Advances in Microbial Food Safety*. Elsevier Ltd., (2) 2014. pp. 102-116. ISBN: 978-1-78242-107-8

71. Pankovics P, Boros Á, Rovács M, Nagy E, Krisztián E, Vollain M, **Reuter G**. Humán astrovírus okozta gastroenteritis járvány első hazai igazolása
Orvosi Hetilap, 2011. 152(2), 45-50.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 3 Független idéző: 0 Összesen: 3

1. Epifanova N V, Novikova N A, Efimov E I, Parfenova O V, Lukovnikova L B, Fomina S G. MOLECULAR-GENETIC CHARACTERISTIC OF ASTROVIRUSES CIRCULATING IN NIZHNY NOVGOROD. Zhurnal Mikrobiologii Epidemiologii i Immunobiologii(6) 32-39 (2012)
2. Wang Yong-xia libertywangcom, Duan Zhao-jun zhaojundcom, Li Yu-ning. Reseanh Advance in Human Astrovirus. Chinese Journal of Virology 28: (4) 482-487 (2012)
3. Krishnan T. Novel human astroviruses: challenges for developing countries. VIRUS DISEASE 25(2): 208-214. (2014)

72. **Reuter G**, Boros Á, Pankovics P. Kobuviruses – a comprehensive review
Reviews in Medical Virology, 2011. 21(1), 32-41.

Impakt faktor: 7,2

Független idéző: 68 Független idéző: 4 Összesen: 72

1. Phan TG, Kapusinszky B, Wang C, Rose RK, Lipton HL, Delwart EL. The fecal viral flora of wild rodents. PLoS Pathogens, 2011;7(9):e1002218.
2. Kapoor A, Simmonds P, Dubovi EJ, Qaisar N, Henriquez JA, Medina J, Shields S, Lipkin WI. Characterization of a canine homolog of human Aichivirus. J Virol, 2011;85(21):11520-11525.
3. Yu YP, Sweeney TR, Kafasla P, Jackson RJ, Pestova TV, Hellen CUT. The mechanism of translation initiation on Aichivirus RNA mediated by a novel type of picornavirus IRES. EMBO J, 2011;30(21):4423-4436.
4. Barry AF, Ribeiro J, Alfieri AF, van der Poel WHM, Alfieri AA. First detection of kobuvirus in farm animals in Brazil and the Netherlands. Infect Gen Evol, 2011;11(7):1811-1814.
5. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Hidaka S, Kongkaew S, Kongkaew A, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Sequence analysis of porcine kobuvirus VP1 region detected in pigs in Japan and Thailand. Virus Genes, 2011;44(2):253-257.
6. Sweeney TR, Dhote V, Yu YP, Hellen CUT. A distinct class of internal ribosomal entry site in members of the Kobuvirus and proposed Salivirus and Paraturdivirus genera of the Picornaviridae. J Virol, 2012;86(3):1468-1486.
7. Woo PCY, Lau SKP, Choi GKY, Huang Y, Teng JLL, Tsoi HW, Tse H, Yeung ML, Chan KH, Jin DY, Yuen KY. Natural occurrence and characterization of two internal ribosome entry site elements in a novel virus, canine picodistrovirus, in the Picornavirus-like superfamily. J Virol, 2012;86(5):2797-2808.
8. Lukashev A, Drexler JF, Belalov I, Eschbach-Bludau M, Baumgarte S, Drosten C. Genetic variation and recombination in Aichi virus. J Gen Virol, 2012;93(6):1226-1235.
9. Greninger AL, Knudsen GM, Betegon M, Burlingame AL, DeRisi JL. The 3A protein from multiple picornaviruses utilizes the golgi adaptor protein ACBD3 to recruit PI4KIII beta. J Virol, 2012;86(7):3605-3616.
10. Jokela P. Multiplex RT-PCR in the diagnosis of human picornaviruses and human respiratory viruses. PhD Dissertation, 2012, Finland.
11. Altan-Bonnet N, Balla T. Phosphatidylinositol 4-kinases: hostages harnessed to build panviral replication platforms. Trends Biochem Sci, 2012;37(7):293-302.
12. Thorley BR, Roberts JA. The association of picornaviruses with gastroenteritis. Microbiol Australia, 2012;33(2):82-84.
13. Di Martino B, Di Profio F, Di Felica E, Ceci C, Pistilli MG, Marsilio F. Molecular detection of bovine kobuviruses in Italy. Arch Virol, 2012;157(12):2393-2396.
14. Ni Debin Roderick Woo, Hu Rui-Ming Liu: 猪库布病毒RT—PCR检测方法的建立及湖北省流行病学初步调查. Journal of Huazhong Agricultural University, 2012;31(4):485-489.
15. Lin Y, Xiao S, Zeng Y, Song T, Zeng S, Chen H, Fang L. Complete genome sequence of porcine kobuvirus strain WUH1. J Virol, 2012;86(12):7010.
16. Rao CD, Yergolkar P, Shankarappa KS. Antigenic diversity of enteroviruses associated with nonpolio acute flaccid paralysis, India, 2007-2009. Emerg Infect Dis, 2012;18(11):1833-1840.

17. Dufkova L, Scigalkova I, Moutelikova R, Malenovska H, Prodelalova J. Genetic diversity of porcine sapoviruses, kobuviruses, and astroviruses in asymptomatic pigs: an emerging new sapovirus GIII genotype. *Arch Virol.*, 2012;158(3):549-558.
18. Tapparel C, Siegrist F, Petty TJ, Kaiser L. Picornavirus and enterovirus diversity with associated human diseases. *Infect Genet Evol*, 2012;14:282-293.
19. Knox CM, Luke GA, Dewar J, de Felipe P, Williams BJ. Rotaviruses and emerging picornaviruses as aetiological agents of acute gastroenteritis. *South Afr J Epidemiol Infect*, 2012;27(4):414-148.
20. Kapusinszky B, Minor P, Delwart E. Nearly Constant Shedding of Diverse Enteric Viruses by Two Healthy Infants. *J Clin Microbiol*, 2012;50(11):3427-3434.
21. Shen SF, Tang SD, Sun QY. Introduction to porcine kobuvirus infection. *Progress in Veterinary Medicine* 33: (4) 00 (2012) doi: 10.3969/j.issn.1007-5038.2012.01.026
22. Chen RJ, Wu YM, Che YL, Wang LB, Wei H, Zhuang YS, Liu YT, Yan S, Zhou LJ. Cloning and evolution analysis of the 3D gene of porcine kobuvirus in Fujian. *Fujian J Agricultural Sciences*, 2012;27(9):941-944.
23. Muskens J, Smolenaars A J G, van der Poel W H M, Mars M H, van Wuijckhuise L, Holzhauer M, van Weering H, Kock P. Diarrhea and production decrease on Dutch dairy farms by the mountain Schmallen virus. *Tijdschrift voor Diergeneeskunde* 137: (2) 112-115 (2012)
24. Chen YS, Chen BC, Lin YS, Chang JT, Huang TS, Chen JJ, Chang TH. Detection of Aichi virus with antibody targeting of conserved viral protein 1 epitope. *Appl Microbiol Biotechnol*, 2013;97:8529-8536.
25. Verma H, Mor SK, Abdel-Glil MY, Goyal SM. Identification and molecular characterization of porcine kobuvirus in U.S. swine. *Virus Genes*, 2013;46:551-553.
26. Vizzi E, Medina LAA. Enteropathogens responsible of gastrointestinal disorders in HIV patients. *Investigacion Clinica (Venezuela)* 54: (1) 90-108 (2013)
27. Carmona-Vicente N, Buesa J, Brown PA, Merga JY, Darby AC, Stavisky J, Sadler L, Gaskell RM, Dawson S, Radford AD. Phylogeny and prevalence of kobuviruses in dogs and cats in the UK. *Veterinary Microbiology* 164:(3-4) 246-252 (2013)
28. Ribeiro J, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alfieri AA. High frequency of Aichivirus C (porcine kobuvirus) infection in piglets from different geographic regions of Brazil. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45:1757-1762.
29. Kitajima M, Hata A, Yamashita T, Haramoto E, Minagawa H, Katayama H. Development of a Reverse Transcription-Quantitative PCR System for Detection and Genotyping of Aichi Viruses in Clinical and Environmental Samples. *APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY* 79: (13) 3952-3958 (2013)
30. Lodder WJ, Rutjes SA, Takumi K, de Roda Husman AM. Aichi virus in sewage and surface water, the Netherlands. *Emerg Infect Dis* 19: (8) 1222-1230 (2013)
31. Di Martino B, Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F. Molecular detection of Aichi virus raw sewage in Italy. *Arch Virol*, 2013;158(9):2001-2005.
32. Zhang Q, Hu R, Tang X, Wu C, He Q, Zhao Z, Chen H, Wu B. Occurrence and investigation of enteric viral infections in pigs with diarrhea in China. *Arch Virol* 158: (8) 1631-1636 (2013)
33. Di Profio F, Ceci C, Di Felice E, Marsilio F, Di Martino B. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Res Vet Sci*, 2013;95(2):782-785.
34. Smits SL, Raj VS, Oduber MD, Schapendonk CME, Bodewes R, Provacia L, Stittelaar KJ, Osterhaus ADME, Haagmans BL. Metagenomic analysis of the ferret fecal viral flora. *PLoS One* 8: (8) Paper e71595. (2013)
35. Chang JT; Chen YS; Chen BC; Chao D; Chang TH. Complete genome sequences of the first Aichi virus isolated in Taiwan. *Genome announcements*. 2013;1(1): doi: 10.1128/genomeA.00107-12
36. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virol J*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
37. Fan S, Sun H, Ying Y, Gao X, Wang Z, Yu Y, Li Y, Wang T, Yu Z, Yang S, Zhao Y, Qin C, Gao Y, Xia X. Identification and characterization of porcine kobuvirus variant isolated from suckling piglet in Gansu province, China. *Viruses* 5: (10) 2548-2560 (2013)
38. Cook N, Richards GP. An introduction to food- and waterborne viral disease. *Viruses in Food and Water: Risks, Surveill. and Control* pp. 3-18. (2013)

39. Schibler Manuel. Recombinaison expérimentale intra-et interespèce chez les Rhinovirus et Quantification d'ARN de Rhinovirus par RT-PCR en temps réel. Doctoral Thesis, 2013. Université de Genève
40. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
41. Chang J, Wang Q, Wang F, Jiang Z, Liu Y, Yu L. Prevalence and genetic diversity of bovine kobuvirus in China. *Archives of Virology* 159(6):1505-1510 (2014).
42. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014).
43. Chen L, Zhu L, Xu ZW, Guo WZ. Molecular genetics of Aichivirus C (porcine kobuvirus) in China. *British Journal of Virology* 1(1):34-41 (2014)
44. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular Characterization of the Full Kobuvirus Genome in a Cat. *Genome Announc* 2: (2) p. e00420-14. (2014)
45. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38(2):177-182. (2014)
46. Chuchaona W, Khamrin P, Maneekarn N. Molecular characterization of Aichi virus circulating in pediatric patients with diarrhea in Chiang Mai, Thailand. Graduate Research Conference, 2014, MMO20, pp1063-1069. Khon Kaen University, Thailand.
47. Akhter S, Türegün B, Kiyan M, Gerceker D, Güriz H, Sahin F. Investigation of Seven Different RNA Viruses Associated with Gastroenteritis in Children Under Five Years Old. *Mikrobiyol Bul* 48: (2) pp. 233-241. (2014)
48. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Kalesaran AFC, Takanashi S, Shimizu H, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Molecular characterization and sequence analysis of the 2B region of Aichivirus C strains in Japan and Thailand. *Infection, Genetics and Evolution* 26:89-94 (2014)
49. Smiths SL, Schapendonk CME, van Beek J, Vennema H, Schürch AC, Schipper D, Bodewes R, Haagmans BL, Osterhaus ADME, Koopmans MP. New viruses in idiopathic human diarrhea cases, the Netherlands. *Emerging Infectious Diseases* 20: (7) p. 1218. (2014)
50. Libonati MH, Dennis AF, Ramani S, McDonald SM, Akopov A, Kirkness EF, Kang G, Patton JT. Absence of Genetic Differences among G10P[11] Rotaviruses Associated with Asymptomatic and Symptomatic Neonatal Infections in Vellore, India. *JOURNAL OF VIROLOGY* 88:(16)9060-9071. (2014)
51. Oem JK, Lee MH, Lee KK, An DJ. Novel Kobuvirus species identified from black goat with diarrhea. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 172: (3-4):563-567 (2014)
52. Li XQ, Zhou YC, Ji HW, Xu ZW, Zhu L. One-step reverse transcription-loop-mediated isothermal amplification assay for sensitive and rapid detection of porcine kobuvirus. *JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS* 207:1-5. (2014)
53. Yang Z, Jin W, Zhao Z, Lin W, Zhang D, Yu E, Qin A, Yang H. Genetic characterization of porcine kobuvirus and detection of coinfecting pathogens in diarrheic pigs in Jiangsu Province, China. *Archives of Virology*, 2014;159(12):3407-3412.
54. Hellmér M, Paxéus N, Magnus L, Enache L, Arnholm B, Johansson A, Bergström T, Norder H. Detection of pathogenic viruses in ewe provided early warnings of hepatitis A virus and norovirus outbreaks. *Applied and Environmental Microbiology*, 2014;80(21):6771-6781.
55. Firth C, Bhat M, Firth MA, Williams SH, Frye MJ, Simmonds P, Conte JM, Ng J, Garcia J, Bhuvana NP, Lee B, Che X, Quan PL, Lipkin WI. Detection of zoonotic pathogens and characterization of novel viruses carried by commensal *Rattus norvegicus* in New York city. *mBio*, 2014;5(6):e01933-14.
56. Willemijn J Lodder. The role of water in human picornavirus transmission. PhD-thesis, Utrecht University, the Netherlands, 200 p. 2014. ISBN: 978-94-6259-166-0
57. Pejsak Z, Truszczyński M. Choroby swin o dużej dynamice szerzenia się oraz nowo odkrywane patogeny. *Zycie Weterynaryjne*, 2014;89(11):920-923.
58. Cho YY, Lim SI, Kim YK, Song JY, Lee JB, An DJ. Molecular evolution of kobuviruses in cats. *Arch Virol*, 2015;160(2):537-541.
59. Choi JW, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Genetic characteristics of the complete feline kobuvirus genome. *Virus Genes*, 2015;50(1):52-57.
60. Kitajima M, Gerba CP. Aichi virus 1: environmental occurrence and behavior. *PATHOGENS* (ISSN: 2076-0817) 4: (2) pp. 256-268. (2015)
61. Ximena A Olarte-Castillo, Felix Heeger, Camila J Mazzoni, Alex D Greenwood, Robert Fyumagwa, Patricia D Moehlman, Heribert Hofer, Marion L East. Molecular characterization of canine kobuvirus in wild carnivores and the domestic dog in Africa. *Virology* 477:89-97. (2015)

62. Di Bartolo I, Angeloni G, Tofani S, Monini M, Ruggeri FM. Infection of farmed pigs with porcine kobuviruses in Italy. *Arch Virol*, 2015;160:1533-1536.
63. Jin WJ, Yang Z, Zhao ZP, Wang WY, Yang J, Qin AJ, Yang HC. Genetic characterization of porcine kobuvirus variants identified from healthy piglets in China. *Infection, Genetics and Evolution*, 2015;35:89-95
64. Ni Y, He K, Mao A, Yu Z, Li B, Guo R, Lu L, Zhu H, Zhou J, Wen L, Zhang X, Wang X, Wang W. Genetic variation analysis of 3D gene and molecular detection of porcine kobuvirus in 2013-2014. *Agricultural Science and Technology*, 2015;16:3:443-446.
65. Otamaru K, Naoi Y, Haga K, Omatsu T, Uto T, Koizumi M, Masuda T, Yamasato H, Takai H, Aoki H, Tsuchiaka S, Sano K, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Furuya T, Shirai J, Katayama K, Mizutani T, Nagai M. Detection of novel kobu-like viruses in Japanese black cattle in Japan. *J Veterinary Medical Science*, 2015; id: 15-0447 DOI: 10.1292/jvms.15-0447
66. Steyer A, Naglic T, Kolenc M, Sgadin M, Poljsak-Prijatelj. Novosti na področju virusnih okužb prebavil - Novelty in Gastrointestinal Viral Infections. *MEDICINSKI RAZGLEDI* 54: (S2) pp. 93-102. (2015)
67. Yates MV. Emerging Viruses. In: *Microbiology of Waterborne Diseases: Microbiological Aspects and Risks: Second Edition*. Elsevier Ltd., 2013. (ISBN 9780124158467) pp. 529-533.
68. Cathcart AL, Baggs EL, Semler BL. Picornaviruses: Pathogenesis and Molecular Biology. In: *Reference Module in Biomedical Research*. Elsevier, 2014.

- 73. Yilmaz H, Kocazeybek B, Ozkul AA, Turan N, Reuter G, Bostan K, Yilmaz A, Altan E, Uyunmaz G, Karaköse AR, Muratoglu K, Elevli M, Helps C. Frequency and phylogeny of norovirus in diarrheic children in Istanbul, Turkey**
Journal of Clinical Virology, 2011. 51(3), 160-164.

İmpakt faktör: 3,969

Függöten idéző: 18 Függö idéző: 0 Összesen: 18

1. Ji XF, Luo C, Hu TT, Luo MH, Li MQ, Liu Y, Chen Q, Yu S. The surveillance of viral diarrhea among migrant children in Guangzhou. *Journal of Tropical Medicine* 12: (4) 00 (2012)
2. Tran TNH, Trainor E, Nakagomi T, Cunliffe NA, Nakagomi O. Molecular epidemiology of noroviruses associated with acute sporadic gastroenteritis in children: global distribution of genogroups, genotypes and GII.4 variants. *J Clin Virol*, 2013;56(3):185-193.
3. Altay A, Bozdayi G, Meral M, Dallar Bilge Y, Dalgıç B, Özkan S, Ahmed K. Investigation of norovirus infection incidence among 0-5 years old children with acute gastroenteritis admitted to two different hospitals in Ankara, Turkey. *Mikrobiyoloji Bulteni* 47: (1) 98-108 (2013)
4. Tang MB, Chen CH, Chen SC, Chou YC, Yu CP. Epidemiological and molecular analysis of human norovirus infections in Taiwan during 2011 and 2012. *BMC Infectious Diseases* 13: 338 (2013)
5. Tsai CN, Lin CY, Lin CW, Shih KC, Chiu CH, Chen SY. Clinical relevance and genotypes of circulating noroviruses in northern Taiwan, 2006–2011. *J Med Virol*, 2014;86:335-346.
6. Mitui MT, Bozdayi G, Ahmed S, Matsumoto T, Nishizono A, Ahmed K. Detection and molecular characterization of diarrhea causing viruses in single and mixed infections in children: A comparative study between Bangladesh and Turkey. *J Med Virol*, 2014;86(7):1159-1168.
7. Gülen A, Hacimustafaoglu M. ÇOCUKLARDA AKUT İNFEKSİYÖZ GASTROENTERİTLERE GENEL YAKLAŞIM: General Evaluation of Acute Gastroenteritis in Children. *ANKEM Derg* 27: (3) 147-157 (2013)
8. Hickman D, Jones MK, Zhu S, Kirkpatrick E, Ostrov DA, Wang X, Ukhanova M, Sun Y, Mai V, Salemi M, Karst SM. The Effect of Malnutrition on Norovirus Infection. *mBio* 5: (2) p. e01032-13. (2014)
9. Sözen H, Gönen I, Beydilli H. An outbreak of norovirus gastroenteritis in a county in Turkey. *Journal of Microbiology and Infectious Diseases* 4: (1) pp. 26-29. (2014)
10. Akhter S, Türegün B, Kiyan M, Gerçek D, Güriz H, Şahin F. Investigation of Seven Different RNA Viruses Associated with Gastroenteritis in Children Under Five Years Old. *Mikrobiyol Bul* 48: (2) pp. 233-241. (2014)
11. Inan N, Ünsür Kabakoglu E, Demirel A, Mamcu D, Sönmez E, Arisoy A. AKUT VİRAL GASTROENTERİT ÖNTANILI VAKALARDA ROTAVİRUS, ADENOVİRUS VE NOROVİRUS SIKLIĞININ ARAŞTIRILMASI. *ANKEM Derg* 28: (1) pp. 14-19. (2014)
12. Wollants E, De Coster S, Van Ranst M, Maes P. A decade of norovirus genetic diversity in Belgium. *Infection, Genetics and Evolution* 30:37-44. (2015)

13. Tan Dongmei, Deng Lili, Wang Mingliu, Li Xiugui, Ma Yuyan, Liu Wei. High Prevalence and Genetic Diversity of Noroviruses Among Children With Sporadic Acute Gastroenteritis in Nanning City, China, 2010-2011. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 87(3):498-503. (2015)
14. Wilhelm Barbara, Waddell Lisa, Greig Judy, Rajic Andrijana, Houde Alain, McEwen Scott A. A scoping review of the evidence for public health risks of three emerging potentially zoonotic viruses: hepatitis E virus, norovirus, and rotavirus. *PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE* 119(1-2):61-79. (2015)
15. Col D, Bicer S, Ugras M, Kucuk O, Giray T, Gurol Y, Erdag G C, Vitrinel A, Celik G, Kaspar C. Relative frequency of norovirus infection in children with acute gastroenteritis. *MINERVA PEDIATRICA* 67(1):19-24. (2015)
16. Altay A, Yahiro T, Bozdayi G, Matsumoto T, Sahin F, Ozkan S, Nishizono A, Söderlund-Venermo M, Ahmed K. Bufavirus genotype 3 in Turkish children with severe diarrhoea. *Clin Microbiol Infect*, 2015; 21(10):965
17. Bozkurt D, Selimoğlu MA, Otlı B, Sandıkkaya A. Eight different viral agents in childhood acute gastroenteritis. *TURKISH JOURNAL OF PEDIATRICS* 57: (1) pp. 68-73. (2015)
18. Jones MK, Zhu S, Karst SM. EMERGING HUMAN NOROVIRUS INFECTIONS. In: Singh SK (szerk.): *Viral Infections and Global Change*. Hoboken: John Wiley & Sons, 2013.

74. Boros Á, Pankovics P, Reuter G. Characterization of a novel porcine enterovirus in domestic pig in Hungary

Infection, Genetics and Evolution, 2011. 11, 1096-1102.

Impakt faktor: 3,128

Független idéző: 14 Független idéző: 3 Összesen: 17

1. Truszczyński M, Pejsak Z. Diarrheal diseases in pigs caused by facultatively pathogenic viruses. *Med Weter*, 2011;68(1):9-14.
2. Zhang W, Yang S, Shen Q, Ren L, Shan T, Wei J, Cui L, Hua X. Complete genome sequence of a novel porcine enterovirus strain in China. *J Virol*, 2012;86(12):7008-7009.
3. Moon HJ, Song DS, Seon BH, Kim HK, Park SJ, An DJ, Kim JM, Kang BK, Park BK. Complete genome analysis of porcine enterovirus B isolated in Korea. *J Virol*, 2012;86:10250
4. Prodelalová J. The survey of porcine teschoviruses, sapeloviruses and enteroviruses B infecting domestic pigs and wild boars in the Czech Republic between 2005 and 2011. *Infect Genet Evol*, 2012;12(7):1447-1451.
5. Ren L, Zhang W, Yang S, Shen Q, Fan K, Hua X. Sequencing of a porcine enterovirus strain prevalent in swine groups in China and recombination analysis. *Vet Microbiol*, 2012;159(1-2):265-268.
6. Fournie G, Kearsley-Fleet L, Otte J, Pfeiffer D. Trends in the emergence of swine pathogens. Building bridges, Supporting livelihoods, FAO, Regional Office for Asia and the Pacific, Bangkok, Thailand, 2012, pp1-36.
7. Cano-Gómez C, García-Casado MA, Soriguer R, Palero F, Jiménez-Clavero MA. Teschoviruses and sapeloviruses in faecal samples from wild boar in Spain. *Veterinary Microbiology* 165:(1-2) 115-122 (2013)
8. Son KY, Kim SD, Matthijnsens J, Kwon HJ, Park JG, Hosmillo M, Alfajaro MM, Ryu EH, Kim JY, Kang MI, Cho KO. Molecular epidemiology of Korean porcine sapeloviruses. *Arch Virol* 159(5):1175-1180 (2013)
9. Donin DG, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alberton GC, Alfieri AA. First report of Porcine teschovirus (PTV), Porcine sapelovirus (PSV) and Enterovirus G (EV-G) in pig herds of Brazil. *Trop Anim Health Prod* 46(3):523-528 (2013)
10. Van Dung N, Anh PH, Van Cuong N, Hoa NT, Carrique-Mas J, Hien VB, Campbell J, Baker S, Farrar J, Woolhouse ME, Bryant JE, Simmonds P. Prevalence, genetic diversity and recombination of species G enteroviruses infecting pigs in Vietnam. *Journal of General Virology* 95: (PART3) pp. 549-556. (2014)
11. Sachsenröder J, Twardziok SO, Scheuch M, John R. The general composition of the faecal virome of pigs depends on age, but not on feeding with a probiotic bacterium. *PLoS ONE* 9: (2) Paper e88888. (2014)
12. Anbalagan S, Hesse RA, Hause BM. First Identification and Characterization of Porcine Enterovirus G in the United States. *PLoS One* 9: (5) p. e97517. (2014)
13. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK

14. Donin DG, Leme RA, Alfieri AF, Alberton GC, Alfieri AA. Molecular survey of porcine teschovirus, porcine sapelovirus and enterovirus G in captive wild boars (*Sus scrofa scrofa*) of Paraná state, Brazil. *Pesquisa Vet Bras*, 2015;35(5):403-408.

- 75. Burián Zs, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, Pankovics P, Farkas T, Reuter G.** Detection and follow-up of Torque teno midi virus (“small anelloviruses”) in nasopharyngeal aspirates and other three human body fluids in children
Archives of Virology, 2011. 156, 1537-1541.

Impakt faktor: 2,111

Független idéző: 7 Függő idéző: 1 Összesen: 8

1. Salmanizadeh S, Bouzari M, Talebi A. Detection of torque teno midi virus/small anellovirus (TTMDV/SAV) in chronic cervicitis and cervical tumor sin Isfahan, Iran. *Arch Virol*, 2012;157(2):291-295.
2. Popgeorgiev N, Temmam S, Raoult D, Desnues C. Describing the Silent Human Virome with an Emphasis on Giant Viruses. *INTERVIROLOGY* 56: (6) 395-412 (2013)
3. Cicarelli S, Stolfi I, Caramia G. Management strategies in the treatment of neonatal and pediatric gastroenteritis. *Infect Drug Resist* 6: 133-161 (2014)
4. Hewitson L, Thissen JB, Gardner SN, McLoughlin KS, Glausser MK, Jaing CJ. Screening of Viral Pathogens from Pediatric Ileal Tissue Samples after Vaccination. *Advances in Virology*, 720585 (2014)
5. Phan TG, Luchsinger V, Avendaño LF, Deng X, Delwart E. Cyclovirus in nasopharyngeal aspirates of Chilean children with respiratory infections. *Journal of General Virology* 95: (PART 4) pp. 922-927. (2014)
6. Bouzari M, Salmanizadeh S. Detection of Torque teno midi virus/Small anellovirus (TTMDV/SAV) in the sera of domestic village chickens and its vertical transmission from hen to eggs. *Iranian Journal of Veterinary Research*, 2015;16(1):110-113.
7. Fathollahi M, Bouzari M. Torque Teno Midi virus/small anellovirus in sera of healthy, HIV/HCV and HIV infected individuals in Lorestan Province, Iran. *Jundishapur Journal of Microbiology*, 2015;8(11):e25368

- 76. Reuter G, Új M, Pankovics P, Kolozsi T, Mihály I, Liptai Z, Boros Á.** A humán parechovírusok klinikai jelentősége és első hazai azonosítása/Clinical significance and the first identification of human parechoviruses in Hungary
Orvosi Hetilap, 2011. 152(25), 1007-1012.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0

- 77. Tuzankina AI, Kobeleva YM, Kiseleva NN, Bolkov MC, Reuter G, Maródi L.** Cytotoxic T lymphocytes mediate neuronal injury in patients with X-linked agammaglobulinemia and progressive neurodegenerative disease
Allergy (European Journal of Allergy and Clinical Immunology), 2011. 66(12), 1617-1618.

Impakt faktor: 6,271

Független idéző: 1 Függő idéző: 3 Összesen: 4

1. Sag AT, Saka E, Ozgur TT, Sanal O, Ayvaz DC, Elibol B, Kurne AT. Progressive Neurodegenerative Syndrome in a Patient with X-Linked Agammaglobulinemia Receiving Intravenous Immunoglobulin Therapy. *COGNITIVE AND BEHAVIORAL NEUROLOGY* 27:(3)155-159. (2014)

- 78. Boros Á, Pankovics P, Simmonds P, Reuter G.** Novel positive-sense, single-stranded RNA (+ssRNA) virus with di-cistronic genome from intestinal content of freshwater carp (*Cyprinus carpio*)
PLoS One, 2011.6(10) e29145

Impakt faktor: 4,092

Független idéző: 2 Függő idéző: 18 Összesen: 20

1. Firth AE, Brierley I. Non-canonical translation in RNA viruses. *J Gen Virol*, 2012;93(7):1385-1409.
2. Lange J, Groth M, Fichtner D, Granzow H, Keller B, Walther M, Platzer M, Sauerbrei A, Zell R. Virus isolate from carp: Genetic characterization reveals a novel picornavirus with two aphthovirus 2A-like sequences. *Journal of General Virology* 95: (PART 1) pp. 80-90. (2014)

79. Reuter G, Pankovics P, Delwart E, Boros Á. Identification of a novel astrovirus in domestic sheep in Hungary
Archives of Virology, 2012. 157, 323-327.

Impakt faktor: 2,03

Független idéző: 10 Független idéző: 5 Összesen: 15

1. Susana Guix, Albert Bosch, Rosa M Pintó. Astrovirus Taxonomy. In: Stacey Schultz-Cherry (szerk.): *Astrovirus Research: Essential Ideas, Everyday Impacts, Future Directions*. New York: Springer, 2012. pp. 97-118
2. Oem JK, An DJ. Phylogenetic analysis of bovine astrovirus in Korean cattle. *Virus Genes* 48(2):372-375 (2014)
3. Neill JD, Bayles DO, Ridpath JF. Simultaneous Rapid Sequencing of Multiple RNA Virus Genomes. *J Virol Methods* 201(1):68-72 (2014)
4. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Il viroma degli ovi-caprini: aspetti zoonosici. *Large Animal Review*. 2014;20:Suppl 1 pp62-66.
5. Bosch A, Pintó RM, Guix S. Human astroviruses. *Clinical Microbiology Reviews*. 2014;27:1048-1074.
6. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
7. Daly GM, Leggett RM, Rowe W, Stubbs S, Wilkinson M, Ramirez-Gonzalez RH, Caccamo M, Bernal W, Heeney J. Host Subtraction, Filtering and Assembly Validations for Novel Viral Discovery Using Next Generation Sequencing Data. *PLOS ONE* 10(6):Paper e0129059. (2015)
8. Alfred Niyokwishimira, Liu Huan, Li Mu Lan, Hong Shao Feng, Tang Hai Bo, Wei Zu Zhang, Chen Ying, Li Fa Kai, Zhong Yi Zhi, Huang Wei Jian. Molecular epidemiology and phylogenetic analysis of diverse bovine astroviruses associated with diarrhea in cattle and water buffalo calves in China. *JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE* 77(6):643-651. (2015)
9. Makoto Nagai, Tsutomu Omatsu, Hiroshi Aoki, Konosuke Otomaru, Takehiko Uto, Motoya Koizumi, Fujiko Minami-Fukuda, Hikaru Takai, Toshiaki Murakami, Tsuneyuki Masuda, Hiroshi Yamasato, Mai Shiokawa, Shinobu Tsuchiaka, Yuki Naoi, Kaori Sano, Sachiko Okazaki, Yukie Katayama, Mami Oba, Tetsuya Furuya, Junsuke Shirai, Tetsuya Mizutani. Full genome analysis of bovine astrovirus from fecal samples of cattle in Japan: identification of possible interspecies transmission of bovine astrovirus. *Archives of virology*, 2015;160(10):2491-2501.
10. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Enteric viral infections in lambs or kids. *Veterinary Microbiology*, 2015;181(1-2):154-160.

80. Pankovics P, Boros Á, Reuter G. Novel picornavirus in domesticated common quail (*Coturnix coturnix*) in Hungary
Archives of Virology, 2012. 157, 525-530.

Impakt faktor: 2,03

Független idéző: 8 Független idéző: 8 Összesen: 16

1. Fichtner D, Philipps A, Groth M, Schmidt-Posthaus H, Granzow H, Dauber M, Platzer M, Bergmann SM, Schrüdde D, Sauerbrei A, Zell R. Characterization of a novel picornavirus isolate from a diseased European eel (*Anguilla anguilla*). *J Virol* 2013;87(19):10895-10899.
2. Bullman S, Kearney K, O'Mahony M, Kelly L, Whyte P, Fanning S, Morgan JG. Identification and genetic characterisation of a novel picornavirus from chickens. *J Gen Virol* 95:1094-1103 (2014) 10.1099/vir.0.061085-0
3. Wang X; Liu N; Wang F; Ning K; Li Y; Zhang D. Genetic characterization of a novel duck-origin picornavirus with six 2A proteins. *J Gen Virol*, 2014;95(6):1289-1296. 10.1099/vir.0.063313-0
4. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. *Veterinary Microbiology* 172(1-2):78-91 (2014)
5. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. *Current Opinion in Virology* 10:63-69. (2015)

6. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
7. Nagai M, Omatsu T, Aoki H, Kaku Y, Belsham GJ, Haga K, Naoi Y, Sano K, Umetsu M, Shiokawa M, Tsuchiaka S, Furuya T, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Shirai J, Katayama K, Mizutani T. Identification and complete genome analysis of novel picornavirus in bovine in Japan. *VIRUS RESEARCH*, 2015;210:205-212.
8. Kapgate S S, Barbuddhe S B, Kumanan K. Next-generation sequencing technologies: Tool to study avian virus diversity. *ACTA VIROLOGICA* 59(1):3-13. (2015)

- 81. Boros Á, Nemes Cs, Pankovics P, Bíró H, Kapusinszky B, Delwart E, Reuter G.** Characterization of a novel porcine enterovirus in wild boars in Hungary
Archives of Virology, 2012. 157, 981-986.

Impakt faktor: 2,03

Független idéző: 6 Független idéző: 4 Összesen: 10

1. Moon HJ, Song DS, Seon BH, Kim HK, Park SJ, An DJ, Kim JM, Kang BK, Park BK. Complete genome analysis of porcine enterovirus B isolated in Korea. *J Virol*, 2012;86(18):10250.
2. Zhang C, Wang Z, Hu F, Liu Y, Qiu Z, Zhou S, Cui S, Wang M. The survey of porcine teschoviruses in field samples in China with a universal rapid probe real-time RT-PCR assay. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45(4):1057-1061.
3. Cano-Gómez C, García-Casado MA, Soriguer R, Palero F, Jiménez-Clavero MA. Teschoviruses and sapeloviruses in faecal samples from wild boar in Spain. *Veterinary Microbiology* 165:(1-2) 115-122 (2013)
4. Dung NV, Anh PH; Cuong NV, Hoa NT, Carrique-Mas J; Hien VB, Campbell J, Baker S, Farrar J, Woolhouse ME, Bryant JE, Simmonds P. Prevalence, genetic diversity and recombination of species G enteroviruses infecting pigs in Vietnam. *J Gen Virol*, 2014;95:549-556. DOI: 10.1099/vir.0.061978-0
5. Anbalagan S, Hesse RA, Hause BM. First Identification and Characterization of Porcine Enterovirus G in the United States. *PLoS One* 9:(5) e97517. (2014)
6. Donin DG, Leme RA, Alfieri AF, Alberton GC, Alfieri AA. Molecular survey of porcine teschovirus, porcine sapelovirus and enterovirus G in captive wild boars (*Sus scrofa scrofa*) of Paraná state, Brazil. *Pesquisa Vet Bras*, 2015;35(5):403-408.

- 82. Reuter G, Nemes Cs, Boros Á, Kapusinszky B, Delwart E, Pankovics P.** Astrovirus in wild boars (*Sus scrofa*) in Hungary
Archives of Virology, 2012. 157, 1143-1147.

Impakt faktor: 2,03

Független idéző: 11 Független idéző: 4 Összesen: 15

1. Highlander S. High throughput sequencing methods for microbiome profiling: application to food animal systems. *An Health Res Rev*, 2012;13:40-53.
2. Lee MH, Jeoung HY, Park HR, Lim JA, Song JY, An DJ. Phylogenetic analysis of porcine astrovirus in domestic pigs and wild boars in South Korea. *Virus Genes*, 2013;46(1):175-181.
3. Brnic D, Prpic J, Keros T, Roic B, Staresina V, Jemersic L. Porcine astrovirus viraemia and high genetic variability in pigs on large holdings in Croatia. *Infect Genet Evol*, 2013;14(1):258-264.
4. Xiao CT, Gimenez-Lirola LG, Gerber PF, Jiang YH, Halbur PG, Opreiessnig T. Identification and characterization of novel porcine astroviruses (PAstVs) with high prevalence and frequent co-infection of individual pigs with multiple PAstV types. *J Gen Virol*, 2012;94(3):570-582.
5. Bodewes R, van der Giessen J, Haagmans BL, Osterhaus ADME, Smiths SL. Identification of multiple novel viruses including a parvovirus and hepevirus in feces of red foxes. *J Virol* 87(13):7758-7764 (2013)
6. Amimo JO, Okoth E, Junga JO, Ogara WO, Njahira MN, Wang Q, Vlasova AN, Saif LJ, Djikeng A. Molecular detection and genetic characterization of kobuviruses and astroviruses in asymptomatic local pigs in East Africa. *Archives of Virology* 159(6):1313-1319 (2014)
7. Belak S, Karlsson OE, Leijon M, Granberg F. High-throughput sequencing in veterinary infection biology and diagnostics. *REVUE SCIENTIFIQUE ET TECHNIQUE-OFFICE INTERNATIONAL DES EPIZOOTIES* (ISSN: 0253-1933) 32(3):893-915. (2013)
8. Bosch A, Pintó RM, Guix S. Human astroviruses. *Clinical Microbiology Reviews*. 2014;27:1048-1074.

9. Monini M, di Bartolo I, Ianiro G, Angeloni G, Magisrali CF, Ostanello F, Ruggeri FM. Detection and molecular characterization of zoonotic viruses in swine fecal samples in Italian pig herds. *Archives of Virology*, 2015;160(10):2547-2556.
 10. Woo PCY, Lau SKP, Teng JLL, Tsang AKL, Joseph S, Xie J, Jose S, Fan RYY, Wernery U, Yuen K-Y. A novel astrovirus from dromedaries in the middle east. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 96(9):2697-2707. (2015)
 11. Zhou W, Ullman K, Chowdry V, Reining M, Benyeda Z, Baule C, Jurermalm M, Wallgren P, Schwarz L, Zhou E, Pedrero SP, Hennig-Pauka I, Segales J, Liu L. Molecular investigations on the prevalence and viral load of enteric viruses in pigs from five European countries. *Vet Microbiol*, 2016;185(15):75-81.
- 83. Boros Á, Pankovics P, Knowles N, Reuter G. Natural interspecies recombinant bovine/porcine enterovirus in sheep**
Journal of General Virology, 2012. 93, 1941-1951.
Impakt faktor: 3,127
Független idéző: 11 Fügő idéző: 9 Összesen: 20
1. Van Dung N, Anh PH, Van Cuong N, Hoa NT, Carrique-Mas J, Hien VB, Campbell J, Baker S, Farrar J, Woolhouse ME, Bryant JE, Simmonds P. Prevalence, genetic diversity and recombination of species G enteroviruses infecting pigs in Vietnam. *Journal of General Virology* 95: (PART3) pp. 549-556. (2014)
 2. Smura T, Blomqvist S, Ivanova O, Samoilovich E, Al-Hello H, Savolainen-Kopra C, Hovi T, Roivainen M. Recombination in the Evolution of Enterovirus C Species Sub-Group that Contains Types CVA-21, CVA-24, EV-C95, EV-C96 and EV-C99. *PLoS One* 9: (4) p. e94579. (2014)
 3. Anbalagan S, Hesse RA, Hause BM. First Identification and Characterization of Porcine Enterovirus G in the United States. *PLoS One* 9: (5) p. e97517. (2014)
 4. Zhu L, Xing Z, Gai X, Li S, San Z, Wang X. Identification of a Novel Enterovirus E Isolates HY12 from Cattle with Severe Respiratory and Enteric Diseases. *PLoS One* 9: (5) p. e97730. (2014)
 5. Sadeuh-Mba SA, Bessaud M, Joffret ML, Zanga MCE, Balanant J, Ngole EM, Njouom R, Reynes JM, Delpeyroux F, Rousset D. Characterization of Enteroviruses from Non-Human Primates in Cameroon Revealed Virus Types Widespread in Humans along with Candidate New Types and Species. *PLoS NEGLECTED TROPICAL DISEASES* 8: (7) Paper e3052. (2014)
 6. Lau SKP, Woo PCY, Yip CCY, Li KSM, Fan RYY, Bai R, Huang Y, Chan KH, Yuen KY. Chickens host diverse picornaviruses originated from potential interspecies transmission with recombination. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 95:1929-1944 (2014)
 7. Cusick MF, Libbey JE, Doty DJ, Fujinami RS. DA virus mutant H101 has altered CNS pathogenesis and causes immunosuppression. *Journal of Neuroimmunology*, 2014;277(1-2):118-126.
 8. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Il viroma degli ovi-caprini: aspetti zoonosici. *Large Animal Review*. 2014;20:Suppl 1 pp62-66.
 9. Kyriakopoulou Z, Pliaka V, Amoutzias GD, Markoulatos P. Recombination among human non-polio enteroviruses: implications for epidemiology and evolution. *Virus Genes*, 2015;50(2):177-188.
 10. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Enteric viral infections in lambs or kids. *Veterinary Microbiology*, 2015;181(1-2):154-160.
 11. Sobhy NM, Mor SK, Mohammed MEM, Bastawecy IM, Fakhry HM, Yousser CRB, Abouzeid NZ, Goyal SM. Isolation and molecular characterization of bovine enteroviruses in Egypt. *Vet J*, 2015;206(3):317-321.
- 84. Boros Á, Nemes C, Pankovics P, Kapusinszky B, Delwart E, Reuter G. Porcine teschovirus in wild boars in Hungary**
Archives of Virology, 2012. 157, 1573-1578.
Impakt faktor: 2,03
Független idéző: 11 Fügő idéző: 2 Összesen: 13
1. Zhang C, Wang Z, Hu F, Liu Y, Qiu Z, Zhou S, Cui S, Wang M. The survey of porcine teschoviruses in field samples in china with a universal rapid probe real-time RT-PCR assay. *Trop Anim Health Prod*, 2013;45(4):1057-1061.
 2. Chiu SC, Hu SC, Chang CC, Chang CY, Huang CC, Pang VF, Wang FI. The role of porcine teschovirus in causing diseases in endemically infected pigs. *Vet Microbiol*, 2012;161(1-2):88-95.

3. Cano-Gómez C, García-Casado MA, Soriguer R, Palero F, Jiménez-Clavero MA. Teschoviruses and sapeloviruses in faecal samples from wild boar in Spain. *Veterinary Microbiology* 165:(1-2) 115-122 (2013)
4. Chiu SC, Lin YC, Huang TS, Chiu KC, Hu SC. Immunohistochemical Characterization of Porcine Teschovirus antigen distribution and histological lesions in chronic infected pigs. *Taiwan Vet J* 39: (1) 8-18 (2013)
5. Chiu SC, Yang CL, Chen YM, Hu SC, Chiu KC, Lin YC, Chang CY, Wang FI. Multiple models of porcine teschovirus pathogenesis in endemically infected pigs. *Veterinary Microbiology*, 2014;168 (1):69–77. 10.1016/j.vetmic.2013.10.019
6. Donin DG, de Arruda Leme R, Alfieri AF, Alberton GC, Alfieri AA. First report of Porcine teschovirus (PTV), Porcine sapelovirus (PSV) and Enterovirus G (EV-G) in pig herds of Brazil. *Trop Anim Health Prod* 46:523-528 (2014)
7. Chiu KC, Hsieh CY, Chang TC, Lin YC, Hu SC, Wang FI. FREQUENT PRESENCE OF PORCINE TESCHOVIRUS ANTIGENS IN VISCERAL AND LYMPHOID ORGANS OF NONSUPPURATIVE ENCEPHALITIC PIGS IN THE ENDEMIC FIELD SITUATION. *Taiwan Veterinary Journal* 40: (1) pp. 49-55. (2014)
8. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK.
9. Sun H, Gao H, Chen M, Lan D, Hua X, Wang C, Yuan C, Yang Z, Cui L. New serotypes of porcine teschovirus identified in Shanghai, China. *Arch Virol*, 2015;160:831-835.
10. Donin DG, Leme RA, Alfieri AF, Alberton GC, Alfieri AA. Molecular survey of porcine teschovirus, porcine sapelovirus and enterovirus G in captive wild boars (*Sus scrofa scrofa*) of Paraná state, Brazil. *Pesquisa Vet Bras*, 2015;35(5):403-408.
11. Tsai ATH, Kuo CC, Kuo YC, Yang JL, Chang CY, Wang FI. The urinary shedding of porcine teschovirus in endemic field situations. *Vet Microbiol*, 2016;182:150-155.

- 85.** Pankovics P, Boros Á, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G.** Human enterovirus 109 (EV109) in acute paediatric respiratory disease in Hungary
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica, 2012. 59(2), 285-290.

Impakt faktor: 0,646

Független idéző: 12 Független idéző: 0 Összesen: 12

1. Debiaggi M, Canducci F, Ceresola ER, Clementi M. The role of infections and coinfections with newly identified and emerging respiratory viruses in children. *Virology J*. 2012;9:247.
2. Tokarz R, Hirschberg DL, Sameroff S, Haq S, Luna G, Bennett AJ, Silva M, Leguia M, Kasper M, Bausch DG, Lipkin WI. Genomic analysis of two novel human enterovirus C genotypes found in respiratory samples from Peru. *J Gen Virol*, 2013;94(1):120-127.
3. Piralla A, Daleno C, Scala A, Greenberg D, Usonis V, Principi N, Baldanti F, Esposito S. Genome Characterisation of Enteroviruses 117 and 118: A New Group within Human Enterovirus Species C. *PLoS ONE* 8: (4) Paper e60641. (2013)
4. Renois F, Lévêque N, Delière P-G, Fichel C, Bouin A, Abely M, N'Guyen Y, Andréoletti L. Enteroviruses as major cause of microbiologically unexplained acute respiratory tract infections in hospitalized pediatric patients. *Journal of Infection* 66:(6) 494-502 (2013)
5. Teng Z, Zhang X. Re-recognition of human enteroviruses and infections. *Journal of Microbes and Infections* 8: (1) R97 (2013)
6. Richter J, Tryfonos C, Panagiotou C, Nikolaou E, Koliou M, Christodoulou C. Newly emerging C group enteroviruses may elude diagnosis due to a divergent 5'-UTR. *International Journal of Infectious Diseases* 17: (12) pp. e1245-e1248. (2013)
7. Pellegrinelli L, Binda S, Chiaramonte I, Primache V, Fiore L, Battistone A, Fiore S, Gambino M, Bubba L, Barbi M. Detection and distribution of culturable Human Enteroviruses through environmental surveillance in Milan, Italy. *J Appl Microbiol*, 2013;115(5):1231-1239.
8. В.И. Задорожная. ВОПРОСЫ КЛАССИФИКАЦИИ ЭНТЕРОВИРУСОВ ЧЕЛОВЕКА И ХАРАКТЕРИСТИКА ИХ НЕКОТОРЫХ “НОВЫХ” ТИПОВ. Профілактична медицина, 2013;3-4(21):90-101.
9. Hou J, Bai B, Hu Y, Shen H, Li R, Sun Y, Luo S, Mao P. Sequence analysis and expression of VP1 protein of a new type of enterovirus 89. *China Medical Herald*, 2013;10(12):34.
10. Chan TC, Hwang JS, Chen RH, King CC, Chiang PH. Spatio-temporal analysis on enterovirus cases through integrated surveillance in Taiwan. *BMC Public Health* 14: Paper 11. (2014)

11. Sadeuh-Mba SA, Bessaud M, Joffret ML, Zanga MCE, Balanant J, Ngole EM, Njouom R, Reynes JM, Delpeyroux F, Rousset D. Characterization of Enteroviruses from Non-Human Primates in Cameroon Revealed Virus Types Widespread in Humans along with Candidate New Types and Species. PLoS NEGLECTED TROPICAL DISEASES 8: (7) Paper e3052. (2014)
12. Mathew Joseph L, Singhi Sunit. Rhino/Enteroviral Infections in the PICU: The Uncertainty of Diagnosis and Interpretation of Clinical Significance. PEDIATRIC CRITICAL CARE MEDICINE 16(2): 186-188. (2015)

86. Boros Á, Nemes C, Pankovics P, Kapusinszky B, Delwart E, Reuter G. Identification and complete genome characterization of a novel picornavirus in turkey (Meleagris gallopavo)

Journal of General Virology, 2012. 93, 2171-2182.

Impakt faktor: 3,127

Függőlen idéző: 18 Függő idéző: 12 Összesen: 30

1. Day JM, Zsak L. Recent progress in the characterization of avian enteric viruses. Avian Diseases 57(3):573-580 doi: 10.1637/10390-092712-Review.1. (2013)
2. Day JM, Zsak L. Molecular and phylogenetic analysis of novel turkey-origin picobirnavirus. Avian Diseases, 2014;58:137-142. doi: 10.1637/10593-061313-ResNote.1
3. Bullman S, Kearney K, O'Mahony M, Kelly L, Whyte P, Fanning S, Morgan JG. Identification and genetic characterisation of a novel picornavirus from chickens. J Gen Virol, 95(5):1094-1103 (2014)
4. Day JM, Gonder E, Jennings S, Rives D, Robbins KM, Tilley B, Wooming B. Investigating turkey enteric coronavirus circulating in the Southeastern United States and Arkansas during 2012 and 2013. Avian Diseases 58(2):313-317 (2014)
5. Lim ES, Cao S, Holtz LR, Antonio M, Colin Stine O, Wang D. Discovery of rosavirus 2, a novel variant of a rodent-associated picornavirus, in children from The Gambia. Virology 454-455:25-33. (2014)
6. Wang X, Liu N, Wang F, Ning K, Li Y, Zhang D. Genetic characterization of a novel duck-origin picornavirus with six 2A proteins. Journal of General Virology 95:1289-1296 (2014)
7. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. Veterinary Microbiology 172(1-2):78-81 (2014) 10.1016/j.vetmic.2014.05.002
8. Lau SKP, Woo PCY, Yip CCY, Li KSM, Fan RYY, Bai R, Huang Y, Chan KH, Yuen KY. Chickens host diverse picornaviruses originated from potential interspecies transmission with recombination. JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY 95:1929-1944. (2014)
9. Choi JW, Lee MH, Lee KK, Oem JK. Genetic characteristics of the complete feline kobuvirus genome. Virus Genes, 2015;50(1):52-57.
10. Day J M, Oakley B B, Seal B S, Zsak L. Comparative analysis of the intestinal bacterial and RNA viral communities from sentinel birds placed on selected broiler chicken farms. PLoS ONE 10(1):e0117210. (2015)
11. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. Current Opinion in Virology 10:63-69. (2015)
12. Sasaki M, Orba Y, Ueno K, Ishii A, Moonga L, Hang'ombe BM, Mweene AS, Ito K, Sawa H. Metagenomic analysis of the shrew enteric virome reveals novel viruses related to human stool-associated viruses. Journal of General Virology 96:440-452. (2015)
13. Ximena A Olarte-Castillo, Felix Heeger, Camila J Mazzoni, Alex D Greenwood, Robert Fyumagwa, Patricia D Moehlman, Heribert Hofer, Marion L East. Molecular characterization of canine kobuvirus in wild carnivores and the domestic dog in Africa. Virology 477:89-97. (2015)
14. Day J Michael, Zsak Laszlo. Investigating Turkey Enteric Picornavirus and Its Association with Enteric Disease in Poults. AVIAN DISEASES 59(1):138-142. (2015)
15. Sävneby Anna. Reverse genetic studies of Enterovirus replication. 76 p. Témavezető(k): Lindberg AM; Björn A; Gierow P; Waldenström J. PhD, 2015.
16. Daly GM, Leggett RM, Rowe W, Stubbs S, Wilkinson M, Ramirez-Gonzalez RH, Caccamo M, Bernal W, Heeney J. Host Subtraction, Filtering and Assembly Validations for Novel Viral Discovery Using Next Generation Sequencing Data. PLOS ONE 10(6):Paper e0129059. (2015)
17. Nagai M, Omatsu T, Aoki H, Kaku Y, Belsham GJ, Haga K, Naoi Y, Sano K, Umetsu M, Shiokawa M, Tsuchiaka S, Furuya T, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Shirai J, Katayama K, Mizutani T. Identification and complete genome analysis of novel picornavirus in bovine in Japan. VIRUS RESEARCH 2015;210:205-212.

18. Zhou H, Zhu S, Quan R, Wang J, Wei L, Yang B, Xu F, Wang J, Chen F, Liu J. Identification and Genome Characterization of the First Sicinivirus Isolate from Chickens in Mainland China by Using Viral Metagenomics. PLoS ONE 2015;10(10): e0139668.

- 87. Reuter G, Pankovics P, Knowles NJ, Boros Á.** Two closely related novel picornaviruses in cattle and sheep in Hungary from 2008 to 2009, proposed as members of a new genus, in the family *Picornaviridae*

Journal of Virology, 2012;86(24):13295-13302.

Impakt faktor: 5,076

Független idéző: 16 Független idéző: 4 Összesen: 20

1. Mackay IM, Wang CYT, Sloots TP. Circularizing picornavirus genomes to rapidly obtain terminal sequence. J Clin Virol, 2013;58(1):286-287. DOI: 10.1016/j.jcv.2013.04.020
2. Jääskeläinen A, Kolehmainen P, Voutilainen L, Haufler HC, Kallio-Kokko H, Lappalainen M, Tolf C, Lindberg AM, Henttonen H, Vaheri A, Tauriainen S, Vapalahti O. Evidence of Ijungan virus specific antibodies in humans and rodents, Finland. J Med Virol 85:2001-2008 (2013)
3. Fichtner D, Philipps A, Groth M, Schmidt-Posthaus H, Granzow H, Dauber M, Platzer M, Bergmann SM, Schröder D, Sauerbrei A, Zell R. Characterization of a novel picornavirus isolate from a diseased European eel (*Anguilla anguilla*). J Virol 2013;19:10895-10899.
4. Phan TG, Vo NP, Simmonds P, Samayoa E, Naccache S, Chiu CY, Delwart E. Rosavirus: the prototype of a proposed new genus of the *Picornaviridae* family. Virus Res, 2013;47(3):556-558.
5. Muhammad Masroor Alam, Adnan Khurshid, Shahzad Shaukat, Muhammad Suleman Rana, Salmaan Sharif, Mehar Angez, Nadia Nisar, Muhammad Naem, Syed Sohail Zahoor Zaidi. Human Parechovirus Genotypes -10, -13 and -15 in Pakistani Children with Acute Dehydrating Gastroenteritis. PLoS One 8: (11) e78377
6. Bullman S, Kearney K, O'Mahony M, Kelly L, Whyte P, Fanning S, Morgan JG. Identification and genetic characterisation of a novel picornavirus from chickens. J Gen Virol 95(5):1094-1103 (2014) 10.1099/vir.0.061085-0
7. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK
8. Firth C, Bhat M, Firth MA, Williams SH, Frye MJ, Simmonds P, Conte JM, Ng J, Garcia J, Bhuva NP, Lee B, Che X, Quan PL, Lipkin WI. Detection of zoonotic pathogens and characterization of novel viruses carried by commensal *Rattus norvegicus* in New York city. mBio, 2014;5(6):e01933-14.
9. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Il viroma degli ovi-caprini: aspetti zoonosici. Large Animal Review. 2014;20:Suppl 1 pp62-66.
10. Sasaki M, Orba Y, Ueno K, Ishii A, Moonga L, Hang'ombe BM, Mweene AS, Ito K, Sawa H. Metagenomic analysis of the shrew enteric virome reveals novel viruses related to human stool-associated viruses. Journal of General Virology 96:440-452. (2015)
11. Garry A Luke, Uday S Pathania, Claire Roulston, Pablo de Felipe, Martin D Ryan. 2. DxExNPGP - Motives for the motif. In: Shankar G Pandalar (szerk.): Recent Research Developments in Virology. (9) Kerala: Research Signpos, 2014. (ISBN 978 - 81 - 308 - 0540 - 5) pp. 25-42.
12. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of *Picornaviridae*. Virology 478:61-74. (2015)
13. Sävneby Anna. Reverse genetic studies of Enterovirus replication. 76 p. Témavezető(k): Lindberg AM; Björn A; Gierow P; Waldenström J. PhD, 2015.
14. Lim Efrem S, Deem Sharon L, Porton Ingrid J, Cao Song, Wang David. Species-Specific Transmission of Novel Picornaviruses in Lemurs. JOURNAL OF VIROLOGY 89(7):4002-4010. (2015)
15. Nagai M, Omatsu T, Aoki H, Kaku Y, Belsham GJ, Haga K, Naoi Y, Sano K, Umetsu M, Shiokawa M, Tsuchiaka S, Furuya T, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Shirai J, Katayama K, Mizutani T. Identification and complete genome analysis of novel picornavirus in bovine in Japan. VIRUS RESEARCH 2015;210:205-212.
16. Martella V, Decaro N, Buonavoglia C. Enteric viral infections in lambs or kids. Veterinary Microbiology, 2015;181(1-2):154-160.

- 88. Reuter G, Nemes C, Boros Á, Kapusinszky B, Delwart E, Pankovics P.** Porcine kobuvirus in wild boars (*Sus scrofa*)

Archives of Virology, 2013. 158, 281-282.

Impakt faktor: 2,282

Független idéző: 16 Fügő idéző: 1 Összesen: 17

1. Di Profio Federica, Ceci Chiara, Di Felice Elisabetta, Marsilio Fulvio, Di Martino Barbara. Molecular detection of porcine kobuviruses in Italian swine. *Research in Veterinary Science*, 2013; 95(2):782-785
2. Di Martino, Di Felice E, Ceci C, Di Profio F, Marsilio F. Canine kobuviruses in diarrhoeic dogs in Italy. *Vet Microbiol*, 2013;166(1-2):246-249. DOI: 10.1016/j.vetmic.2013.05.007
3. Chen L, Zhu L, Zhou JC, Xu ZW, Guo WZ, Yang WY. Molecular and phylogenetic analysis of the porcine kobuvirus VP1 region using infected pigs from Sichuan Province, China. *Virology*, 2013;10:281. doi:10.1186/1743-422X-10-281
4. Belak S, Karlsson OE, Leijon M, Granberg F. High-throughput sequencing in veterinary infection biology and diagnostics. *REVUE SCIENTIFIQUE ET TECHNIQUE-OFFICE INTERNATIONAL DES EPIZOOTIES* 32(3):893-915. (2013)
5. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Robetto S, Di Felice E, Orusa R, Marsilio F. Molecular evidence of kobuviruses in free-ranging red foxes (*Vulpes vulpes*). *Archives of Virology* 159(7):1803-1806 (2014)
6. Khamrin P, Maneekarn N, Okitsu S, Ushijima H. Epidemiology of human and animal kobuviruses. *Virus Dis* 25(2):195-200 (2014).
7. Carmona-Vicente N, Buesa J, Brown PA, Merga JY, Darby AC, Stavisky J, Sadler L, Gaskell RM, Dawson S, Radford AD. Phylogeny and prevalence of kobuviruses in dogs and cats in the UK. *Veterinary Microbiology* 164: (3-4) pp. 246-252. (2013). 10.1016/j.vetmic.2013.02.014
8. Chen L, Zhu L, Xu ZW, Guo WZ. Molecular genetics of Aichivirus C (porcine kobuvirus) in China. *British Journal of Virology* 1(1):36-41 (2014)
9. Ribeiro J, Lorenzetti E, Alfieri AF, Alfieri AA. Kobuvirus (Aichivirus B) infection in Brazilian cattle herds. *Veterinary Research Communications* 38:177-182 (2014)
10. Okitsu S, Khamrin P, Thongprachum A, Kalesaran AFC, Takanashi S, Shimizu H, Maneekarn N, Mizuguchi M, Hayakawa S, Ushijima H. Molecular characterization and sequence analysis of the 2B region of Aichivirus C strains in Japan and Thailand. *Infection, Genetics and Evolution* 26:89-94 (2014)
11. Temmam S, Davoust B, Berenger JM, Raoult D, Desnues C. Viral Metagenomics on Animals as a Tool for the Detection of Zoonoses Prior to Human Infection? *Int J Mol Sci* 15: pp. 10377-10397. (2014)
12. Oem JK, Lee MH, Lee KK, An DJ. Novel Kobuvirus species identified from black goat with diarrhea. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 172: (3-4) 563-567 (2014)
13. Choi S, Lim SI, Kim YK, Cho YY, Song JY, An DJ. Phylogenetic Analysis of Astrovirus and Kobuvirus in Korean Dogs. *JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE* 76(8):1141-1145. (2014)
14. Yang Z, Jin W, Zhao Z, Lin W, Zhang D, Yu E, Qin A, Yang H. Genetic characterization of porcine kobuvirus and detection of coinfecting pathogens in diarrheic pigs in Jiangsu Province, China. *Archives of Virology*, 2014;159(12):3407-3412.
15. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Di Felice E, Robetto S, Guidetti C, Orusa R, Martella V, Marsilio F. Molecular detection of kobuviruses in European roe deer (*Capreolus capreolus*) in Italy. *Archives of Virology*, 2015;160(8):2083-2086.
16. Jin WJ, Yang Z, Zhao ZP, Wang WY, Yang J, Qin AJ, Yang HC. Genetic characterization of porcine kobuvirus variants identified from healthy piglets in China. *Infection, Genetics and Evolution*, 2015;35:89-95.

- 89.** Horváth KB, Pankovics P, Battyáni Z, Kálmán E, **Reuter G.** Merkel-sejtes polyomavírus, mint a Merkel-sejtes carcinoma valószínű kóroka/Probable etiological role of Merkel cell polyomavirus in Merkel cell carcinoma
Orvosi Hetilap, 2013. 154, 102-112.

Impakt faktor: 0

Független idéző: 2 Fügő idéző: 0 Összesen: 2

1. Morais FS, Bonilha CS, Carraro E. Involvement of Merkel cell polyomavirus in the etiology and pathogenesis of Merkel cell carcinoma: A systematic review. *Cancer Research Journal* 2(6-1):1-10. (2014)
2. Sango F, Qiang M, Li L, Ying Z, Yanqing L, Hualiang X. Merkel cell carcinoma in eyelid: a clinicopathological analysis. *Modern Oncology* 1(22): 47-50. (2014)

90. Pankovics P, Boros Á, Nemes C, Delwart E, **Reuter G**. Nebovírus (*Caliciviridae*) első hazai kimutatása hasmenéses borjú bélsármintájából/First detection of nebovirus (*Caliciviridae*) in fecal sample of diarrhoeic cattle calf in Hungary
Magyar Állatorvosok Lapja, 2013. 135, 12-17.

Impakt faktor: 0,185

Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0

91. Boros Á, Nemes C, Pankovics P, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Genetic characterization of a novel picornavirus in turkeys (*Meleagris gallopavo*) distinct from turkey gallivirus and megrivirus and distantly related to the members of the genus *Avihepatovirus*.

Journal of General Virology, 2013. 94, 1496-1509.

Impakt faktor: 3,529

Független idéző: 11 Függő idéző: 8 Összesen: 19

1. Mihalov-Kovács E, Fehér E, Martella V, Bányai K, Farkas S. The fecal virome of domesticated animals. *Virus Dis* 25(2):150-157 (2014)

2. Bullman S, Kearney K, O'Mahony M, Kelly L, Whyte P, Fanning S, Morgan JG. Identification and genetic characterisation of a novel picornavirus from chickens. *J Gen Virol* 95(5):1094-1103 (2014)

3. Barbknecht M, Sepsenwol S, Leis E, Tuttle-Lau M, Gaikowski M, Knowles NJ, Lasee B, Hoffman MA. Characterization of a new picornavirus isolated from the freshwater fish *Lepomis macrochirus*. *Journal of General Virology* 95: (PART3) pp. 601-613. (2014)

4. Wang X, Liu N, Wang F, Ning K, Li Y, Zhang D. Genetic characterization of a novel duck-origin picornavirus with six 2A proteins. *Journal of General Virology* 95(5):1289-1296 (2014)

5. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. *Veterinary Microbiology* 172(1-2):78-91 (2014)

6. Kern A. Kórokozó vírusok előfordulása magyarországi felszíni- és fürdővizekben. PhD tézis, 2014 ELTE TTK

7. Lau SKP, Woo PCY, Yip CCY, Li KSM, Fan RYY, Bai R, Huang Y, Chan KH, Yuen KY. Chickens host diverse picornaviruses originated from potential interspecies transmission with recombination. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 95:1929-1944. (2014)

8. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. *Current Opinion in Virology* 10:63-69. (2015)

9. Sasaki M, Orba Y, Ueno K, Ishii A, Moonga L, Hang'ombe BM, Mweene AS, Ito K, Sawa H. Metagenomic analysis of the shrew enteric virome reveals novel viruses related to human stool-associated viruses. *Journal of General Virology* 96:440-452. (2015)

10. Nagai M, Omatsu T, Aoki H, Kaku Y, Belsham GJ, Haga K, Naoi Y, Sano K, Umetsu M, Shiokawa M, Tsuchiaka S, Furuya T, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Shirai J, Katayama K, Mizutani T. Identification and complete genome analysis of novel picornavirus in bovine in Japan. *VIRUS RESEARCH* 2015;210:205-212.

11. Zhou H, Zhu S, Quan R, Wang J, Wei L, Yang B, Xu F, Wang J, Chen F, Liu J. Identification and Genome Characterization of the First Sicinivirus Isolate from Chickens in Mainland China by Using Viral Metagenomics. *PLoS ONE* 2015;10(10): e0139668.

92. **Reuter G**, Boros Á, Delwart E, Pankovics P. Novel seadornavirus (family *Reoviridae*) related to Banna virus in Europe

Archives of Virology, 2013. 158, 2163-2167.

Impakt faktor: 2,282

Független idéző: 2 Függő idéző: 3 Összesen: 5

1. Lange J, Groth M, Fichtner D, Granzow H, Keller B, Walther M, Zell R. Virus isolate from carp: genetic characterisation reveals a novel picornavirus with two aphthovirus 2A-like sequences. *Journal of General Virology* 95(1):80-90 (2014)

2. Biswas P, Kundu A, Ghosh AK. Genome segment 5 of *Antheraea mylitta* cytoplasmic polyhedrosis virus encodes a bona fide guanylyltransferase. *Virology Journal* 11:53. (2014)

93. Boros Á, Kiss T, Kiss O, Pankovics P, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Genetic characterization of a novel picornavirus distantly related to the marine mammal-infecting aquamaviruses in a long-distance migrant bird species, European Roller (*Coracias garrulus*)

Journal of General Virology, 2013. 94, 2029-2035.

Impakt faktor: 3,529

Független idéző: 8 Függő idéző: 4 Összesen: 12

1. Barbknecht M, Sepsenwol S, Leis E, Tuttle-Lau M, Gaikowski M, Knowles NJ, Lasee B, Hoffman MA. Characterization of a new picornavirus isolated from the freshwater fish *Lepomis macrochirus*. *Journal of General Virology* 95: (PART3):601-613 (2014)
2. Wang X, Liu N, Wang F, Ning K, Li Y, Zhang D. Genetic characterization of a novel duck-origin picornavirus with six 2A proteins. *Journal of General Virology* 95(6):1289-1296 (2014)
3. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. *Veterinary Microbiology* 172(1-2):78-91 (2014)
4. Garry A Luke, Uday S Pathania, Claire Roulston, Pablo de Felipe, Martin D Ryan. 2 . DxExNPGP - Motives for the motif. In: Shankar G Pandalar (szerk.): Recent Research Developments in Virology. (9) Kerala: Research Signpos, 2014. (ISBN 978 - 81 - 308 - 0540 - 5) pp. 25-42.
5. Kempf BJ, Barton DJ. Picornavirus RNA polyadenylation by 3D^{pol}, the viral RNA-dependent RNA polymerase. *Virus Research*, 2015;206:3-11.
6. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. *Current Opinion in Virology* 10:63-69. (2015)
7. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
8. Sävneby Anna. Reverse genetic studies of Enterovirus replication. 76 p. Témavezető(k): Lindberg AM; Björn A; Gierow P; Waldenström J. PhD, 2015.

94. Phan TG, Vo NP, Boros Á, Pankovics P, **Reuter G**, Wang C, Deng X, Poon LLM, Delwart E. The viruses of wild pigeon droppings

PLoS One, 2013. 8(9):e72787

Impakt faktor: 3,534

Független idéző: 19 Függő idéző: 8 Összesen: 27

1. Mihalov-Kovács E, Fehér E, Martella V, Bányai K, Farkas S. The fecal virome of domesticated animals. *Virus Dis* 25(2):150-157 (2014)
2. Ghosh S, Kobayashi N. Exotic rotavirus in animals and rotavirus in exotic animals. *Virus Disease* 25(2):158-172 (2014)
3. Cotten M, Munnink BO, Canuti M, Deijs M, Watson SJ, Kellam P, van der Hoek L. Full Genome Virus Detection in Fecal Samples Using Sensitive Nucleic Acid Preparation, Deep Sequencing, and a Novel Iterative Sequence Classification Algorithm. *PLoS One* 9: (4) p. e93269. (2014)
4. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. *Veterinary Microbiology* 172(1-2):78-91 (2014)
5. Quiñones-Mateu ME, Avila S, Reyes-Teran G, Martinez MA. Deep sequencing: Becoming a critical tool in clinical virology. *Journal of Clinical Virology* 61: (1) pp. 9-19. (2014)
6. Yin SD. Evolutionary background entities at the cellular and subcellular levels in bodies of nonhuman vertebrate animals. *The Journal of Theoretical Fimpology* 2: (3) Paper e-20081017-2-3-13. (2014)
7. Kraberger S, Argüello-Astorga GR, Greenfield LG, Galilee C, Law D, Martin DP, Varsani A. Characterization of a diverse range of circular Rep-encoding DNA viruses recovered from a sewage treatment oxidation pond. *Infect Genet Evol*, 2015;31:73-86.
8. Sasaki M, Orba Y, Ueno K, Ishii A, Moonga L, Hang'ombe BM, Mweene AS, Ito K, Sawa H. Metagenomic analysis of shrew enteric virome reveals novel viruses related to human stool-associated viruses. *J Gen Virol*, 2015;96:440-452.
9. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. *Current Opinion in Virology* 10:63-69. (2015)
10. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
11. Bodewes Rogier, van Run Peter R W A, Schurch Anita C, Koopmans Marion P G, Osterhaus Albert D M E, Baumgaertner Wolfgang, Kuiken Thijs, Smits Saskia L. Virus characterization and discovery in

formalin-fixed paraffin-embedded tissues. JOURNAL OF VIROLOGICAL METHODS 214:54-59. (2015)

12. Morelli M, Ogden KM, Pattaon JT. Silencing the alarms: innate immune antagonism by rptavirus NSP1 and VP3. Virology, 2015;479-480:75-84.

13. Stucker KM, Stockwell TB, Nyaga MM, Halpin RA, Fedorova N, Akopov A, Ngoveni H, Peenze I, Seheri ML, Mphahlele MJ, Wentworth DE. Complete genomic sequence for an avian group G rotavirus from South Africa. Genome Announcements, 2015;3 (2):e00107-15

14. Ozga Andrew. Viral Metagenomics and Anthropology in the Americas. 166 p. Témavezető(k): Lewis Cecil. Benyújtás éve: 2015. University of Oklahoma

15. Ogden Kristen M, Hu Liya, Jha Babal K, Sankaran Banumathi, Weiss Susan R, Silverman Robert H, Patton John T, Prasad B V Venkataram. Structural Basis for 2'-5'-Oligoadenylate Binding and Enzyme Activity of a Viral RNase L Antagonist. JOURNAL OF VIROLOGY 89(13):6633-6645. (2015)

16. Kunca T, Smejkalova P, Ceicka I. Trichomonosis in Eurasian sparrowhawks in the Czech Republic. FOLIA PARASITOLOGICA 62: Paper 035. (2015)

17. Kapgate S S, Barbuddhe S B, Kumanan K. Next-generation sequencing technologies: Tool to study avian virus diversity. ACTA VIROLOGICA 59:(1)3-13. (2015)

18. Gan D, Liu N, Han CP, Wu J, Feng Z, Jin W, Wang ZY. Advances in research of metavirus in inflammatory bowel disease. World Chinese J. Digestology; 2015;23(24):3882-3887.

19. Alonso-Padilla J, Papp T, Kaján GL, Benkő M, Havenga M, Lemckert A, Harrach B, Baker AH. Development of a novel adenoviral vectors to overcome challenges observed with HAdV-5-based constructs. MOLECULAR THERAPY 000: p. 000. (2016)

95. Han TH, Park SH, Hwang ES, Reuter G, Chung JY. Detection of Aichi virus in South Korea

Archives of Virology, 2014. 159(7), 1835-1839.

Impakt faktor: 2,39

Függőlen idéző: 1 Függő idéző: 0 Összesen: 1

1. Rodrigues Portes Silvana Augusta, Volotao Eduardo de Mello, Rose Tatiana Lundgren, Rocha Monica Simoes, Trindade Pinheiro Xavier Maria da Penha, de Assis Rosane Maria, Fialho Alexandre Madi, Rocha Myrna Santos, Miagostovich Marize Pereira, Gagliardi Leite Jose Paulo, Carvalho-Costa Filipe Anibal. Aichi Virus Positivity in HIV-1 Seropositive Children Hospitalized with Diarrheal Disease. CURRENT HIV RESEARCH 13(4): 325-331. (2015)

96. Reuter G, Boros Á, Delwart E, Pankovics P. Novel circular single-stranded DNA virus from turkey faeces

Archives of Virology, 2014. 159(8), 2161-2164.

Impakt faktor: 2,39

Függőlen idéző: 6 Függő idéző: 2 Összesen: 8

1. Kraberger S, Argüello-Astorga GR, Greenfield LG, Galilee C, Law D, Martin DP, Varsani A. Characterization of a diverse range of circular Rep-encoding DNA viruses recovered from a sewage treatment oxidation pond. Infect Genet Evol, 2015;31:73-86.

2. Dayaram A, Goldstien S, Argüello-Astorga GR, Zawar-Reza P, Gomez C, Harding JS, Varsani A. Diverse small circular DNA viruses circulating amongst estuarine molluscs. INFECTION, GENETICS AND EVOLUTION 31: 284-295. (2015)

3. Conceicao N, Zeller M, Heylen E, Lefrère H, Rodrigo J, Matthijnsens J. Fecal virome analysis of three carnivores reveals a novel nodavirus and multiple gemycircularviruses. Virology Journal, 2015;12:79.

4. Denesvre C, Dumarest M, Rémy S, Gourichon D, Eliot M. Chicken skin virome analyzed by high-throughput sequencing shows a composition highly different from human skin. Virus Genes, 2015;51(2):209-216.

5. Kapgate S S, Barbuddhe S B, Kumanan K. Next-generation sequencing technologies: Tool to study avian virus diversity. ACTA VIROLOGICA 59(1):3-13. (2015)

6. Hanna ZR, Runckel C, Fuchs J, DeRisi JL, Mindell DP, Van Hemert C, Handel CM, Dumbacher JP. Isolation of a complete circular virus genome sequence from an Alaskan black-capped chickadee (Poecile atricapillus) gastrointestinal tract sample. Genome Announc 2015;3(5):e01081-15.

- 97. Reuter G, Maza N, Pankovics P, Boros Á.** Non-primate hepacivirus infection with apparent hepatitis in horse
Acta Veterinaria Hungarica, 2014. 62(3), 422-427.

Impakt faktor: 0,646

Független idéző: 7 Függő idéző: 0 Összesen: 7

1. Scheel TKH, Simmonds P, Kapoor A. Surveying the global virome: identification and characterization of HCV-related animal hepaciviruses. *Antiviral Research*, 2015;115:83-93.
2. Baechlein C, Fischer N, Grundhoff A, Alawi M, Indenbirken D, Postel A, Baron AL, Offinger J, Becker K, Beineke A, Rehage J, Becher P. Identification of a Novel Hepacivirus in Domestic Cattle from Germany. *JOURNAL OF VIROLOGY* 2015;89(14):7007-7015.
3. Ramsay JD, Evanoff R, Wilkinson TE, Divers TJ, Knowles DP, Mealey RH. Experimental transmission of equine hepacivirus in horses as a model for hepatitis C virus. *HEPATOLOGY* 61(5):1533-1546. (2015)
4. Matsuu A, Hobo S, Ando K, Sanekata T, Sato F, Endo Y, Amaya T, Osaki T, Horie M, Masatani T, Ozawa M, Tsukiyama-Kohara K. Genetic and serological surveillance for non-primate hepacivirus in horses in Japan. *VETERINARY MICROBIOLOGY* 2015;179:219-227.
5. Andreza Soriano Figueiredo, Elisabeth Lampe, Márcia Paschoal do Espírito Santo, Francisco Campello do Amaral Mello, Fernando Queiroz de Almeida, Elba Regina Sampaio de Lemos, Tatianne Leme Oliveira Santos Godoi, Luana Avila Giorgia Dimache, Debora Regina Lopes dos Santos, Livia Melo Villar. Identification of two phylogenetic lineages of equine hepacivirus and high prevalence in Brazil. *The Veterinary Journal*, 2015 DOI: 10.1016/j.tvjl.2015.10.015
6. Thézé J, Lowes S, Parker K, Pybus OG. Evolutionary and phylogenetic analysis of the hepaciviruses and pegiviruses. *GENOME BIOLOGY AND EVOLUTION* 2015;7(11):2996-3008.
7. Pybus OG, Thézé J. Hepacivirus cross-species transmission and the origins of the hepatitis C virus. *CURRENT OPINION IN VIROLOGY* 16:1-7. (2016)

- 98. Boros Á, Pankovics P, Knowles NJ, Nemes C, Delwart E, Reuter G.** Comparative complete genome analysis of chicken and turkey megriviruses (family *Picornaviridae*): long 3' untranslated regions with a potential second open reading frame and evidence for possible recombination
Journal of Virology, 2014. 88(11), 6434-6443.

Impakt faktor: 4,439

Független idéző: 6 Függő idéző: 2 Összesen: 8

1. Liao Q, Zheng L, Yuan Y, Shi J, Zhang D. Genomic characterization of a novel picornavirus in Pekin ducks. *Veterinary Microbiology* 172(1-2):78-91 (2014)
2. Wang M, Gao ZQ, Pan L, Zhang YG. Cellular microRNAs and picornaviral infections. *RNA BIOLOGY* 11(7):808-816 (2014)
3. Kim HR, Yoon SJ, Lee HS, Kwon YK. Identification of a picornavirus from chickens with transmissible viral proventriculitis using metagenomic analysis. *Arch Virol*, 2015;160(3):701-703. DOI: 10.1007/s00705-014-2325-7
4. Asnani M, Kumar P, Hellen CU. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *Virology* 478:61-74. (2015)
5. Kapgate S S, Barbuddhe S B, Kumanan K. Next-generation sequencing technologies: Tool to study avian virus diversity. *ACTA VIROLOGICA* 59(1):3-13. (2015)
6. Zhou H, Zhu S, Quan R, Wang J, Wei L, Yang B, Xu F, Wang J, Chen F, Liu J. Identification and Genome Characterization of the First *Siccinivirus* Isolate from Chickens in Mainland China by Using Viral Metagenomics. *PLoS ONE* 2015;10(10): e0139668.

- 99. Szűcs M, Dencs Á, Hábelné Varga E, Ballerné Balajcza B, Kiss G, Reuter G, Csiky B, Sándor J, Takács M.** Archived serum sample as a clue to resolve the primary source of a nosocomial hepatitis C virus outbreak in a haemodialysis unit
Archives of Virology, 2014. 159(7), 2207-2212.

Impakt faktor: 2,39

Független idéző: 1 Függő idéző: 0 Összesen: 1

1. Fabrizi F, Messa P. Transmission of hepatitis C virus in dialysis units: A systematic review of reports on outbreaks. *INTERNATIONAL JOURNAL OF ARTIFICIAL ORGANS* 38(9):471-480. (2015)

- 100. Reuter G, Boros Á, Kiss T, Delwart E, Pankovics P.** Complete genome characterization of mosavirus (family *Picornaviridae*) identified in droppings of a European roller (*Coracias garrulus*) in Hungary

Archives of Virology, 2014. 159(10), 2723-2729.

Impakt faktor: 2,39

Független idéző: 3 Függő idéző: 2 Összesen: 5

1. Ximena A Olarte-Castillo, Felix Heeger, Camila J Mazzoni, Alex D Greenwood, Robert Fyumagwa, Patricia D Moehman, Heribert Hofer, Marion L East. Molecular characterization of canine kobuvirus in wild carnivores and the domestic dog in Africa. *Virology* 477: pp. 89-97. (2015)

2. Sävneby Anna. Reverse genetic studies of Enterovirus replication. 76 p. Témavezető(k): Lindberg AM; Björn A; Gierow P; Waldenström J. PhD.; 2015.

3. Zhou H, Zhu S, Quan R, Wang J, Wei L, Yang B, Xu F, Wang J, Chen F, Liu J. Identification and Genome Characterization of the First *Siccinivirus* Isolate from Chickens in Mainland China by Using Viral Metagenomics. *PLoS ONE* 2015;10(10): e0139668.

- 101. Ng TFF; Mequita JR; Nascimento MSJ; Kondov NO; Wong W; Reuter G; Knowles NJ; Vega E; Esona MD; Deng X; Vinjé J; Delwart E.** Feline fecal virome reveals novel and prevalent enteric viruses

Veterinary Microbiology, 2014. 171(1-2), 102-111.

Impakt faktor: 2,511

Független idéző: 9 Függő idéző: 7 Összesen: 16

1. Sasaki M, Orba Y, Ueno K, Ishii A, Moonga L, Hang'ombe BM, Mweene AS, Ito K, Sawa H. Metagenomic analysis of shrew enteric virome reveals novel viruses related to human stool-associated viruses. *J Gen Virol*, 2015;96:440-442. DOI: 10.1099/vir.0.071209-0

2. Mihalov-Kovacs Eszter, Gellert Akos, Marton Szilvia, Farkas Szilvia L, Feher Eniko, Oldal Miklos, Jakab Ferenc, Martella Vito, Banyai Krisztian. Candidate New Rotavirus Species in Sheltered Dogs, Hungary. *EMERGING INFECTIOUS DISEASES* 21(4):660-663. (2015)

3. Asnani Mukta, Kumar Parimal, Hellen Christopher U T. Widespread distribution and structural diversity of Type IV IRESs in members of Picornaviridae. *VIROLOGY* 478:61-74. (2015)

4. Sävneby Anna. Reverse genetic studies of Enterovirus replication. 76 p. Témavezető(k): Lindberg AM; Björn A; Gierow P; Waldenström J. PhD, Växjö: Linnaeus University Press, 2015.

5. Ozga Andrew. Viral Metagenomics and Anthropology in the Americas. 166 p. Témavezető(k): Lewis Cecil. Benyújtás éve: 2015. University of Oklahoma

6. Moutelikova R, Prodelalova J. The possibilities of zoonotic transmission of rotaviruses. *EPIDEMIOLOGIE MIKROBIOLOGIE IMUNOLOGIE* 64(2):66-71. (2015)

7. Dóro R, Farkas LS, Martella V, Banyai K. Zoonotic transmission of rotavirus: surveillance and control. *EXPERT REVIEW OF ANTI-INFECTIVE THERAPY* 13(11):1337-1350. (2015)

8. Gan D, Liu N, Han CP, Wu J, Feng Z, Jin W, Wang ZY. Advances in research of metavirus in inflammatory bowel disease. *World Chinese J. Digestology*; 2015;23(24):3882-3887.

9. Conceicao-Neto N, Zeller M, Lafrère H, De Bruyn P, Beller L, Deboutte W, Yinda CK, Lavigne R, Maes P, van Ranst M, Heylen E, Matthijnsens J. Modular approach to customise sample preparation procedures for viral metagenomics: a reproducible protocol for virome analysis. *SCIENTIFIC REPORTS* 5: Paper 16532. (2015)

- 102. Reuter G, Pankovics P, Gyöngyi Z, Delwart E, Boros Á.** Novel dicistrovirus from bat guano

Archives of Virology, 2014. 159(12), 3453-3456.

Impakt faktor: 2,39

Független idéző: 1 Függő idéző: 3 Összesen: 4

1. Vidovszky M, Kohl C, Boldogh S, Görföl T, Wibbelt G, Kurth A, Harrach B. Random sampling of the Central European bat fauna reveals the existence of numerous hitherto unknown adenoviruses. *ACTA VETERINARIA HUNGARICA* 63: (4) pp. 508-525. (2015)
- 103. Boros Á, Pankovics P, Reuter G.** Avian picornaviruses: Molecular evolution, genome diversity and unusual genome features of a rapidly expanding group of viruses in birds
Infection, Genetics and Evolution, 2014. 28, 151-166.
Impakt faktor: 3,015
Független idéző: 2 Függő idéző: 2 Összesen: 4
1. Kempf BJ, Barton DJ. Picornavirus RNA polyadenylation by 3D^{pol}, the viral RNA-dependent RNA polymerase. *Virus Research*, 2015, 206:3-11.
 2. Asnani M, Kumar P, Hellen UT. Widespread distribution and structural diversity of type IV IRES sin members of Picornaviridae. *Virology*, 2015;478:61-74. 10.1016/j.virol.2015.02.016
- 104. Boros Á, Pankovics P, Adonyi Á, Phan TG, Delwart E, Reuter G.** Genome characterization of a novel chicken picornavirus distantly related to the members of the genus *Avihepatovirus* with a single 2A protein and a megrivirus-like 3'UTR
Infection, Genetics and Evolution, 2014. 28, 333-338.
Impakt faktor: 3,015
Független idéző: 1 Függő idéző: 0 Összesen: 1
1. Zhou H, Zhu S, Quan R, Wang J, Wei L, Yang B, Xu F, Wang J, Chen F, Liu J. Identification and Genome Characterization of the First *Siccinivirus* Isolate from Chickens in Mainland China by Using Viral Metagenomics. *PLoS ONE* 2015;10(10): e0139668.
- 105. Pankovics P, Boros Á, Kiss T, Reuter G.** Identification and complete genome analysis of kobuvirus in faecal samples of European roller (*Coracias garrulus*): for the first time in a bird
Archives of Virology, 2015. 160(1), 345-351.
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 5 Függő idéző: 2 Összesen: 7
1. Jasper Fuk-Woo Chan, Kelvin Kai-Wang To, Honglin Chen, Kwok-Yung Yuen. Cross-species transmission and emergence of novel viruses from birds. *Current Opinion in Virology* 10: pp. 63-69. (2015)
 2. Ximena A Olarte-Castillo, Felix Heeger, Camila J Mazzoni, Alex D Greenwood, Robert Fyumagwa, Patricia D Moehlman, Heribert Hofer, Marion L East. Molecular characterization of canine kobuvirus in wild carnivores and the domestic dog in Africa. *Virology* 477: pp. 89-97. (2015)
 3. Di Martino B, Di Profio F, Melegari I, Di Felice E, Robetto S, Guidetti C, Orusa R, Martella V, Marsilio F. Molecular detection of kobuviruses in European roe deer (*Capreolus capreolus*). *Archives of Virology*, 2015;160(8):2083-2086.
 4. Liu X, Oka T, Wang Q. Genomic characterization of a US porcine kobuvirus strain. *Archives of Microbiology*, 2015;197(8):1033-1040.
 5. Otamaru K, Naoi Y, Haga K, Omatsu T, Uto T, Koizumi M, Masuda T, Yamasato H, Takai H, Aoki H, Tsuchiaka S, Sano K, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Furuya T, Shirai J, Katayama K, Mizutani T, Nagai M. Detection of novel kobu-like viruses in Japanese black cattle in Japan. *J Veterinary Medical Science*, 2015; id: 15-0447 DOI: 10.1292/jvms.15-0447
- 106. Reuter G, Pankovics P, Delwart E, Boros Á.** Novel posavirus-related single-stranded RNA virus from fish (*Cyprinus carpio*)
Archives of Virology, 2015. 160(2), 565-568.
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 2 Függő idéző: 0 Összesen: 2

1. Hause BM, Hesse RA, Anderson GA. Identification of a novel *Picornavirales* virus distantly related to posavirus in swine feces. *Virus Genes*, 2015;51(1):144-147.
 2. Munnink BBO, Cotten M, Deijns M, Jebbink MF, Bakker M, Farsani SMJ, Canuti M, Kellam P, vander Hoek L. A novel genus in the order Picornavirales detected in human stool. *JOURNAL OF GENERAL VIROLOGY* 96: pp. 3440-3443. (2015)
- 107.** Boros Á, Fenyvesi H, Pankovics P, Bíró H, Phan GT, Delwart E, **Reuter G**. Secondary structure analysis of swine pasivirus (family *Picornaviridae*) RNA reveals type-IV IRES and parechovirus-like 3'UTR organization
Archives of Virology, 2015. 160(5), 1363-1366.
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
- 108.** Boros Á, Pankovics P, Simmonds P, Pollák E, Mátics R, Phan TG, Delwart E, **Reuter G**. Genome analysis of a novel, highly divergent picornavirus from common kestrel (*Falco tinnunculus*): the first non-enteroviral picornavirus with type-I-like IRES
Infection, Genetics and Evolution, 2015. 32, 425-431.
Impakt faktor: 3,015
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
- 109.** Ng TFF, Wellehan JFX, Coleman JK, Kondov NO, Deng X, Waltzek TB, **Reuter G**, Knowles NJ, Delwart E. A tortoise-infecting picornavirus expands the host range of the family *Picornaviridae*
Archives of Virology, 2015.160(5), 1319-1323.
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 0 Függő idéző: 3 Összesen: 3
- 110.** Pankovics P, Boros Á, Kiss T, Delwart E, **Reuter G**. Detection of a mammalian-like astrovirus in bird, European roller (*Coracias garrulus*)
Infection, Genetics and Evolution, 2015. 34, 114-121.
Impakt faktor: 3,015
Független idéző: 2 Függő idéző: 0 Összesen: 2
1. Mendenhall IH, Yaung KN, Joyner PH, Keatts L, Borthwick S, Neves ES, San S, Gilbert M, Smith GJ. Detection of a novel astrovirus from a black-naped monarch (*Hypothymis azurea*) in Cambodia. *VIROLOGY JOURNAL* 12(1):Paper 182. (2015)
 2. Karlsson EA, Small CT, Freiden P, Feeroz MM, Matsen FA, San S, Hasan MK, Wang D, Jones-Engel L, Schultz-Cherry S. Non-human primates harbor diverse mammalian and avian astroviruses including those associated with human infections. *PLoS Pathogens*, 2015;11(11):e1005225.
- 111.** **Reuter G**, Boros Á, Tóth Z, Phan TG, Delwart E, Pankovics P. A highly divergent picornavirus in the amphibian, the smooth newt (*Lissotriton vulgaris*)
Journal of General Virology, 2015. 96(9), 2607-2613.
Impakt faktor: 3,183
Független idéző: 0 Függő idéző: 1 Összesen: 1
- 112.** Ng TFF, Sachsenröder J, **Reuter G**, Knowles NJ, Delwart E, Johne R. *Rabovirus*: a proposed new picornavirus genus that is phylogenetically basal to enteroviruses and sapeloviruses
Archives of Virology, 2015. 160(10), 2569-2575.
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0

113. Horváth KB, Pankovics P, Kálmán E, Kádár Z, Battyáni Z, Lengyel Z, **Reuter G**. Epidemiological, clinicopathological and virological features of Merkel cell carcinomas in Medical Center of University of Pécs, Hungary (2007-2012)
Pathology and Oncology Research, 2015. *in press*
Impakt faktor: 1,855
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
114. Pankovics P, Boros Á, **Reuter G**. Novel 5'/3' RACE method for amplification and determination of single-stranded RNAs through double-stranded RNA (dsRNA) intermediates
Molecular Biotechnology, 2015. 57, 974-981.
Impakt faktor: 1,876
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
115. de Graaf M, van Beek J, Vennema H, Podkolzin AT, Hewitt J, Bucardo F, Templeton K, Mans J, Nordgren J, **Reuter G**, Lynch M, Rasmussen LD, Iritani N, Chan MC, Martella V, Ambert-Balay K, Vinjé J, White PA, Koopmans MP. Emergence of a novel GII.17 norovirus – end of the GII.4 era?
Eurosurveillance, 2015. 20(26),8-15. 02 July 2015
Impakt faktor: 5,722
Független idéző: 5 Függő idéző: 3 Összesen: 8
1. Khamrin P, Thongprachum A, Takanashi S, Okitsu S, Maneekarn N, Hayakawa S, Ushijima H. Evaluation of immunochromatography tests for detection of novel GII.17 norovirus in stool samples. *EUROSURVEILLANCE* 20: (28) Paper 21185. (2015)
 2. Kim JS, Kim HS, Hyun J, Kim HS, Song W. Molecular Epidemiology of Human Norovirus in Korea in 2013. *BIOMED RESEARCH INTERNATIONAL* Paper ID 468304. 8 p. (2015)
 3. Han J, Ji L, Sen Y, Wu X, Xu D, Chen L. Emergence and predominance of norovirus GII.17 in Huzhou, China, 2014–2015. *VIROLOGY JOURNAL* 12: p. 139. (2015)
 4. Thongprachum A, Khamrin P, Maneekarn N, Hayakawa S, Ushijima H. Epidemiology of gastroenteritis viruses in Japan: Prevalence, seasonality, and outbreak. *JOURNAL OF MEDICAL VIROLOGY* 000: p. 000. (2016) DOI: 10.1002/jmv.24387
 5. Steyer A, Naglic T, Kolenc M, Sgadin M, Poljsak-Prijatelj. Novosti na področju virusnih okužb prebavil - Novelities in Gastrointestinal Viral Infections. *MEDICINSKI RAZGLEDI* 54: (S2) pp. 93-102. (2015)
116. Pankovics P, Boros Á, Bíró H, Horváth KB, Phan TG, Delwart E, **Reuter G**. Novel picornavirus in domestic rabbits (*Oryctolagus cuniculus* var. *domestica*)
Infection, Genetics and Evolution, 2016. 37:117-122.
Impakt faktor: 3,015
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
117. Hargitai R, Pankovics P, Kertész AM, Bíró H, Boros Á, Phan GP, Delwart E, **Reuter G**. Detection and genetic characterization of a novel parvovirus distantly related to human bufavirus in domestic pigs
Archives of Virology, 2016. *in press*
Impakt faktor: 2,39
Független idéző: 0 Függő idéző: 0 Összesen: 0
118. Boros Á, Pankovics P, Adonyi Á, Fenyvesi H, Day JM, Phan TG, Delwart E, **Reuter G**. A diarrheic chicken simultaneously co-infected with multiple picornaviruses: Complete genome analysis of avian picornaviruses representing up to six genera.
Virology, 2016. *in press*

Impakt faktor: 3,321

Független idéző: 0 Fügő idéző: 0 Összesen: 0

TÍZ LEGFONTOSABB PUBLIKÁCIÓ

15. Lopman B, Vennema H, Kohli E, Pothier P, Sanchez A, Negredo A, Buesa J, Schreier E, Reacher M, Brown D, Gallimore C, Bottiger B, Svensson L, Hedlund K-O, Thorven M, von Bonsdorff C-H, Maunula L, Poljsak-Prijatelj M, **Reuter G**, Szűcs Gy, Melegh B, van Duynhoven Y, Koopmans M: Increase in viral gastroenteritis outbreaks in Europe and epidemic spread of new norovirus variant
The Lancet 2004. 363, 682-688.

Impakt faktor: 21,713

Független idéző: 310 Fügő idéző: 109 Összesen: 419

19. **Reuter G**, Krisztalovics K, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Evidence of the etiological predominance of norovirus in gastroenteritis outbreaks – emerging new-variant and recombinant noroviruses in Hungary
Journal of Medical Virology 2005. 76, 598-607.

Impakt faktor: 2,52

Független idéző: 63 Fügő idéző: 21 Összesen: 84

45. Kroneman A, Verhoef L, Harris J, Vennema H, Duizer E, van Duynhoven Y, Gray J, Iturriza M, Böttiger B, Falkenhorst G, Johnsen C, von Bonsdorff CH, Maunula L, Kuusi M, Pothier P, Gallay A, Schreier E, Höhne M, Koch J, Szűcs G, **Reuter G**, Krisztalovics K, Lynch M, McKeown P, Foley B, Coughlan S, Ruggeri F, Di Bartolo I, Vainio K, Isakbaeva E, Poljsak-Prijatelj M, Hovevar Grom A, Zimsek-Mijovski J, Bosch A, Buesa J, Sanchez Fauquier A, Hernández-Pezzi G, Hedlund KO, Koopmans M: Analysis of integrated virological and epidemiological reports of norovirus outbreaks collected within the Foodborne Viruses in Europe network from 1-7-2001 to 30-6-2006
Journal of Clinical Microbiology, 2008. 46, 2959-2965.

Impakt faktor: 3,945

Független idéző: 95 Fügő idéző: 26 Összesen: 121

47. **Reuter G**, Boldizsár Á, Kiss I, Pankovics P: Candidate new species of *Kobuvirus* in porcine hosts

Emerging Infectious Diseases, 2008. 12, 1968-1970.

Impakt faktor: 6,449

Független idéző: 74 Fügő idéző: 11 Összesen: 85

49. **Reuter G**, Boldizsár Á, Pankovics P: Complete nucleotide and amino acid sequences and genetic organization of porcine kobuvirus, member of a new species in genus *Kobuvirus*, family *Picornaviridae*

Archives of Virology, 2009. 154, 101-108.

Impakt faktor: 1,909

Független idéző: 68 Fügő idéző: 13 Összesen: 81

52. **Reuter G**, Fodor D, Forgách P, Kátai A, Szűcs Gy: Characterization and zoonotic potential of endemic hepatitis E virus (HEV) strains in humans and animals in Hungary

Journal of Clinical Virology, 2009. 44, 277-281.

Impakt faktor: 3,124

Független idéző: 86 Független idéző: 4 Összesen: 90

57. Siebenga J, Vennema H, Zheng DP, Vinjé J, Lee B, Pang X-L, Ho E, Lim W, Choudekar A, Broor S, Helperin T, Banu N, Hewitt J, Greening G, Miao J, Duan Z-J, Lucero Y, O’Ryan M, Hoehne M, Schreier E, Ratcliff R, White P, Iritani N, **Reuter G**, Koopmans M: Norovirus illness is a global problem: emergence and spread of norovirus GII.4 variants, 2001-2007

Journal of Infectious Diseases, 2009. 200, 802-812.

Impakt faktor: 5,865

Független idéző: 264 Független idéző: 54 Összesen: 318

72. **Reuter G**, Boros Á, Pankovics P. Kobuviruses – a comprehensive review

Reviews in Medical Virology, 2011. 21(1), 32-41.

Impakt faktor: 7,2

Független idéző: 68 Független idéző: 4 Összesen: 72

87. **Reuter G**, Pankovics P, Knowles NJ, Boros Á. Two closely related novel picornaviruses in cattle and sheep in Hungary from 2008 to 2009, proposed as members of a new genus, in the family *Picornaviridae*.

Journal of Virology, 2012;86(24):13295-13302.

Impakt faktor: 5,076

Független idéző: 16 Független idéző: 4 Összesen: 20

98. Boros Á, Pankovics P, Knowles NJ, Nemes C, Delwart E, **Reuter G**. Comparative complete genome analysis of chicken and turkey megaviruses (family *Picornaviridae*): long 3’ untranslated regions with a potential second open reading frame and evidence for possible recombination.

Journal of Virology, 2014. 88(11), 6434-6443.

Impakt faktor: 4,439

Független idéző: 6 Független idéző: 2 Összesen: 8

IDÉZHETŐ ELŐADÁSKIVONATOK

- Szűcs Gy, **Reuter G**, Bányai K, Jakab F, Új M: Importance, detection, and taxonomic classification of human caliciviruses.

Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2001. 48, 209-210.

- Bányai K, Gentsch J, Holmes J, Griffin D, Glass RI, Új M, **Reuter G**, Szűcs Gy: Investigation of human rotavirus strains in six consecutive rotavirus seasons in Hungary.

Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2001. 48, 224.

- Reuter G**, Kátai A, Kálmán M, Farkas T, Berke T, Bányai K, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: First detection of human calicivirus in a food-borne outbreak in Hungary.

Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2001. 48, 266-267.

- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Bányai K, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Humán calicivírus fertőzések kimutatása hazánkban.

Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2000. Suppl. 1 S11.

- Szűcs Gy, **Reuter G**, Bányai K, Új M: A molekuláris vizsgálatok eredményei megváltoztatták a humán calicivírusok klinikai jelentőségét és rendszertanát.

- Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2000. Suppl. 1 S11
- Bányai K, Gentsch J, Glass RI, **Reuter G**, Szűcs Gy: G6 szerotípusú rotavírusok kimutatása Magyarországon - másodikként Európában.
Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2000. Suppl. 1 S26
- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Szűcs Gy, Matson DO: Molecular epidemiology of human calicivirus gastroenteritis outbreaks in Hungary, 1998-2000.
Journal of Clinical Virology 2001. 22, 170.
- Reuter G**, Szűcs Gy: A "Norwalk-szerű vírusok" vezető kóroki szerepe a kórházi (nosocomiális) gastroenteritis járványokban, Magyarországon.
Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2002. Suppl. 1, S7.
- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Genetic diversity of human caliciviruses isolated in Hungary between 1998 and 2000.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2003. 50, 265.
- Bányai K, **Reuter G**, Új M, Szűcs Gy: Detection of picobirnavirus in human feces.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2003. 50, 281.
- Reuter G**, Krisztalovics K, van der Veer B, de Bruin E, Vennema H, Koopmans MPG, Szűcs Gy: Detection of the aetiological predominance of Norovirus in the hospital (nosocomial) gastroenteritis outbreaks in Hungary. (P1237)
Clinical Microbiology and Infection 2004. Suppl 3, 342.
- Reuter G**, Krisztalovics K, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Etiological predominance of Norovirus in gastroenteritis outbreaks – Emerging new-variant and recombinant Norovirus genotypes in Hungary.
Second International Calicivirus Conference, Poster "5110" In: Abstractbook 2004, 77.
- Reuter G**, Szűcs Gy: Outstanding role and epidemiology of "Norwalk-like viruses" in acute gastroenteritis outbreaks in Hungary.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2004. 51, 485-486.
- Reuter G**, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Epidemic spread of recombinant noroviruses with four capsid types in Hungary.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2005. 52, Suppl 130-131.
- Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Molecular detection of hepatitis E virus (HEV) in non-imported hepatitis case – Identification of a potential new human hepatitis E virus strain in Hungary.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2005. 52, Suppl 129.
- Reuter G**, Juhász Á, Kosztolányi L-né, Lefler É, Fekete Zs: Co-circulation of genotype IA and new variant IB hepatitis A virus (HAV) strains in outbreaks of acute hepatitis in Hungary – 2003/2004.
Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2005. 52, Suppl 130.
- Forgách P, Haagsman A, Szügyi D, Zentai J, **Reuter G**, Bakonyi T, Szűcs Gy: Presence and phylogenetic relationship of hepatitis E virus of animal origin in Hungary. Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica 2005. 52, Suppl 40-41.
- Reuter G**, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Epidemic spread of recombinant noroviruses with four capsid types.
Clinical Microbiology and Infection 2006. április 1-4, CD 2006;12:Suppl 4 (P1654)
- Reuter G**, Fodor D, Forgách P, Molnár B, Zentai J, Kátai A, Szűcs Gy: Molecular detection and sequence analysis of hepatitis E viruses in humans and animals in Hungary.
Clinical Microbiology and Infection 2006. április 1-4, CD 2006;12:Suppl 4 (P786)
- Reuter G**, Fodor D, Forgách P, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus (HEV) molekuláris epidemiológiája hazánkban – endémiás zoonózis.
Infektológia és Klinikai Mikrobiológia 2006. Suppl. 1, S13.

- Pankovics, Szabó H, Székely G, Gyurkovits K, **Reuter G**: Molecular detection and epidemiology of type A and B respiratory syncytial viruses in childhood respiratory infections. *Journal of Clinical Virology*, 2009;46(Suppl 1), S22. (PIV-17)
- Reuter G**, Boldizsár Á, Pankovics P: Detection and characterization of kobuviruses (in family *Picornaviridae*) in new host species. *Journal of Clinical Virology*, 2009;46(Suppl 1), S57. (PXII-14)
- Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G**: Molecular detection and epidemiology of type A and B respiratory syncytial viruses in childhood respiratory infections. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2009. 56, 79-80.
- Reuter G**, Bíró H, Egyed L, Kiss L, Pankovics P, Szűcs Gy: Genetic drift and pandemic potential of genotype GII4 norovirus strains in humans in seven consecutive epidemic seasons and the first detection of caliciviruses in animals (swine and cattle) in Hungary. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2009. 56, 85-86.
- Drobeniuc J, Meng J, **Reuter G**, Green-Monfort T, Khudyakova N, Dimitrova Z, Kamili S, Teo C-G. Serologic assays specific to IgM antibodies against hepatitis E virus: pan-genotypic evaluation of performances. *International Journal of Infectious Diseases*, 2010. 14, Suppl1, E239.
- Reuter G**, Schäffer K: Infectious disease surveillance in the XXI century – importance of molecular epidemiology in disease control and prevention. *Magyar Epidemiológia*, 2010. 7(4), S52.
- Boros Á, Új M, Pankovics P, **Reuter G**. Detection and characterization of human parechoviruses in archived cell cultures, in Hungary. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2011. 58, 15-16.
- Pankovics P, Kugler Z, Kátai A, **Reuter G**. First gastroenteritis outbreak caused by sapovirus in Hungary – Part of an international epidemic? *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2011. 58, 84-85.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Boros Á, Pankovics P. Detection and characterization of kobuviruses (in family *Picornaviridae*) in new host species. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2011. 58, 89-90.
- Boros Á, Pankovics P, Nemes Cs, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Porcine enteroviruses: recent findings of a long time ignored picornavirus group. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2013. 60, 11-12.
- Pankovics P, Boros Á, **Reuter G**. Novel picornavirus in domesticated common quail (*Coturnix coturnix*) in Hungary. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2013. 60, 66-67.
- Boros Á, Pankovics P, Nemes Cs, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Novel genera of avian-origin picornaviruses (“Gallivirus” and “Avisivirus”) and their unexpected genome features: small steps towards to understand the complexity of the picornavirus genome structure and diversity. *Acta Microbiologica et Immunologica Hungarica* 2013. 60, 121-122.
- Horváth K, Pankovics P, Kálmán E, **Reuter G**. A Merkel-sejtes polyomavírus, mint a Merkel-sejtes carcinoma valószínű kóroka – kliniko-pathológiai és virológiai vizsgálataink tapasztalatai. *Magyar Onkológia*, 2013. 57 (Suppl1):36-

POSZTEREK KONFERENCIÁKON

- Farkas T, Berke T, **Reuter G**, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Molecular detection and sequence analysis of four human calicivirus (HuCV) isolates from acut gastroenteritis

- (GE) outbreaks in Hungary. American Society of Virology 19th Annual Meeting, Fort Collins, Colorado, USA, 2000. július 8-12.
- Bányai K, Gentsch J, Holmes J, Griffin D, Glass RI, Új M, **Reuter G**, Szűcs Gy: Rotavírus törzsek vizsgálata Magyarországon hat egymást követő rotavírus szezonban. First Joint Meeting of the Slovenian Society for Microbiology and the Hungarian Society for Microbiology, Keszthely, 2000. augusztus 23-26.
- Bányai K, Varga L, Sas Y, **Reuter G**, Új M, Szűcs Gy: Rotavírus fertőzések jelentősége a Baranya Megyei Gyermekkorház fertőző osztályának gastroenterális anyagában négy rotavírus szezonban (1996-2000) Magyar Higiénikus Társaság. Debrecen, 2000. szeptember 20-22.
- Bányai K, Gentsch J, Glass RI, **Reuter G**, Szűcs Gy: G6 szerotípusú rotavírusok kimutatása Magyarországon - másodikként Európában. Magyar Infektológiai Társaság, Budapest, 2000. október 12-14.
- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Szűcs Gy, Matson DO: Molecular epidemiology of human calicivirus gastroenteritis outbreaks in Hungary, 1998-2000. 5th Annual Meeting of the European Society for Clinical Virology, Lahti, Finnország, 2001. szeptember 2-5.
- Bányai K, **Reuter G**, Új M, Szűcs Gy: Picobirna vírus kimutatása emberi féceszből. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Balatonfüred, 2001. október 10-12.
- Reuter G**, Krisztalovics K, van der Veer B, de Bruin E, Vennema H, Koopmans MPG, Szűcs Gy: Detection of the aetiological predominance of Norovirus in the hospital (nosocomial) gastroenteritis outbreaks in Hungary. P1237, 14th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID) Prága, Csehország, 2004. május 1-4.
- Reuter G**, Krisztalovics K, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Etiological predominance of Norovirus in gastroenteritis outbreaks – Emerging new-variant and recombinant Norovirus genotypes in Hungary. Second International Calicivirus Conference, Dijon, Franciaország, 2004. november 6-10.
- Duizer E, Herremans T, **Reuter G**, Szűcs Gy, Norder H, Hedlund K-O, Sundqvist L: HEV in acute viral hepatitis in humans in Europe. International Conference on Emerging Infectious Diseases ICEID, Atlanta, USA, 2006. március 19-22.
- Reuter G**, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Epidemic spread of recombinant noroviruses with four capsid types. 16th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID), P1654, Nice, Franciaország, 2006. április 1-4.
- Reuter G**, Fodor D, Forgách P, Molnár B, Zentai J, Kátai A, Szűcs Gy: Molecular detection and sequence analysis of hepatitis E viruses in humans and animals in Hungary. 16th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID), P786, Nice, Franciaország, 2006. április 1-4.
- Steffler D, Papp E, Kiss E, **Reuter G**, Ember I: A 2006-os dél-dunántúli hepatitis A járvány klinikai jellegzetességei. Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Szolnok, 2007. október 11-13.
- Reuter G**, Krisztalovics K, Szűcs Gy: Ten-years surveillance of norovirus in outbreaks of gastroenteritis in Hungary: molecular epidemiology, genetic diversity and evolution. 3th International Calicivirus Conference, Cancun, Mexikó, 2007. november 10-13.
- Reuter G**, Pankovics P, Krisztalovics K, Szűcs Gy: Ten-years surveillance of norovirus in outbreaks of gastroenteritis in Hungary: molecular epidemiology, genetic diversity and evolution. 18th European Congress of Clinical Microbiology and Infectious Diseases (ECCMID), Barcelona, Spanyolország, 2008. április 19-22.
- Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G**: Molecular detection and epidemiology of type A and B respiratory syncytial viruses in childhood respiratory

- infections. European Society for Clinical Virology (ESCV), Istanbul, Törökország, 2009. szeptember 27-30.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Pankovics P: Detection and characterization of kobuviruses (in family *Picornaviridae*) in new host species. European Society for Clinical Virology (ESCV), Istanbul, Törökország, 2009. szeptember 27-30.
- Drobeniuc J, Meng J, **Reuter G**, Khudyakov N, Le N-T, Greene-Montfort T, Dimitrova Z, Kamili S, Teo CG: Performance of serologic assays specific to IgM antibodies against hepatitis E virus: pan-genotypic evaluation. 14th International Congress on Infectious Diseases (ICID), Miami, USA, 2010. március 9-12.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Boros Á, Pankovics P. Kobuviruses and a potential new picornavirus genus in different host species. 4th European Congress of Virology, Como, Olaszország, 2010. április 7-11.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Boros Á, Pankovics P. Detection and characterization of kobuvirus (in family *Picornaviridae*) in human and in new host species in Hungary. 20th European Congress of Clinical Microbiology, Bécs, Ausztria, 2010. április 10-13.
- Boros Á, Új M, Pankovics P, **Reuter G**. Detection and characterization of human parechoviruses in archived cell cultures in Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Keszthely, 2010. október 12-15.
- Horváth K; Pankovics P; Kálmán E; **Reuter G**. A Merkel-sejtes polyomavírus, mint a Merkel-sejtes carcinoma valószínű kóroka – kliniko-pathológiai és virológiai vizsgálataink tapasztalatai. Amerikai-Magyar Orvosszövetség Konferenciája (Hungarian Medical Association of America, HMAA), Balatonfüred, 2013. augusztus 16-17.
- Bachanek-Bankowska K, Boros Á, Wadsworth J, Pankovics P, **Reuter G**, Knowles NJ. Enteroviruses isolated from sheep belong to the recently renamed *Enterovirus E* (*Bovine enterovirus* group A) and *Enterovirus G* (*Porcine enterovirus*) species. EUROPIC 18th, Blankenberge, Belgium, 2014. március 9-14.
- Boros Á, Bachanek-Bankowska K, Wadsworth J, Pankovics P, **Reuter G**, Knowles NJ. Genome sequence of a third genotype of hunnivirus (previously named hungarovirus) isolated from sheep in Northern Ireland. EUROPIC 18th, Blankenberge, Belgium, 2014. március 9-14.

ELŐADÁSOK KONFERENCIÁKON, PLENÁRIS ÉS FELKÉRT ELŐADÁSOK, SZEKCIÓELNÖKSÉGEK

- Szűcs Gy, **Reuter G**, Új M: Rotavírus vakcina - Miért, Hol, Mikor? Magyar Infektológiai Társaság, Szeged, 1998. október 8-10.
- Reuter G**: Endotoxin hatása a rotavírus infektivitására sejtenyészetben. TDK Konferencia, Pécs, 1999. február 18-20.
- Reuter G**, Kátai A, Kálmán M, Farkas T, Berke T, Bányai K, Jiang X, Matson DO: Humán calicivírus fertőzés első igazolása ételrel - járványból Magyarországon. First Joint Meeting of the Slovenian Society for Microbiology and the Hungarian Society for Microbiology, Keszthely, 2000. augusztus 23-26.
- Szűcs Gy, **Reuter G**, Bányai K, Jakab F, Új M: A humán calicivírusok jelentősége, kimutatásuk és taxonomiai osztályozásuk. First Joint Meeting of the Slovenian Society for Microbiology and the Hungarian Society for Microbiology, Keszthely, 2000. augusztus 23-26.

- Reuter G**, Kucsera S, Somogyi Gy, Lencsés Gy, Bányai K, Szűcs Gy: Humán calicivírus-járvány kórházi osztályon. Magyar Higiénikus Társaság, Debrecen, 2000. szeptember 20-22.
- Jakab F, Bányai K, **Reuter G**, Szűcs Gy: Humán astrovírusok kimutatása tenyésztéssel és molekuláris biológiai módszerekkel. Magyar Higiénikus Társaság, Debrecen, 2000. szeptember 20-22.
- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Bányai K, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Humán calicivírus fertőzések kimutatása hazánkban. Magyar Infektológiai Társaság, Budapest, 2000. október 12-14.
- Szűcs Gy, **Reuter G**, Bányai K, Új M: A molekuláris vizsgálatok eredményei megváltoztatták a humán calicivírusok klinikai jelentőségét és rendszertanát. Magyar Infektológiai Társaság, Budapest, 2000. október 12-14.
- Szűcs Gy, **Reuter G**: Calicivírusok molekuláris diagnosztikája. Johan Béla Epidemiológiai Központ, Budapest, 2001. február 6.
- Szűcs Gy, **Reuter G**: Virális gastroenteritisek. Johan Béla Epidemiológiai Központ, Budapest, 2001. április 25.
- Maszárovics Z, **Reuter G**, Szűcs Gy, Kissík I, Enyedi J: Humán calicivírusok jelentősége és jelenléte Heves megyében. Magyar Gyermekorvosok Társasága, Észak-Kelet Magyarországi Szakosztályának Tudományos Ülése, Eger, 2001. június 1-2.
- Reuter G**, Farkas T, Berke T, Jiang X, Matson DO, Szűcs Gy: Magyarországon izolált humán calicivírusok genetikai diverzitása, 1998/2000. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Balatonfüred, 2001. október 10-12.
- Maszárovics Z, **Reuter G**, Kissík I, Enyedi J, Szűcs Gy: Humán calicivírusok (HuCV) detektálása Heves megyében. XX. Heves Megyei Orvos - Gyógyszerész és V. Szakdolgozói Napok, Gyöngyös, 2001. november 9.
- Szűcs Gy, **Reuter G**, Krisztalovics K: A humán calicivírus járványok gyakorlati diagnosztikai tapasztalatai. Országos Bakteriológus Értekezlet. Hévíz, 2002. április 18-19.
- Reuter G**, Szűcs Gy: A "Norwalk-szerű vírusok" vezető kóroki szerepe és epidemiológiája az akut gastroenteritis járványokban, Magyarországon. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Balatonfüred, 2002. október 8-10.
- Reuter G**, Szűcs Gy: A "Norwalk-szerű vírusok" vezető kóroki szerepe a kórházi (nosocomiális) gastroenteritis járványokban, Magyarországon. Magyar Infektológiai Társaság, Szekszárd, 2002. október 10-12.
- Reuter G**: Calicivírus járványok Magyarországon. Epidemiológusok Országos Továbbképző Értekezlete Balatonboglár, 2003. május 21-23. (*felkért előadás*)
- Reuter G**, Szűcs Gy: "Mit keresnek a calicivírusok a klinikán" - Közösségi és kórházi Norovírus járványok Magyarországon. PTE Neurológiai Klinika, Továbbképző Referáló Délutánja, Pécs, 2003. október 22. (*felkért előadás*)
- Reuter G**: Gastroenteritisek bizonyított és feltételezett virális kórokozói. Fertőző betegségek epidemiológiája és kórház-higiénés ismeretek képzési program. Semmelweis Egyetem ÁOK, Közegészségtani Intézet, Budapest, 2004. február 16-27. (*felkért előadás*)
- Reuter G**, Vennema H, Koopmans H, Szűcs Gy: Új, rekombináns norovírus (Hilversum/GGIb) megjelenése és kimutatása nem-bakteriális gastroenteritis járványokban. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológus Társaság, Budapest, 2004. június 10, 2004.
- Forgách P, Haagsmann A, Szügyi D, Zentai J, **Reuter G**, Bakonyi T, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus előfordulása Magyarországon állati eredetű mintákban. Magyar Zoonózis Társaság, 2005. évi Szent-Iványi Binder Napok, Sárospatak, 2005. június 8-10.
- Reuter G**, Krisztalovics K, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: A norovírusok vezető kóroki szerepe a gastroenteritis járványokban – Új variáns és rekombináns

- norovírusok megjelenése Magyarországon, 2001-2003. Magyar Infektológiai Társaság 33. Konferenciája, Eger, 2005. október 13-15. (referátum)
- Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Hepatitis E vírus (HEV) molekuláris kimutatása nem importált heveny hepatitisből – A hepatitis E vírus potenciálisan új, humán genetikai vonalának azonosítása Magyarországon. Magyar Infektológiai Társaság 33. Konferenciája, Eger, 2005. október 13-15.
- Fodor D, Kátai A, **Reuter G**, Maszárovics Z, Menyhárth É: Endémiás hepatitis E megbetegedések Csongrád megyében. Magyar Infektológiai Társaság 33. Konferenciája, Eger, 2005. október 13-15.
- Reuter G**, Vennema H, Koopmans M, Szűcs Gy: Epidemic spread of recombinant noroviruses with four capsid types in Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2005. évi Nagygyűlése és a 1st Central European Forum for Microbiology, Keszthely, 2005. október 26-28.
- Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Molecular detection of hepatitis E virus (HEV) in non-imported hepatitis case – Identification of a potential new human hepatitis E virus strain in Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2005. évi Nagygyűlése és a 1st Central European Forum for Microbiology, Keszthely, 2005. október 26-28.
- Reuter G**, Juhász Á, Kosztolányi L-né, Lefler É, Fekete Zs: Co-circulation of genotype IA and new variant IB hepatitis A virus (HAV) strains in outbreaks of acute hepatitis in Hungary – 2003/2004. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2005. évi Nagygyűlése és a 1st Central European Forum for Microbiology, Keszthely, 2005. október 26-28.
- Forgách P, Haagsman A, Szügyi D, Zentai J, **Reuter G**, Bakonyi T, Szűcs Gy: Presence and phylogenetic relationship of hepatitis E virus of animal origin in Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2005. évi Nagygyűlése és a 1st Central European Forum for Microbiology, Keszthely, 2005. október 26-28.
- Reuter G**, Juhász Á, Kosztolányi L-né, Lefler É, Fekete Zs, Szűcs Gy: A hepatitis A vírus (HAV) IA és új variáns IB szubgenotípusának molekuláris kimutatása hepatitis járványokból hazánkban. A Népegészségügyi Tudományos Tanács 2006. évi XV. Nagygyűlése, Siófok, 2006. április 26-28.
- Szűcs Gy, **Reuter G**, Bányai K, Jakab F: A gasztroenterális vírusok molekuláris epidemiológiai vizsgálatai – nemzetközi együttműködéssel. A Népegészségügyi Tudományos Tanács 2006. évi XV. Nagygyűlése, Siófok, 2006. április 26-28.
- Forgách P, Boncz A, Molnár B, Zentai J, Bakonyi T, **Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus előfordulása magyarországi sertésállományokban. 15. Kövesnapok, Siófok, 2006. május 11-12.
- Forgách P, Boncz A, Molnár B, Zentai J, Bakonyi T, **Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus előfordulása magyarországi sertésállományokban. Magyar Országos Állatorvos Egyesület Sertés-egészségügyi Társasága, 2006. évi Kövesnapok, Keszthely, 2006,
- Reuter G**, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, Szűcs Gy: Humán metapneumovírus első hazai kimutatása gyermekkori légúti fertőzésből. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológus Társaság, Budapest, 2006. június 8.
- Reuter G**, Fodor D, Forgách P, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus (HEV) molekuláris epidemiológiája hazánkban – endémiás zoonózis. Magyar Infektológia és Klinikai Mikrobiológiai Társaság 34. Kongresszusa, 2006. október 5-7, Pécs.
- Reuter G**, Szűcs Gy: Eight year molecular surveillance of norovirus in gastroenteritis outbreaks in Hungary. 8th European Congress of Chemotherapy and Infection (ECC8) and the 4th European Congress on Viral Diseases (ConVir4). 2006. október 23-28, Budapest.

- Forgách P, Boncz A, Molnár B, Zantai J, Bakonyi T, **Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: A hepatitis E vírus előfordulása magyarországi sertés-állományokban. Magyar Állatorvosok világszövetsége, Sertés-egészségügyi Konferencia, Galánta, Szlovákia, 2006.
- Forgách P, Boncz A, Molnár B, Zantai J, Bakonyi T, **Reuter G**, Fodor D, Kátai A, Szűcs Gy: Hepatitis E virus is endemic in Hungary. 8th European Congress of Chemotherapy and Infection (ECC8) and the 4th European Congress on Viral Diseases (ConVir4). 2006. október 23-28, Budapest.
- Reuter G**: A hepatitis E vírus molekuláris epidemiológiája hazánkban – endémiás zoonózis. Országos Epidemiológiai Központ, Budapest, 2007. április 18. *(felkért előadás)*
- Reuter G**, Pankovics P, Stefler D, Löveyné Móricz Á, Varga E, Kiss G, Szűcs M, Fekete Zs, Szűcs Gy: Hepatitis A-járvány a Dél-Dunántúlon: molekuláris összefüggések, epidemiológiai következtetések – 2006. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológus Társaság, Budapest, 2007. június 7.
- Reuter G**. GGII-4 variants and GGIIb/Hilversum in Hungary. „Foodborne Viruses in Europe” Consortium (DIVINE-NET/EVENT) konferenciája. Pécs, 2007. szeptember 27-28.
- Pankovics P, **Reuter G**, Stefler D, Löveyné Móricz Á, Varga E, Kiss G, Szűcs M, Fekete Zs, Szűcs Gy: Hepatitis E outbreak in South-Transdanubia: Characterization of endemic and imported HAV strains in Hungary. „Foodborne Viruses in Europe” Consortium (DIVINE-NET/EVENT) konferenciája. Pécs, 2007. szeptember 27-28.
- Reuter G**: „Változatok egy témára” – Enterális vírusok (hepatitis A vírus, hepatitis E vírus és calicivírus) molekuláris epidemiológiája hazánkban. Pécsi Tudományegyetem Mikrobiológiai Szemináriumok, Pécs, 2007. október 5.
- Siebenga J, Bidawid S, Broor S, Duan Z-J, Fang Z-Y, Gallimore C, Greening G, Hewitt J, Höhne M, Iritani N, Lee BE, Lim W, Lucero Y, Mattison K, Pang X-L, Ratcliff R, **Reuter G**, O’Ryan ML, Schreier E, Taylor MB, Tu ETV, Vinjé J, White P, Zheng D-P, van Zyl WB, Koopmans M: Global molecular epidemiology of subsequent emerging variants of the dominant GII.4 genotype of noroviruses between 2001 and 2007. 3th International Calicivirus Conference, Cancun, Mexikó, 2007. november 10-13. S3-6
- Reuter G**: Calicivírus pandémiák – a calicivírus járványok epidemiológiájának molekuláris szintű magyarázata (A 10 éves hazai norovírus surveillance) Epidemiológiai Munkaértekezlet, Országos Epidemiológiai Központ, Budapest, 2007. december 11. *(felkért előadás)*
- Duizer E, **Reuter G**, Norder H, Hedlund K-O, Nicand E, Sandquist L, Bottiger B, Koopmans M: HEV in acute viral hepatitis in humans in Europe. 11th Annual ESCV Meeting, 2008. március 12-15., Saariselkä, Lappföld, Finnország
- Reuter G**: Calicivírus pandémiák – a calicivírus járványok epidemiológiájának molekuláris szintű magyarázata (A 10 éves hazai norovírus surveillance) „Amit a norovírusokról tudni lehet” házi továbbképzés az ÁNTSZ Közép-Dunántúli Regionális Intézetében, Veszprém, 2008. április 29. *(felkért előadás)*
- Reuter G**, Pankovics P, Szűcs Gy: A GII4 genotípusú norovírus genetikai evolúciója (drift) és pandémiás potenciálja – Hét hazai járványszezont felölelő tanulmány a calicivírus járványok epidemiológiájának molekuláris szintű megértéséhez. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Budapest, 2008. június 12.
- Reuter G**, Bíró H, Egyed L, Kiss I, Pankovics P, Szűcs Gy: Genetic drift and pandemic potential of genotype GII4 norovirus strain in humans in seven consecutive epidemic seasons and the first detection of caliciviruses in animals (swine and cattle) in

- Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2008. évi Nagygyűlése, Keszthely, 2008. október 15-17.
- Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G**: Molecular detection and epidemiology of type A and B respiratory syncytial viruses in childhood respiratory infections. Magyar Mikrobiológiai Társaság 2008. évi Nagygyűlése, Keszthely, 2008. október 15-17.
- Székely Gyöngyi, Szabó Hajnalka, Gyurkovits Kálmán, **Reuter Gábor**: Humán metapneumovírus (hMPV) gyermekkori légúti fertőzésben. A Magyar Gyermekorvosok Társasága és a Magyar Tüdőgyógyász Társaság Gyermek-tüdőgyógyász Szekciójának Tudományos Ülése, Budapest, 2008. november 6-8.
- Schäffer K, Szűcs M, **Reuter G**: Járványügyi epidemiológia a XXI. században. A molekuláris epidemiológia „határok nélküli” szerepe a kórokozók nyomon követésében és a megelőzésben. Magyar Epidemiológiai Kongresszus, Pécs, 2008. november 28-29. (*felkért előadás*) (előadó: **Reuter G**)
- Reuter G**: Burok nélküli, egyszálú, pozitív RNA genomú vírusok világa: a molekuláktól az epidemiológiáig. Semmelweis Egyetem, Orvosi Mikrobiológiai Intézet, Budapest, 2009. április 27. (*felkért előadás*)
- Dencs Á, Hettmann A, Rusvai E, Szomor K, **Reuter G**, Szűcs M, Kugler Z, Kátai A, Takács M. Hemodializált betegek hepatitis C vírusainak molekuláris járványügyi vizsgálata a genom különböző régióinak segítségével. OEK Virologiai Nap, Budapest 2009. április 21.
- Pankovics P, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G**: A légúti óriássejtes vírus A és B típusának molekuláris epidemiológiája gyermekkori légúti fertőzésekben. Magyar Gyermekorvosok Társasága 53. Nagygyűlése, Eger, 2009. június 18-20.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Pankovics P.: Kobuvírusok a picornavírusok családjában: lépések egy ismeretlen területen. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Budapest, 2009. június 4.
- Reuter G**: Virális gastroenteritisek – A calicivírusok molekuláris epidemiológiája. Tolna megyei Önkormányzat Balassa János Kórháza, Tudományos Fóruma, Szekszárd, 2009. szeptember 9. (*felkért előadás*)
- Reuter G**: A XXI. század első influenza pandémiája – Az új típusú influenza A(H1N1)v vírus kialakulása és legfontosabb tulajdonságai. Tolna megyei Önkormányzat Balassa János Kórháza, Tudományos Fóruma, Szekszárd, 2009. szeptember 9. (*felkért előadás*)
- Forgách P, **Reuter G**, Lussy H, Nowotny N, Bakonyi T.: Phylogenetic analysis of partial and complete genome sequences of Hungarian hepatitis E strains with animal origin. 8th International Congress of the European Society for Veterinary Virology, Budapest, Hungary, 2009.
- Reuter G**: Mit kell tudni a virális gastroenteritisekről? 50. jubileumi Somogyi Orvos- és Egészségügyi Napok, Siófok, 2009. október 9-10. (*felkért előadás*)
- Reuter G**: A XXI. század első influenza pandémiája – Tények és tanulságok a virológus szemszögéből, Pécsi Akadémiai Bizottság (PAB), Pécs, 2010. május 25. (*felkért előadás*)
- Reuter G**, Új M, Pankovics P, Boros Á.: A humán parechovírusok klinikai jelentősége és első hazai azonosítása. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Budapest, 2010. június 10.
- Reuter G**: Enterális fertőzések – Virális gastroenteritisek. Kaposvár, 2010. szeptember 8. (*felkért előadás*)

- Reuter G**, Új M, Pankovics P, Boros Á. A humán parechovírusok klinikai jelentősége és első hazai azonosítása. Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Debrecen, 2010. szeptember 30. - október 2. (*szekció elnökség*)
- Reuter G**. Vírusok és az evolúció. Balassa-nap, Szekszárd, 2010. október 9. (*felkért előadás*)
- Pankovics P, Kugler Z, Káta A, **Reuter G**: First gastroenteritis outbreak caused by sapovirus (GI2) in Hungary – part of an international epidemic? Magyar Mikrobiológiai Társaság, Keszthely, 2010. október 12-15.
- Reuter G**, Boldizsár Á, Boros Á, Pankovics P. Detection and characterization of kobuviruses (in family *Picornaviridae*) in novel host species. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Keszthely, 2010. október 12-15. (*felkért, plenáris előadás*) (*szekció elnökség*)
- Reuter G**. Vírusok bennünk és körülöttünk... Aktualitások a kórházi infektológiába c. tanfolyam. Dombóvár, 2011. február 23. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Referencia tevékenység, hazai hálózati kapcsolatok, nemzetközi kötelezettségek. Hazai nemzeti referencia laboratóriumok első találkozója. Budapest, 2011. február 24. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Új enterális vírusok állatokban – sertés kobuvírus. Köves-napok. Budapest, 2011. május 5-6. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Do we know enough about viruses? Novel enteric RNA viruses and their hosts. Seminar at Blood Systems Research Institute, San Francisco, California, USA, 2011. május 31. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Gastroenterális vírusfertőzések diagnosztikája. A klinikai mikrobiológia molekuláris és hagyományos vizsgáló módszerei akkreditált kötelező szinten tartó tanfolyam, Debrecen, Hungary, 2011. szeptember 16. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Vírusok és az evolúció. 70. Patológus Kongresszus. Siófok, 2011. szeptember 30. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Virális fertőzések a szülés körül – virológia a szülészetben. Pécsi Tudományegyetem, Klinikai Központ, Szülészeti és Nőgyógyászati Klinika, Pécs, 2011. november 2. (*felkért előadás*)
- Knowles NJ, Boros Á, Pankovics P, Wadsworth J, **Reuter G**. Typing of bovine, ovine and porcine enteroviruses based on VP1 sequence data: designation of new types. EUROPIC St Raphael, France, 2012. június 3-7.
- Knowles NJ, Delwart E, Gorbalenya AE, Hovi T, Hyypia T, King AMQ, Lindberg AM, Pallansch MA, Palmenberg AC, **Reuter G**, Simmonds P, Skern T, Stanway G, Yamashita T, Zell R. *Picornaviridae*: the 9th ICTV report and beyond. EUROPIC St Raphael, France, 2012. június 3-7.
- Reuter G**. Vírusok és az evolúció (Amiről Darwin még nem tudott...). Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Mikrobiológiai Szekciójának Tudományos Ülése. Budapest, 2012. március 8. (*felkért előadás*) (*szekció elnökség*)
- Pankovics P, Boros Á, Szabó H, Székely Gy, Gyurkovits K, **Reuter G**. Humán enterovírus 109 (EV109) első európai kimutatása heveny gyermekkori légúti fertőzésből. Fiatal Infektológusok Pályázatának Előadása, Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság, Budapest, 2012. június 7.
- Kassa Cs, Kolozsi T, Benyó G, Kállay K, Stréhn A, Sinkó J, Pankovics P, Mihály I, **Reuter G**, Kriván G. Adenovírus infekciók csökkent immunitású gyermekekben – diagnosztikus és terápiás lehetőségeink. Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság 40. Kongresszusa, Budapest, 2012. szeptember 20-22.
- Boros Á, Pankovics P, Nemes C, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Porcine enteroviruses: recent findings of a long time ignored picornavirus group. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Keszthely, 2012. október 25-28.

- Pankovics P, Boros Á, **Reuter G**. Novel picornavirus in domesticated common quail (*Coturnix coturnix*) in Hungary. Magyar Mikrobiológiai Társaság, Keszthely, 2012. október 25-28.
- Reuter G**. A calicivírus járványok sajátosságai, előfordulása egészségügyi és szociális intézményekben. Tolna Megyei Balassa János Kórház. Szakdolgozói akkreditált továbbképzés. Szekszárd, 2012. november 14.
- Reuter G**. Viroszféra – a vírusok világa. Eleget tudunk-e a vírusokról? Pécsi Tudományegyetem, Orvostudományi és Egészségtudományi Szakosztályának Ülése, Pécs, 2012. december 3. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Referencia tevékenység, hazai hálózati kapcsolatok, nemzetközi kötelezettségek. Hazai nemzeti referencia laboratóriumok második találkozója. Budapest, 2013. március 5. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Viroszféra – a vírusok világa. Eleget tudunk-e a vírusokról? Kaposi Mór Oktató Kórház, Kaposvár, 2013. április 11. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Virális metagenomika. Szegedi OMICS Napok 1.0. Szeged, 2013. április 18-19. (*felkért előadás*)
- Reuter G**. Viroszféra – a vírusok világa. Eleget tudunk-e a vírusokról? OEK Virologiai Nap, 2013. április 23. (*felkért előadás*)
- Boros Á, Pankovics P, Nemes C, Kapusinszky B, Delwart E, **Reuter G**. Novel genera of avian-origin picornaviruses („Gallivirus” and „Avisivirus”) and their unexpected genome features: small steps towards to understand the complexity of the picornavirus genome structure and diversity. Magyar Mikrobiológiai Társaság, 4th Central European Forum for Microbiology, Keszthely, 2013. október 16-18. (*plenáris előadás*)
- Horváth K; Pankovics P; Kálmán E; **Reuter G**. A Merkel-sejtes polyomavírus, mint a Merkel-sejtes carcinoma valószínű kóroka – kliniko-pathológiai és virológiai vizsgálataink tapasztalatai. Magyar Onkológusok Társasága XXX. Kongresszus, Pécs, 2013. november 14-16.
- Reuter G**. Viroszféra a vírusok világa – eleget tudunk-e a vírusokról. Új, burok nélküli, pozitív egyszálú RNS genomú vírusok és gazdafajaik. Bolyai Ösztöndíjasok Előadása, MTA Pécsi Területi Bizottság, Pécs, 2013. november 28. (*felkért előadás*)
- Boros Á, Pankovics P, **Reuter G**. Avian picornaviruses: detection, characterization and comparative genome analysis. EUROPIC 18th, Blankenberge, Belgium, 2014. március 9-14.
- Knowles NJ, Delwart E, Gorbalenya AE, Hovi T, Hyypiä T, King AMQ, Lindberg AM, Pallansch MA, Palmenberg AC, **Reuter G**, Simmonds P, Skern T, Stanway G, Yamashita T, Zell R. *Picornaviridae*: 26 genera, 46 species and growing. EUROPIC 18th, Blankenberge, Belgium, 2014. március 9-14.
- Független idéző: 3 Függő idéző: 1 Összesen: 4**
1. Jiang P, Liu Y, Ma H-C, Aniko VP, Wimmer E. Picornavirus morphogenesis. Microbiology and Molecular Biology Reviews 78(3):418-437. (2014)
 2. Kolehmainen P. Epidemiology and clinical associations of human parechovirus and Ljungan virus. Doktori tézis. University of Helsinki, 2014; ISBN:978-951-51-0255-3 <http://hdl.handle.net/10138/136473>
 3. Wiley CA, Bhardwaj N, Ross TM, Bissel SJ. Emerging Infections of CNS: Avian Influenza A Virus, Rift Valley Fever Virus and Human Parechovirus. BRAIN PATHOLOGY 25: (5) pp. 634-650. (2015)
- Pantó L, Gonzalez G, Yamane S, **Reuter R**, Pankovics P, Harrach B, Wadell G, Aoki K, Koyanagi KO, Watanabe H. New subtypes of human adenovirus 8 from Europe. 11th International Adenovirus Meeting, San Diego, USA, July 16-20, 2014.
- Kövér A, Török K, Tárnok A, Boros Á, **Reuter G**, Nyul Z. Tamponád, mint melléklet. Fiatal Gyermekgyógyászok XIII. Konferenciája, Várgesztes, 2014. szeptember 19-21.

- Reuter G.** Virális gastroenteritisek. Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság 42. Kongresszusa, Miskolctapolca, 2014. október 2-4. (*felkért, vitaindító előadás*) (*szekció elnökség*)
- Reuter G.** HIV/AIDS testközelből: virológia, epidemiológia, laboratóriumi diagnosztika. Pécsi Tudományegyetem, Pécs, október 17. (*felkért előadás*)
- Reuter G.** A virológia aktuális kérdései. Továbbképző kurzus. Pécsi Tudományegyetem, Pécs, 2014. november 13. (*felkért előadás*)
- Reuter G.** Virális gastroenteritisek. Továbbképző kurzus. Pécsi Tudományegyetem, Pécs, 2015. január 27. (*felkért előadás*)
- Reuter G.** Hemorrhágiás lázat okozó vírusok: biológiai és patogenezis. Magyar Infektológiai és Klinikai Mikrobiológiai Társaság 43. Kongresszusa, Nyíregyháza, 2015. szeptember 24-26. (*felkért, vitaindító előadás*) (*szekció elnökség*)
- Reuter G.** Viroszféra a vírusok világa – eleget tudunk-e a vírusokról? Pécsi Regionális Véréllátó Szolgálat, Pécs, 2015. október 20. (*felkért előadás*)
- Reuter G.** Viroszféra a vírusok világa – eleget tudunk-e a vírusokról? Infekció, Infekciókontroll. Trópusi betegségek. Migráció. PTE ÁOK/2015.II/00127 tanfolyam, 2015. november 12. (*felkért előadás*)

Pécs, 2015. december 9.



Dr. Reuter Gábor

A SZAKMAI TEVÉKENYSÉG TUDOMÁNYÁGA

Orvostudományok –/– Elméleti orvostudományok (–/– Mikrobiológia –/– Viroológia)

VEZETŐI ELKÉPZELÉSEK (KONCEPCIÓ, TERVEK)

MOTIVÁCIÓ

A pályázat összeállítását a mikrobiológiáért, ezen belül az orvosi mikrobiológiáért érzett aggodalom és felelősség vezérli. Az intézetvezetői pozíció nem lehet cél, csak eszköz a feladatok megoldására. A pályázó szeretné, ha a mikrobiológia – ez a rendkívül összetett (bakteriológia, virológia, parazitológia, mikológia, prion), szerteágazó (prokaryota, növény, állat, ember, bioszféra stb.), egyben az orvostudomány minden területét érintő és befolyásoló diszciplína - betölthetné az őt megillető helyét a medicinában. Hogy a mikrobiológus szakemberek személyes és szakmai összefogásával, legjobb hagyományaival, ugyanakkor a kor színvonalának megfelelő ismeret, eszközpark és módszerskálával lehessen az oktatás-betegellátás-kutatás egységét szolgálni. Sajnos, jelenleg hazánkban az elvárható képzettségű (elsősorban orvosi alapdiplomával rendelkező) mikrobiológus szakemberek száma és korösszetétele sem megfelelő, lemaradásunk a korszerű orvosi mikrobiológiai diagnosztika területén a világ élvonalához képest jelentős és egyre növekszik. Sokszor már a világszínvonal (és az attól való távolság) sem kerül felismerésre, megfogalmazásra. Még nagyobb probléma, hogy a jelenleg elérhető, egyébként rendelkezésre álló személyi és tárgyi eszközök és erőforrások sincsenek megfelelően kihasználva, koordinálva, azaz a lehetőségeinkhez képest is elmaradás tapasztalható.

A pályázó úgy érzi, hogy bírja a szakmai társadalom, ezen belül a hazai vezető és rangidős mikrobiológus kollégák bizalmát és támogatását. Az Ő megértésük és főleg biztatásuk ad erőt és hitet ahhoz, hogy e nagy felelősséget, sokrétű szakmai és személyes kvalitásokat igénylő feladatra vállalkozhassak. Szeretném a Tőlük is megszerzett ismereteimet és szemléletemet tovább adni. Szeretném a fiatalokat a mikrobiológia számára megnyerni, a tehetséges hallgatókat kiemelni, támogatni és lehetőséget adni a számukra, hogy mint a jövő nemzedéke az elődeiknél jobbak lehessenek, és hogy a megszerzett tudásukat elsősorban itthon kamatoztathassák. Szeretném az eddigi csapatmunkámat tovább építeni és immár egy kibővített csapatban dolgozni, ahol a közösen átgondolt, megfogalmazott és egyeztetett célok elérése érdekében, jó egyéni kvalitásokra és ötletekre támaszkodva a mikrobiológiáért dolgozni és a feladatokra koncentrálni egy irányban előre haladni.

A pályázatnak van családi eredetű, személyes motivációja is. Dédnagyapám, Dr. Reuter Camillo, a pozsonyi Erzsébet, majd a Pécsre menekülő Tudományegyetem – az utókor által is elismert - első ideggyógyász professzora volt. Ez a családi örökség külön kötelezi az embert, és még szigorúbb követelményeket ír elő a pályázónak.

HELYZETÉRTÉKELÉS

Az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet (korábban, 1951-1995, Mikrobiológiai Intézet) vezetőit tekintve nagy elődökkel (Rauss Károly, Kétyi Iván, Emődy Levente, Szekeres Júlia, Pál Tibor, majd ismét Szekeres Júlia) és megőrzendő hagyományokkal rendelkező egyetemi Intézet. Tevékenysége az oktatás-kutatás-betegellátás (utóbbi a klinikai mikrobiológia) klasszikus egyetemi hármasa köré szerveződik. Szerencsés ötvözetnek tekinthető, hogy az Intézetben egyszerre vannak jelen, egymással kölcsönhatásban, az elméleti mikrobiológia és klinikai mikrobiológiai laboratóriumi diagnosztika (klinikai mikrobiológia) alapjai. Bár az Intézet több területen is (pl.: bakteriológia, terhességi immunológia) jelentős, nemzetközi szinten is jegyzett tevékenységgel jellemezhető, fejlődése nem egyenes vonalú, nem a klasszikus mikrobiológiai intézetek szokványos fejlődését követte és így a jelenlegi profilja eltér a hasonló társintézetekétől. Ezért helyzetének értékelésekor az Intézeten túli, környezeti beágyazottságot is számba kell venni. Nem hagyható ugyanis figyelmen kívül az, hogy az egyes mikrobiológiai tevékenységek, szakemberek az Egyetemen (illetve az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézeten) belül vagy az Egyetem szervezeti keretein kívül érhetőek-e el az Egyetem számára. A klasszikus mikrobiológiai területek közül egyedül a bakteriológia van jelen folyamatosan az Intézet falain belül, az alapítás óta. A helyi fejlődési sajátosságoknak köszönhetően a virológia és a parazitológia – bár az Intézetből indultak és szorosan, számtalan szállal, szervesen kötődtek az elmúlt évtizedekben, és kötődnek ma is az Egyetemhez - Pécs város egy más társintézetében kaptak helyett és indultak fejlődésnek (a mikológia diagnosztika egyes részei pedig csak a megyén kívül érhetőek el). Érdekességgént az is hozzáteendő, hogy egyes, szelektált mikrobiológiai vizsgálatok az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézeten (és közvetlen mikrobiológus látókörén) kívül, az Egyetem más Intézeteiben érhetőek el. Az Intézeten belül folytatott mikrobiológiai diagnosztikai tevékenységi körök sem egyforma erősségűek. A klasszikus bakteriológiai vizsgálatoknak például nagy hagyományai vannak, de a modern, műszeres/nagyműszeres, elsősorban molekuláris (fehérje és nukleinsav alapú) módszerek (pl.: MALDI-TOF, PCR, real-time PCR, mikrobiális genom szekvenálás, új generációs szekvenálási és metagenomikai módszerek stb.) nem vagy csak korlátozott mértékben érhetőek el a klinikum és a kutatás számára. Ez utóbbi területen még a hazai társintézetekhez képest is jelentős lemaradás tapasztalható. Sajnos a mikrobiológiai diagnosztikai tevékenységek (különösen a klinikai bakteriológia) elhelyezési körülményei sem megfelelőek, szemmel láthatóan a helységek régen estek át felújításon, a

falak leázásosak és vakolathiányosak, a járófelületek elhasználódottak, azaz az előírásokban lefektetett alapelvek, a pormentes laboratóriumi körülmények jelenleg nem biztosítottak. Ugyanitt a laboratóriumi bútorok is korszerűtlenek, nem felelnek meg a biztonsági és ergonómiai előírásoknak. A sajátos Intézeti fejlődés és a viszonylag szűk körű mikrobiológiai tevékenység hatásai a kutatásban és az oktatásban (graduális és posztgraduális) is fellelhetők. A mikrobiológiai kutatások - a fentiekből következően - a bakteriológia területére terjedtek, illetve terjednek ki. A Rauss Károly, Kétyi Iván, Emödy Levente, Pál Tibor és munkatársaik által fémjelzett kutatási eredmények nemzetközi jelentőségűek. Sajnos azonban a mikrobiológus utánpótlás, a fiatal és középkorú, potens szakemberek hiányoznak az Intézetből, illetve a felneveltek is részben külföldre távoztak. A kutatói kapcsolatok a lehetőségekhez képest kisebbek és tapasztalataim szerint tovább szűkülnek. A graduális képzésben a mikrobiológiai oktatás kiegyensúlyozatlan, arányai és szemlélete korszerűsítést, frissítést igényel. Előfordul, hogy 6-8 évvel ezelőtti jelentős orvosi mikrobiológiai felfedezések még nem szerepelnek a tananyagban, illetve, hogy nem minden tananyagrészt átadására biztosított olyan személy, aki az adott témát a gyakorlatban műveli is. A képzési anyag hangsúlyai nincsenek mindig a megfelelő helyen. Például hosszú időn keresztül a HIV/AIDS kérdésre (amelyik az egyik legfontosabb pandémiás fertőző betegség jelenleg a világon) összesen csak 22,5 perc jutott az egyetemi képzésben. A magyar, az angol és a német oktatás anyaga nem minden esetben egybevágó. Figyelembe kell venni azt is, hogy Emödy Levente professzor úr elmúlt 70 éves és a „Bakteriális fertőzések molekuláris pathogenezeise” (A-141/1993) című Doktori Program (Elméleti Orvostudományok Doktori Iskola, D95) a vezetésével lezárult (jelenleg Kerényi Mónika egyetemi docens vette át a munkát). Az orvosi mikrobiológia és a fertőző betegségek területén az Egyetem Ph.D. képzése erősítést igényel.

VEZETŐI PROGRAM

Ma a mikrobiológia, de annak részeként, az orvosi mikrobiológia önmagában is, egy igen széles területet felölelő, kiterjedt, összetett és szerteágazó diszciplína. Az élő(!), folyamatosan változó(!) (kórokozó, opportunisták, szimbióta stb.) mikrobák (baktériumok, vírusok, paraziták, gombák, prionok) összetétele, felépítése, pathogenezeise, klinikuma, laboratóriumi diagnosztikája, antimikrobás kezelése és megelőzési lehetőségeivel kapcsolatos kérdések képezik a tudományág alapját. Ráadásul, a széklettranszplantáció(!) korában, még nem beszéltünk a mikrobák komplex beágyazottságáról, a környezetről, a hálózatos világunk

(a bioszféra) kapcsolatairól (lásd a „One Health” koncepciót, mint az ember, az állat és a környezet-egészségügy egységes szemléletét) és ezek folyamatosan változó és befolyásoló hatásairól. Ezek napjaink mikrobiológiai kutatásainak (pl. metagenomika) középpontjába kerültek az új nagy áteresztőképességű molekuláris eszközök és módszerek, valamint a bioinformatika megjelenésével és igen gyors fejlődésével. E kutatások eredményei új megvilágításba helyezik az emberi egészséggel és betegséggel kapcsolatos ismereteinket és kérdéseinket is. Lehet-e elmenni a mellett, hogy az ember genetikai állományának 8%-a retrovirális eredetű, 40% mikrobiális sajátosságokat mutat, hogy az emberi testnek csak 25%-a épül fel humán sejtekből a többi ezerféle baktériumból és mikrobából (= humán mikrobiom) áll? Hogy az egészséges emberi test számszerűleg 10X több baktériumot és 50X több vírust tartalmaz, mint humán sejtet és hogy 1 humán génre 100 bakteriális gén jut a szervezetben? De csak az ismert humán kórokozó (azaz emberi betegséget okozó) mikrobák száma meghaladja az 1400-at (számuk gyorsan emelkedik), amelyeket potenciálisan fel lehetne, kell(ene) klinikailag ismerni és mikrobiológiai laboratóriumi módszerekkel igazolni. A mikrobiológia egyik nagyszerűsége viszont éppen az, hogy a humán kórokozók száma gyakorlatilag elhanyagolható a bioszféra és benne az ember mikrobáinak (humán mikrobiom) sokfélesége és száma mellett. Egyre több az adat és a bizonyíték a mikrobák megkerülhetetlen szerepéről az élőlények evolúciójában és a földi élet kialakulásában is. A mikrobiológia radikálisan megváltozott az elmúlt 20 évben. Ma már önmagában az egyes mikrobiológiai részterületek is nem egy, de számos szakember együttműködését, csapatmunkáját igénylik, helyben, országos, illetve nemzetközi szinten egyaránt. Jómagam úgy gondolom, hogy ma már önbecsapással ér fel az, ha az orvosi mikrobiológia szakvizsga birtokában valaki mikrobiológusnak tekinti magát, de „kapaszkodnia kell” akkor is, ha „csak” szerényebben és alázatosabban bakteriológusként, virológusként, mikológusként vagy parazitológusként szeretne szakmailag a mai kor színvonalának megfelelő szinten elmélyedni a munkájában, hogy használjon, és ne ártson a tevékenysége az oktatás, a kutatás vagy a betegellátás területén. Jól jellemzik a helyzetet, hogy ma már sok egyetemen az egységes „mikrobiológiai intézet” helyett szervezetileg önálló virológiai (pl.: ViroScience), bakteriológiai, parazitológiai, mikológiai és klinikai mikrobiológiai diagnosztikai intézeteket állítanak föl. Hosszabb távon helyben is célszerű lenne számolni ezzel a fejlődési iránnyal.

Mivel maga a diszciplína is összetett és a helyi mikrobiológiai lehetőségek és ezek elérhetőségei is összetettek, ezért a vezetői program legfontosabb elemeinek a nyitást, a nyitottságot és az együttműködést tartom. Nyitást a mikrobiológia mind több területe felé, másrészt nyitást minél több mikrobiológus szakember fele egyetemi, városi, országos és

nemzetközi szinten egyaránt. Össze kell gyűjteni, együtt kell működni (akár hálózatos formában) és fel kell nevelni új szakembereket már a diszciplína méreteinél fogva is azért, hogy az oktatás, a kutatás és a betegellátás területein vállalhatóan megfelelhessünk a kor kihívásainak, és hogy a világ ne menjen el mellettünk, de legalább ne szakadjunk nagyon le. Ennek része a nyitottság, a realitáson, arányokon és a bizonyítékokon alapuló mikrobiológiai szemlélet terjesztése és megértetése a szélesebb közönség, a hallgatók, a klinikusok és az Egyetem vezetősége fele is.

Mi szükséges ahhoz, hogy egy korszerű egyetemi mikrobiológiai intézetről beszélhessünk a XXI. században?

1. A legfontosabb az emberi erőforrás: az elhivatott, lelkes, szakmai tudással felvértezett (mikrobiológus) **szakemberek** elegendő számban és minőségben. Nagyon fontos, hogy minden munkatárs lehetőleg a képzettségének és a személyiségének megfelelő munkaterületen dolgozhasson és bontakozhasson ki. Ezért először is fontos felmérni egyénileg, hogy ki miben tudja a legkiválóbb teljesítményt nyújtani, ki milyen feladatkör(ök)ben érzi magát a legjobban, legbiztosabban (oktatás vagy kutatás vagy betegellátás, illetve adott esetben egyszerre több területen), mi érdekli, ki mekkora terhelést tud és akar vállalni (önismeret/értékelés). Egyénileg fel kell mérni azt is, hogy a munkatársaknak milyen céljaik vannak. A megfogalmazott és a kitűzött célok eléréséhez milyen körülményekre, eszközökre, segítségre, bátorításra, inspirálásra van szükségük. Elengedhetetlen az új, fiatal, lelkes szakemberek kiválasztása és felnevelése, a külföldre távozottak visszahívása, lehetőség szerinti visszafogadása, és adott esetben külföldi szakemberek meghívása. Az egyéni tulajdonságok ismeretében, a bizalom légkörében, a komplementer kompetenciákra építve lehet csapatot építeni, mely hasonlít a szimfonikus zenekar felépítéséhez. Azt gondolom ahhoz, hogy versenyképes teljesítmények szülessenek a XXI. század elején a kooperáció, a kölcsönös segítségen alapuló szemlélet nélkülözhetetlen és elengedhetetlen. A legkárosabbnak tartható az, ha az egyéni érvényesülés szándékosan mások rovására történik.

2. A mikrobiológiai tevékenységeket (oktatás-kutatás-betegellátás) jelentősen befolyásoló, de intézeti kereten túl mutató másik szempont, hogy szakmailag megalapozott, világos (mikrobiológiai) célok és az új iránt nyitott, korszerű mikrobiológiai **szemlélet** kialakítására van szükség. Szakmai alapokra kell helyezni minden tevékenységet, így ennek kell érvényt szerezni a tervezés, a megvalósítás és az értékelés fázisaiban is. Kiterjedt kapcsolatok együttműködések kialakítása és ápolása szükséges a szakmabeliekkel és a társszaktárakkal képviselőivel, beleértve a személyes és az on-line kapcsolatokat is. Ezek biztosítják, hogy a

modern klinikai mikrobiológia központi elemének, a konzultációs tevékenységnek meg lehessen felelni. Szakmai kompetenciák és konzultáció nélkül a mikrobiológiai laboratóriumi tevékenység nem sokat ér, sőt amellet, hogy nagyon drága, a betegekre nézve veszélyes is lehet. A mikrobiológia önálló tudományág, egyedi szemléletekkel, módszerekkel, szakmai szabályokkal és tiszteletben tartandó elvekkel. Hogy még érthetőbben fogalmazzak, a mikrobiológiai diagnosztika nem egyenlő egy adott vizsgálat elvégzésével. Törekedni kell arra, hogy az orvosi mikrobiológiai laboratóriumi tevékenység csak mikrobiológus szakember javaslatainak figyelembe vételével és munkájának segítségével történhessen. Fontos kiemelni, hogy a laboratóriumi eredmények interpretálását csak orvos mikrobiológus végezheti. Szélesebb értelemben is üdvöztető lenne, ha mikrobiológiai, illetve a mikrobiológiát bármilyen formában érintő kérdésekben minden esetben meghallgatnák és figyelembe vennék a mikrobiológusok álláspontját (ettől nem kell félni, az igazi, szakmabéli mikrobiológus egyébként is szerény és takarékos). Az orvosi mikrobiológiai számtalan jelentős, régebben vagy újonnan felmerülő kihívás előtt áll a diagnosztika, a terápia, az infekciókontroll és a megelőzés területén. A nozokómiális és a (re)emerging fertőzéseket, az antibiotikum rezisztencia növekedését és a multidrug rezisztens baktériumok megjelenését – csak hogy néhányat felsoroljak - nem mikrobiológusok okozták. Itt lenne az ideje a szemléletváltásra és jó volna, ha a szemléletformálásban a mikrobiológusok szerepet kaphatnának.

3. Megfelelő laboratóriumi **eszközpark** spektrum, amelyekhez folyamatosan biztosított a reagens és anyagellátás. Megfelelő **laboratóriumi környezet** biztosítása.

4. A tevékenységet **támogató** – helyi és szélesebb - **környezet**.

Oktatási feladatok

Az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézetnek fontos feladatokat kell ellátnia a graduális és a posztgraduális képzésben. A magyar, az angol és a német nyelvű orvoscépzés mellett, a fogorvos, a gyógyszerész és a dietetikus képzésben is helyt kell állnia, továbbá fontos feladatai vannak a középszintű/felsőszintű egészségügyi (analitikus, mikrobiológiai laboratóriumi szakasszisztencia utánpótlás elméleti és gyakorlati) szakképzésben is. Ha lehet különbséget tenni, akkor az oktatás az oktatás-kutatás-betegellátás hármásának legfontosabb eleme. Itt dől el, hogy lesznek-e olyan megfelelően képzett szakemberek, akik majd az oktatást, a kutatást vagy a betegellátást el tudják látni a jövőben. Az oktatás célja a korszerű, használható mikrobiológiai ismeretek átadása és a jövő szakember generációjának kiválasztása, felkészítése.

Az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézetben a graduális oktatás (előadások és gyakorlatok) mennyisége, időkeretei megfelelőek, adott esetben kedvezőbbek, mint a hazai társ egyetemeken esetében. Ezt a tradíciót célszerű megtartani, hisz érzékelhető, hogy a Pécsi Tudományegyetemről kikerülő orvosok a mikrobiológia területén általában az átlaghoz képest jártasabbak. Ez azonban tovább jobbítandó, és jobbítható is az oktatás színvonalának és szervezetségének növelésével. Minimális elvárás minden oktatási feladatot felvállalótól (személytől és intézettől), hogy folyamatosan felülvizsgálja a tantárgy részeit, arányait, szemléletét, integrálja anyagába az új hazai és nemzetközi eredményeket, felfedezéseket. Ezeknek az oktatásban minden évben szigorúan tükröződnie kell, különösen egy olyan területen, mint a mikrobiológia, ahol naponta írnak le újabb kórokozókat és a már ismertek is folyamatosan változnak, ráadásul minden évben felbukkan valamilyen nemzetközi jelentőséggel bíró humán pathogén is.

Szükséges egy általános mikrobiológiai szemlélet kialakítása az oktatásban e mellett pedig a hangsúlyok kiemelése és azok szigorú számon kérése. Tovább kell erősíteni a klinikai mikrobiológiai szemléletet is a graduális képzésben. A mikrobák részletes leírása helyett – ahol lehet – törekedni kell a lényeg kiemelésére a klinikai szempontok hangsúlyozásával, hogy segítsük a klinikusok megelőző/betegellátó (felismerés, mintavétel, lelet értékelés, konzultáció, kezelés, megelőzés) tevékenységét és ennek következtében saját mikrobiológiai diagnosztikai munkánk eredményességét is. A szindróma-specifikus nézőponttal, az eset bemutatásokkal és az interaktív oktatási formákkal gyakrabban kellene élni az oktatásban. Különös figyelmet kell fordítani arra, hogy a külföldi anyanyelvű hallgatók hazájuk jellemző fertőző betegségeinek mikrobiológiájával is tisztában legyenek. Bizonyított, élvonalbeli hazai és nemzetközi szaktekintélyek vendégelőadói meghívása emelheti az oktatás színvonalát, példaképeket mutathat a hallgatóságnak és tágíthatja a világképet. Hangsúlyt kell helyezni a hallgatók motiválására is. A jó előadásokon és gyakorlatokon túl az arra érzékeny hallgatókat aktív formában is be kell vonni az Intézet szakmai életébe, és így meg lehet nyerni őket a mikrobiológia számára. Meghirdetésre kerülhetne az „Az év hallgatói mikrobiológiai ötlete” pályázata, ahol minden évben a legjobb, legszellemesebb kutatási ötletet, ha érdemes rá, anyagi támogatással megvalósíthatná az ötletadó.

Véleményem szerint ismét meg kell teremteni annak a feltételeit, hogy a mikrobiológia tantárgy esetében legalább a szigorlati számonkérés szóbeli formában történjen a graduális képzésben.

A TDK, a Ph.D. és a szakképzés szolgálja azt, hogy a graduális képzésből kikerülő, a mikrobiológia iránt érdeklődő és a szakma művelésére alkalmas személyekből a munkájuk

íránt elhivatott szakemberek válhassanak. Az oktatáson belül is a legfontosabb területeknek tekinthetők. Nem szabad sajnálni az erőfeszítést és a befektetést, igyekezni kell az erőforrásokat, és a kooperációkat erre a területre csoportosítani. Minden ígéretes és szorgalmas jelölt támogatást érdemel és egyben új reményt jelent a mikrobiológia számára. Ezért szükséges a TDK tevékenység, ezen belül az önálló gyakorlati és kooperációs tevékenységet is igénylő TDK munkák támogatása, valamint az Elméleti Orvostudományok Doktori Iskolán belül, az orvosi mikrobiológia/fertőző betegségek területén (például „Mikrobiológia és fertőző betegségek” néven) a Doktori Program megerősítése, szakmai programjának kiszélesítése.

Kutatási feladatok

A jelenlegi intézeti kutatási irányvonalak és tradíciók megtartandók és fejlesztendők, ugyanakkor a kutatási területek szélesítendők, és új mikrobiológiai kutatási vonalak indítása (például mikrobiális evolúció, diverzitás, az egyedi mikrobák kutatása mellett a mikrobiális közösségek vizsgálata stb.) is szükséges. Törekedni kell arra, hogy az (orvosi) mikrobiológia minden fő területén legyen szakember, illetve induljon kutatás. A bakteriológia mellett be kell kapcsolni a virológiai kutatásokat és a megfelelő körülmények megteremtése után célszerű lenne a parazitológiai és mikológia kutatások elindítása is. A kutatási potenciál növeléséhez egyrészt szükséges az előremutató egyetemi, városi, hazai és külföldi kapcsolatok (networking), együttműködések növelése (a mikrobiológia kiterjedtsége miatt szinte nincs olyan terület, amellyel ne lehetne együttműködést kialakítani, csak a kapacitások szabhatnak határt), másrészt, ha lehetséges, akkor a külföldön dolgozó szakembereinket is haza kell hívni. Nem elsősorban sok pénz, hanem sok szürkeállomány szükséges a jó kutatáshoz. Ugyanakkor olyan csapatépítésre van szükség, amely eredményeként az Intézet sikeresen indulhat majd a hazai, illetve nemzetközi kutatási pályázatokon, hozzájárulva a kutatások szakmai és pénzügyi háttéréhez, a szükséges eszközök beszerzéséhez. Célszerű lenne bevonni a „One Health” koncepció szemléletet a mikrobiológiai kutatásokba, azért, hogy a humán, állat és környezet mikrobiológia és fertőző betegségek összefüggései szélesebb látószögű szemüvegen át legyenek láthatók és vizsgálhatók. Ezért nyitás és együttműködés szükséges az állatorvosokkal, az állategészségügy és a környezet-egészségügy területén dolgozókkal is. A digitális világ már egy jó ideje a mikrobiológus alap eszköztárának a része! A mikrobiológiai kutatások már ma is nagy mennyiségű adat és információ feldolgozását és elemzését igénylik (ez a jövőben egyértelműen fokozódni fog!), így a bioinformatikai és információtechnológiai (IT) eszközök (pl.: szuperszámítógép stb.) és szakemberek bevonása is szükséges a munkába.

Törekedni kell arra, hogy az Intézet, az egyetemi vezetés támogatásával, részt vehessen hazai és nemzetközi konferenciák, szimpóziumok szervezésében és Pécsre hozatalában, a mikrobiológiai/fertőző betegségek témáiban. A terhességi immunológiai munkacsoport helyzete, kapcsolódása a mikrobiológiai kutatásokhoz konstruktív párbeszédet és mindenki számára elfogadható megoldást igényel.

Betegellátási feladatok, laboratóriumi diagnosztika (klinikai mikrobiológia)

Igen komplex, komoly szakértelmet igénylő feladat, közvetlen és szerves kapcsolatban van a klinikummal, így időben is folyamatos szakellátási tevékenységet követel. (A klinikai mikrobiológia társa a járványügyi mikrobiológia, mindkettő rá jellemző célokkal és módszerekkel rendelkezik.) A klinikai mikrobiológia célja a szakmailag megalapozott és indokolt klinikai mikrobiológiai vizsgálatok és terápiás javaslatok biztosítása a közvetlen betegellátás érdekében. Akkor dolgozik megfelelően, ha egy adott klinikai diagnózis, klinikai kérdés alátámasztására a megfelelő számú, minőségű és típusú vizsgálat(ok) végzi el. Ebből az is következik, hogy megfelelő klinikai mikrobiológiai diagnosztikai tevékenység a klinikussal való együttműködés (kölsönös KONZULTÁCIÓ) nélkül nem képzelhető el és az is, hogy számos, különböző módszernek és eszköznek kell rendelkezésre állni ahhoz, hogy a felmerült kérdésre - a módszerek közül választva – a legmegfelelőbb választ tudja adni a mikrobiológus.

Azért, hogy szakmailag megalapozott, de költség-hatékony legyen a munkavégzés, például a felesleges (netán értelmetlen) vizsgálatok száma minimálisra csökkenjen, a társszakmákkal való kapcsolat erősítése és a szakmai konzultáció elmélyítése szükséges. Az orvosi mikrobiológia elsődleges társszakmáinak tekinthető az infektológia/fertőző betegségek; a járványügyi szolgálat; a kórházi infekciókontrol; a közegészség-tan-járványtan; a gyermekgyógyászat; az üzem- és munkaegészségügy; a klinikai szakmák fertőzésekkel kapcsolatos területei és – talán elsőre meglepő -, de az állategészségügy is. A klinikai mikrobiológia esetén, a klinikum számára szükséges az intenzívebb szakmai segítségnyújtás és a konzultációra épített mikrobiológiai diagnosztika biztosítása. Hiszen csak jó kérdésre lehet jó választ adni! Ha másként nem megy, itt akár adminisztratív eszközöket is igénybe kell venni, hogy az előzetes konzultációra sor kerüljön (pl.: bizonyos vizsgálat nem kérhető – elektronikusan – ha nincs anamnézis/klinikai adat a betegről vagy nem történt meg a konzultáció). Erősítést igényel az egyetemi infekció kontrol és a járványügyi szemlélet is. A klinikai mikrobiológia érdeke (és kötelessége is) a jó szakmai kapcsolat ápolása a járványügyi

mikrobiológiai laboratóriumokkal és a járványügyi szolgálattal. Megfontolandó egy formális párbeszéd és mikrobiológiai diagnosztikai kapcsolat kialakítása az állategészségüggyel is.

Erősíteni és fejleszteni kell az Intézeti klinikai mikrobiológiai tevékenységet is. Át kell tekinteni a tevékenységeket, a vizsgálati palettát és prioritásokat kell megfogalmazni. A rendelkezésre álló anyagi források, eszközök, munkaerő és munkaidő ismeretében lehet megtervezni a jelenleg felvállalható tevékenységeket, illetve megtervezni az elérendő világos szakmai célokat. A tervezésben a szakmai elvek, a költség-hatékonyság és a jogszabályi környezet az iránymutató tényezők. Figyelembe kell venni a mikrobiológia sajátos fejlődését a városunkban. Törekedni kell arra, hogy a városban ma elérhető diagnosztikai területek összefogásra kerüljenek, hogy a párhuzamosságok csökkenjenek és a vizsgálatok a mikrobiológia minden területén (bakteriológia, virológia, parazitológia és mikológia) idővel - a feltételek megléte esetén - elérhetővé váljanak. Célszerű lenne (és a mikrobiológia fejlődése érdekében elkerülhetetlennek tartom) egy szakmai kerekasztal létrehozását, ahol minden a városban mikrobiológiában érintett fél (és mikrobiológus) a közös célok érdekében leülne egyeztetni és összehangolná a tevékenységét, és adott esetben szervezeti összekapcsolódásra is sor kerülhetne (lásd „Kiegészítések, javaslatok” rész). Természetesen az Egyetemen belüli, de az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet keretein kívüli mikrobiológiai diagnosztikai tevékenységek köre is bele tartozna a szakmai egyeztetésbe, az új szervezeti és működési keret kialakításába. A kérdéskör a finanszírozás kérdéseinek áttekintését is érinti: a megfogalmazott cél az lehetne, hogy kevesebből, jobb klinikai mikrobiológiai diagnosztika tevékenység legyen a klinikusok (és természetesen a betegek) számára elérhető.

Annak érdekében, hogy a felmerült klinikai kérdésekre mindig a legmegfelelőbbben lehessen válaszolni a klinikai mikrobiológiának és a mikrobiológusnak a módszerek széles választható skálájával kell rendelkeznie. Ebbe az is beletartozik, hogy a hagyományos, klasszikus módszerek megtartása, ismerete és alkalmazása mellett a korszerű mikrobiológiai laboratóriumi módszerek rendelkezésre állása is. A klasszikus módszerekben az Intézet nagyon erős, de hiányoznak a szükséges korszerű műszerek és berendezések. Az eszközök használatához való hozzáférés (műszerhasználat) vagy valamilyen formában a hozzájutás (megvásárlás) a klinikai mikrobiológiai diagnosztika további létének kulcskérdése. Egy egyetemi klinikai mikrobiológiai laboratórium nem működhet korszerű nukleinsav és fehérje azonosító (MALDI-TOF, PCR és real-time PCR, szekvenáló, új generációs szekvenáló-NGS stb.) eszközök és módszerek nélkül! Mindent meg kell tenni azért, hogy ezek – a ma már rutinszerűen alkalmazott - eszközök mielőbb a betegellátást szolgálhassák. Egyben fel kell készülni a klinikai mikrobiológia előtt álló – minden bizonnyal robbanásszerű - változásra,

melyet a nagy áteresztő képességű diagnosztikai módszerek, technikák és a nagy adatmennyiség feldolgozására alkalmas bioinformatikai eszközök kínálnak. Aki itt kimarad, az lemarad!

Gondot kell fordítani arra, hogy a klinikai mikrobiológiai tevékenység elemei megfelelő minőségbiztosítási rendszerben működjenek, illetve az egyes vizsgálatok folyamatos, külső megmérettetésben, összehasonlításban és értékelésben (körvizsgálat) is részt vegyenek.

Nem kerülhető meg az Intézet mikrobiológiai diagnosztikai laboratóriumainak és a helységek funkcióinak újrarendelése, bővítése, felújítása és korszerűsítése sem. Mielőbbi megoldást igényel a klinikai bakteriológiai vizsgálatokra használt helységek átgondolt korszerűsítése. Az sem biztos, hogy a felvázolt elérendő célok szempontjából minden igény kielégíthető a jelenlegi körülmények, adottságok között, ezért középtávon érdemes lenne átgondolt szakmai tervezéssel egy a kor színvonalának megfelelő mikrobiológiai diagnosztikai központban gondolkodni (könnyen elérhető fizikai kapcsolattal a klinikumhoz).

Megérett rá az idő és érdemes lenne megfontolni azt is, hogy a fenti, nagy műszer, jelentős szakmai és anyagi forrásokat igénylő molekuláris klinikai mikrobiológiai vizsgálatok centrumai regionális központokban, de legalább az orvosi karral működő egyetemek környezetében kerüljenek megszervezésre, kialakításra. Az egyes fertőző betegségek ellátásának klinikai decentralizálását (például krónikus virális hepatitisek, HIV stb.) követnie kellene a klinikai molekuláris mikrobiológiai vizsgálatok régiós megszervezésének is. Az e körbe tartozó vizsgálatok és ezek száma az utóbbi 5-8 évben véleményem szerint elérték azt a kritikus tömeget, amikor szükséges országos szinten megszervezni (decentralizálni) és kiépíteni az infrastruktúrát. Elsősorban a kezelés monitorizálását (hepatitis B vírus, hepatitis C vírus, HIV) igénylő fertőzések molekuláris klinikai mikrobiológiai vizsgálatait (nukleinsav kimutatás és kópiaszám meghatározás, például real-time PCR), valamint a baktérium identifikálás (MALDI-TOF) jelenthetné a centrumok szervezésének első lépését, magját. E köré lehetne szervezni régiós szinten a klinikai fontosságú kórokozók (vírus, baktérium, parazita, gomba) molekuláris klinikai mikrobiológiai diagnosztikai vizsgálatát (például: intrauterin és újszülöttkori (CMV, HSV stb.) fertőzések; a csecsemő és kisgyermekkorú súlyos fertőzések; az immunhiányos és immunszuppresszált betegek fertőzéseinek; transzplantált és haematológiai betegek fertőzéseinek stb. molekuláris klinikai mikrobiológiai diagnosztikája, monitorozása), illetve keretet adni további és az újabb fejlesztésű nagy értékű műszeres (pl.: NGS) vizsgálatoknak. Ezek jelenleg vagy egyáltalán nem elérhetők a betegellátás csúcsát jelentő Egyetemek(!) számára vagy csak *ad hoc*, vagy közvetett úton érhetők el az ország

távoli pontjain, vagy az országon kívül. A regionális centrumok lehetővé tennék a legfőbb cél a korszerű és gyors betegellátás biztosítását, de egyben a vizsgálatok költség-hatékony hozzájárását, az erőforrások (szakember, eszközök, műszerpark) racionális elosztását, működtetését. A centrumok kizárólag indokolt esetben, klinikussal való előzetes, közvetlen konzultációt követően, szakmai vagy jogszabályi előírás alapján végeznének vizsgálatokat. A centrumok egységes, egymással harmonizált protokollokkal, minőségbiztosítási rendszerrel dolgoznának az adatok összehasonlíthatósága és a költségcsökkentés érdekében. A pécsi regionális központ Baranya, Somogy és Tolna megyét láthatná el. A hálózat kialakítása természetesen a társegyetemek, az érintettek, valamint az ország egészségügyi vezetésének egyeztetését feltételezi és jogszabályi változtatásokat és a pénzügyi keret biztosítását, megosztását is igényli.

Kiegészítések, javaslatok

Az Orvosi Mikrobiológiai és Immuntástani Intézet és a mikrobiológia sajátos pécsi fejlődésére ismételten ki kell térni, az ezzel kapcsolatos kérdések a pályázati anyagom meghatározó elemei. Megoldást igényel a különböző mikrobiológiai tevékenységek összehangolása a városban és az Egyetemen. A tradíciókat és értékeket meg kell tartani, ugyanakkor előre, a jövő fele kell tekinteni. Túl kevés a mikrobiológus (és az anyagi forrás) ahhoz, hogy megengedhetjük magunknak azt a luxust, hogy ne támaszkodjunk egymásra, illetve hagyjuk magunkat megosztásra ítéltetni. Meggyőződésem, hogy mindenki sokat nyerne, ha a mikrobiológiai tevékenységek, a mikrobiológusok, a mikrobiológiával foglalkozó városi intézetek és intézmények egymáshoz közelebb kerülnének. Egészen biztos, hogy nyitott, szakmai szempontokat figyelembe vevő, konstruktív egyeztetéssel megtalálnánk a közös pontokat és a közös célokat, a minden fél számára megfelelő közös együttműködési formákat. Már csak azért is így van, mert nehezen tudom elképzelni, hogy a fentebb megfogalmazott célok egy részét meg lehetne a nélkül valósítani, hogy a jelenlegi munkahelyem laboratóriumával ne maradna fenn jó, napi munkakapcsolatom, és lemondhatnánk például az ott felhalmozott és rendelkezésre álló anyagokról, eszközökről, az aktuálisan futó kutatási pályázatokról, projektekről és szakemberekről. Szerencsés, mások számára is példa mutató konstellációnak és talán vissza nem térő lehetőségnek tartom a helyzetet, ha sikerülne a jelenleg munkát adó laboratóriumomat, a maga tradícióival és pozitívumaival (személyi, infrastruktúra és körülmény), valamilyen formában akár szervezetiileg is csatlakoztatni az Egyetem kereteihez, az Orvosi Mikrobiológiai és

Immunitástani Intézethez. Így az a számtalan kihasználatlan potenciálisan kölcsönös előnyt, amely ma is létezik, ki lehetne használni az oktatás, a kutatás és a betegellátás területén is.

Az Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet erősödő mikrobiológiai profiljának idővel az intézet nevében is érdemes lenne tükröződnie. Az esetleges új név kiválasztása – mint minden változtatás - az érintettekkel egyeztetve konszenzus alapján történhetne. Megfontolandó többek között a hagyományos név az Orvosi Mikrobiológiai Intézet mellett az „Orvosi és Klinikai Mikrobiológiai Intézet” vagy a „Orvosi Mikrobiológiai és Fertőző Betegségek Intézete” nevek is.

Külső pályázóként talán célszerű a személyes tulajdonságokra, a stílusra és a vezetői képességekkel kapcsolatos (nyilván szubjektív) személyes önértékelésre is kitérni. Munkámban nyitott, őszinte, párbeszédre törekvő munkahelyi környezet kialakítására, kölcsönösen előnyös együttműködésekre, céltudatos csapatmunka kialakítására törekszem. Csak annyi munkát szoktam elvállalni, amennyit tudom, hogy megfelelő színvonalon el tudok látni. Szeretem, ha a munkatársakkal együttműködve, érvek és ellenérvek ütköztetése mellett konstruktív párbeszéd során fogalmazódnak meg a közös, konszenzusos célok, az egyénre lebontott feladatok és a megvalósítás módjai és határideje. Motiválom minden munkatársamat és hallgatómat, hogy legyenek ötleteik elképzeléseik, azokat ne szégyelljék megosztani, megvitatni (brain storming), és a jó ötletekhez szerezzenek támogatókat, partnereket és igyekezzenek azokat mielőbb megvalósítani. Az építő kritika mellett minden rendelkezésemre álló eszközzel igyekszem az ilyen terveket támogatni. Nincs jobb, ha a kollégák örömmel, elkötelezetten és motiváltan végzik eredményes munkájukat. Az elhatározott célok megvalósulását folyamatosan igyekszem nyomon követni, jó értelemben ellenőrizni, illetve javaslatokat tenni a módosításra amennyiben szükséges. A legfontosabb mérce a jól elvégzett munka és a bizonyított teljesítmény. Bosszant a szervezetlenség, a pazarlás, az öncélúság, az őszinteség és a szakmai érvek hiánya, és ha valami a „józan ésszel” ellentétes.

Egy egyetemi intézetvezetői pozíció széles látókört igényel és vár el. Felelősséget jelent nem csak néhány munkatárs, hallgató, beteg jövője szempontjából, de országos és nemzetközi szinten is. Elvárás, hogy tevékeny, felelős részese legyen a szakmapolitikai kérdések és a válaszok kialakításában, a jogszabályi környezet jobbításában, az ország lakosságának egészségi állapotának javításában, az országot érintő kérdések megválaszolásában és meg kell állnia helyét az európai és a nemzetközi környezetben is. Minden jelenlegi és jövőbeni felkérés, tagság, tevékenység csak ebben a keretben értelmezhető.

Azt gondolom, hogy bárki is kap megbízást az Intézet vezetésére, az előtte álló elvégzendő feladatok száma nem kevés és méretei nem csekélyek. A megfogalmazott program megvalósítása nem megy egyik napról a másikra, hosszú évek nyugodt és kitartó építő munkája szükséges hozzá. Csak világos célokkal, szívós, őszinte szakmai munkával, az Intézet munkatársainak összefogással és a dékáni, egyetemi vezetés megértő támogatásával lehetséges az orvosi mikrobiológia felélesztése „Csipkerózsika” álmából, majd a talpra állítása és a felzárkóztatása is. És az is, hogy a Pécsi Tudományegyetem, Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézetre és hálózatára, mint a legjobb hazai mikrobiológiai szakmai műhelyre tekinthessenek itthon és külföldön egyaránt.

Pécs, 2015. december 9.



Dr. Reuter Gábor

NYILATKOZATOK

ÖSSZEFÉRHETETLENSÉGI NYILATKOZAT

és

VAGYONNYILATKOZAT

Alulírott, Reuter Gábor kijelentem, hogy a jelen nyilatkozat megtételekor nem áll fenn olyan további jogviszonyom és a nyilatkozat megtételét követően sem létesítek olyan munkavégzésre irányuló további jogviszonyt, amely a magasabb vezetői megbízásommal összeférhetetlen.

Tudomásul veszem, hogy a magasabb vezetői megbízásommal összeférhetetlennek minősül,

- amennyiben a közeli hozzátartozómmal (a közeli hozzátartozó meghatározása az Mt 139. § (2) bekezdése szerint megállapított) irányítási, felügyeleti, ellenőrzési vagy elszámolási kapcsolatba kerülnek;
- a munkáltatóéval azonos, vagy ahhoz hasonló tevékenységet is végző, illetve a munkáltatóval rendszeres gazdasági kapcsolatban álló más gazdasági társaságban vezető tisztségviselői, felügyelőbizottsági tagságot töltenék be.

Tudomásul veszem továbbá, hogy sem én, sem a közeli hozzátartozóm nem tölthet be olyan intézményi társaságban vezető tisztségviselői feladatokat, nem lehet tagja a felügyelő bizottságának, továbbá nem láthat el a társaságban könyvvizsgálói feladatot, amelyet a felsőoktatási intézmény hozott létre, illetve amelyben részesedéssel rendelkezik.

Tudomásul veszem, hogy a kizáró okok a megbízás teljes időtartamára vonatkoznak.

Kötelezettséget vállalok arra, hogy amennyiben bármely összeférhetlenségi ok felmerül, akár velem, akár közeli hozzátartozómmal szemben, úgy ennek tényét haladéktalanul bejelentem a munkáltatói jogkör gyakorlójának.

Vezetői megbízás esetén vagyonnyilatkozat-tételi kötelezettségemnek határidőben eleget teszek.

Pécs, 2015. december 9.

Tisztelettel,



Dr. Reuter Gábor

MEGISMERHETŐSÉGI NYILATKOZAT

FELHATALMAZÁS

Alulírott, Reuter Gábor hozzájárulok ahhoz, hogy a Pécsi Tudományegyetem, Általános Orvostudományi Kar, Orvosi Mikrobiológiai és Immunitástani Intézet intézetvezetői/intézetigazgatói állására benyújtott teljes pályázati anyagomat a vonatkozó jogszabályok, valamint az Egyetem szervezeti és működési szabályzata szerint erre illetékes testületek és személyek megismerjék, illetve abba betekintsenek.






Pécs, 2015. december 9.

Tisztelettel,



Dr. Reuter Gábor

ERKÖLCSI BIZONYÍTVÁNY

HATÓSÁGI ERKÖLCSI BIZONYÍTVÁNY	
KÖZIGAZGATÁSI ÉS ELEKTRONIKUS KÖZSZOLGÁLTATÁSOK KÖZPONTI HIVATALA	
	
IGAZOLOM, HOGY	
DR. REUTER GÁBOR KAMILLÓ Pécs II, 1973.10.09. anyja szül. neve: Varga Mária Ilona magyar állampolgár 7632 Pécs, Enyezd út 19.1.em.4.ajtó alatti lakos	
a büntügyi nyilvántartási rendszer adatai alapján	
BÜNTETLEN ELŐÉLETŰ NEM ÁLL KÖZÜGYEKTŐL ELTILTÁS HATÁLYA ALATT NEM ÁLL FOGLALKOZÁSTÓL VAGY TEVÉKENYSÉGTŐL ELTILTÁS HATÁLYA ALATT	
Budapest, 2015. november 30.	
	 Dr. Korom Rita főosztályvezető
<small>Érvényes a kiállításától számított 90 nappal. A hatósági erkölcsi bizonyítványt a személyazonosság igazolóját igazolásával használható fel. A hatósági erkölcsi bizonyítvány tartalmát az ellenkező bizonyításig mindenki köteles elfogadni. Jogszabályértelmezés iratkozással az érintett személy a bizonyítvány bírósági felülvizsgálatát kérheti a Fővárosi Közigazgatási és Munkügyi Bíróságtól. A kiállításától a bizonyítvány kézhezvételéig számított harminc napon belül a Közigazgatási és Elektronikus Közszolgáltatások Központi Hivatalának kell előterjeszteni vagy ajánlott küldeményként postára adni. A hatósági erkölcsi bizonyítvány kizárólag a kérelmező által a hatósági erkölcsi bizonyítvány kiadását megelőzően megjelölt és igazolni kívánt tények tisztázására szolgál.</small>	
ADATVEDELMI ZÁRADÉK	
<small>A hatósági erkölcsi bizonyítványban átadott személyes adatok az információ rendeltetés jogról és az információs szabadságról szóló 2011. évi CXII. törvény szerinti különleges (büntügyi személyes) adatokat is tartalmaznak, ezért a felhasználó szokatlan jogszabályon kívül az adatgyűjtés alapjául szolgáló eljárásban, a büntügyi nyilvántartási rendszerrel, az Európai Unió tagállamainak bírósága által magyar állampolgárokkal szemben hozott ítéletek nyilvántartásáról, valamint a büntügyi és rendészeti biometrikus adatok nyilvántartásáról szóló 2000. évi XLVII. törvényben meghatározott célból használhatja fel, illetve kezelheti. A hatályos adatvédelmi és adatbiztonsági előírások megsértése esetén (különös tekintettel a jogosultságot és a céltól eltérő adatkezelésre) büntetőjogi, polgári jogi és munkajogi (fegyelmi) felelősség terheli.</small>	
 048381396	 EP1511270678

MELLÉKLETEK

**VÉGZETTSÉGET, SZAKKÉPZETTSÉGET, NYELVTUDÁST ÉS TUDOMÁNYOS
FOKOZATOT (Ph.D., D.Sc.) IGAZOLÓ OKLEVELEK MÁSOLATAI**

(18) 20. sz. / 14031

NOS RECTOR ET SENATUS UNIVERSITATIS MEDICINAE
QUINQUECLESIDENSE MEMORIAE COMMEMORANDUM TENERE
praesentium significamus, quibus excolit universis, quod cum
laudabili more ab antiquo institutum sit, ut qui sacris acie artibus
Medicinae operam maxime meruerint, tumque disciplinis debita gratia
ecclesiastica praestantur, postea, praequam ad vitae communis usum et ad pacem
esse conferant, eandem disciplinam Dignos promeriti decipereque
legitimum testimonium accipere solent, Nec Nos considerantes quod

Gabriel Camillo Hunter

die XIXA mensis Octubris
anno MCMLXII in civitate Pestis

post diligentem universarum artis Medicinae disciplinarum frequentationem
se rigoris ex artibus Medicinae legitime praescriptis exemplaribus satisfactione
eruditione earundemque disciplinarum
peritiam se comprehensum, libenter Eundem

Gabriel Camillo Hunter

ad petitionem suam superius factam laudate Nobis attributa die, mense,
et anno infrascriptis

DOCTOREM MEDICINAE UNIVERSAE

creavimus, ac declaravimus divites et concedentes Et omnimodum
potestatem artis Medicinae Universae exercendae
In quorum omnium fidei diploma hoc Universitatis nostrae sigillo munitum
et consensu subscriptorum rectorum Et loci canonici

Datum in urbe Quinqueclidense Hungariae, die XVta et VIctima
mensis Septembris anno millesimo nonagesimo nono

Indagation

Processus consilii exaratis ultion

MIA PESI ORVOSTUDOMANTI EGHELEM RECTORA
ES TANACSA EZHEM tudományra hozzák méltoságának
születi ille, hogy minél inkább észrevesz, hogy az az
orvosi tanulmányokra és tudományokra komoly munkát fordítottak
s ezekben megfelelő felelősséget szereztek és bizonyították, melyek
a tudományok és orvosi gyakorlati megismerés az emelkedett tudományok
doktrínáinak legitimitásának és ezzel bizonyították, hogy
emelték a Mi fogalomhoz, hogy

Peter Gabor Kanillo

die XXII de Octobris
anno MCMLXII in civitate Pestis
az orvostudomány tudományait szorgalmasan
hallgatta és árt-egészségügyi orvostudományi szigorlatok megítélését,
alátette, azokban tudományok bizonyult és

szintre emelték

Peter Gabor Kanillo

derovatkozó saját kérésére a nekünk adott hatalommal fogva
az alulírt ében, honapban és napon készségesen az összes
orvostudományok doktrínáit az orvosi tudományok egyetemes megismerés
és engedélyezték neki az

ÖSSZES ORVOSTUDOMÁNYOK

egyetemes tudományok Miniszter felhatalmazásával, hogy
részére ez az Egyetemnek posztumusz állított és a szabvány aláírásával
megváltott oklevél kiadásuk

Kell Pécs városban, Magyarországon

1959. évi október

ho 25 napján

Indagation

Decanus

Indagation

Rector



621/2012

**SZAKORVOSI BIZONYÍTVÁNY
A NEMZETI VIZSGABIZOTTSÁG**

tanúsítja, hogy

Dr. Reuter Gábor Kamilló

aki Pécs városban, 1973.10.09. napján született, orvosi pecsétszáma: **58498**, és diplomáját a Pécsi Tudományegyetem Általános Orvostudományi Karán/Szakán 1999. évben szerezte, a szakorvos, szakfogorvos, szakgyógyszerész és klinikai szakpszichológus szakképesítés megszerzéséről szóló 66/1999. (XII. 25.) EüM rendelet előírásainak elegendő téve

kiválóan megfelelt


eredményrel szakvizsgát tett és így szakképesítést szerzett.

Fentieknek megfelelően az

Orvosi mikrobiológia szakorvosa

cím használatára jogosult.

Budapest, 2012. október 29.


a Nemzeti Vizsgabizottság
elnöke



Nyomtatott pályázati anyag hátoldalán: Dr. Végh Péter közjegyző; 7621 Pécs, Ferencesek utcája 21. ügyszám: 41022/H/1743/2015.



HABILITÁCIÓS OKLEVÉL

(Decretum habitationis)

Mi, a Pécsi Tudományegyetem Rectora és Legátusa a Habilitációs Bizottságú köszönik az olvasót.
Ezzel hiteit érdemlő módon tudatjuk, hogy

Reuter Gábor,

aki Pécs helységben, az 1975-dik esztendő október havának 9-dik napján született, a Pécsi Orvostudományi Egyetemen
az 1999-dik évben általános orvos oklevelet szerzett, 2003-ban Ph.D. oklevelet nyert el,
aki a Pécsi Tudományegyetemen oktatói és előadói képességét az Egyetem foglalkoztatási követelményrendszerében,
valamint az Általános Orvostudományi Kar Habilitációs Szabályzatában
megkövetelt módon minden kétséget kizáró módon behírvitotta, a törvényben ránk ruházott hatalomnál fogva a mai napon

habilitált doktorrá (Dr. habil.)

nyilvánítjuk, és egyben az orvostudományok tudományágban önálló egyetemi előadások tartásának jogával (venia legendi) ruházzuk fel.
Fentiek tanúsítására jelen oklevél a Pécsi Tudományegyetem pecsétjével és sajátkezű aláírásunkkal erősítjük meg.

Kelt Pécsen, a 2010. esztendő március havának 22. napján.

az OTL IV előadó



a Pécsi Tudományegyetem rektora

4420104401

Befjel: A Sorozat: N Sorozám: 099 /2000



A PÉCSI TUDOMÁNYEGYETEM
ÁLTALÁNOS ORVOSTUDOMÁNYI KAR
EGÉSZSÉGÜGYI NYELVI ÉS KOMMUNIKÁCIÓS INTÉZETE
tanúsítja, hogy

DR. REUTER GÁBOR.....
aki 1973. évben PÉCS..... városban/községben
született, a mai napon

NÉMET nyelvbeli ALAP
ORVOS SZAKNYELVI anyagból

.....	sikeres szóbeli vizsgát tett
.....	sikeres írásbeli vizsgát tett
.....	sikeres szóbeli és írásbeli vizsgát tett

a táloldalon részletezett eredménnyel.

Pécs, 2000. június 30. napon
Dr. Vég Péter
az Intézet vezetője

ÍRÁSBELI VIZSGA VIZSGAEREDMÉNYEK

VIZSGÁLT NYELVI KÉSZSÉGEK	elérhető pontszám	elért pontszám	a vizsgázó teljesítménye százalékban
Oltasott szakszöveg értelése	40		
A szaknyelvre jellemző nyelvtani és nyelvhászadási ismeretek	30		
Magyar nyelvű szakszöveg fordítása célnyelvre	30		
Az írásbeli vizsga összesített eredménye	100		

SZÓBELI VIZSGA

VIZSGÁLT NYELVI KÉSZSÉGEK	elérhető pontszám	elért pontszám	a vizsgázó teljesítménye százalékban
Önálló témakifejtés a szakterületnek megfelelő számú témából (táblázat, grafikon, kép) elemzése alapján	40	30	75
Magyar nyelvű ismeretlen szakszöveg összefoglalása célnyelven	30		
A szakterületnek megfelelő célnyelvi szöveg hallás utáni értelése	30		
A szóbeli vizsga összesített eredménye	100	30	75

Száma: 5296

A Magyar Tudományos Akadémia Doktori Tanácsa

2015. május 15-én hozott döntésével

Reuter Gábor Kamilló

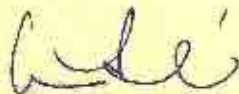
részére, aki 1973. október 9-én Pécsen született,
anyja neve: Varga Mária

tudományos munkásságának törvényes eljárásban elvégzett
vizsgálata alapján

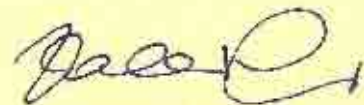
a Magyar Tudományos Akadémia doktora

tudományos címet adományozta.

Budapest, 2015. december 4.



a Magyar Tudományos Akadémia
elnöke



az MTA Doktori Tanácsa
elnöke